

## pFusionRed-talin vector

### Table of restriction sites

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AanI	TTA!TAA	2	9171; 9376
AarI	CACCTGCNNNN!	2	2058; 7146
AarI	!NNNNNNNNGCAGGTG	1	6433
AasI	GACNNNN!NNGTC	6	2400; 6733; 7546; 9459; 10415; 12204
AatI	AGG!CCT	6	1345; 3472; 4603; 6571; 8758; 10209
AatII	GACGT!C	4	125; 178; 261; 447
AbsI	CC!TCGAGG	0	
AccI	GT!MKAC	4	1891; 6473; 7230; 8909
AccII	CG!CG	17	60; 4047; 8308; 9037; 9312; 9688; 9708; 9732; 9763; 10454; 10755; 11193; 11277; 11340; 11409; 11682; 12263
AccIII	T!CCGGA	0	
Acc16I	TGC!GCA	4	3356; 3711; 3745; 10490
Acc36I	ACCTGCNNNN!	5	2058; 2558; 7146; 10656; 11106
Acc36I	!NNNNNNNNGCAGGT	3	3982; 6433; 10275
Acc65I	G!GTACC	1	6562
AccB1I	G!GYRCC	12	465; 1617; 4710; 6445; 6562; 7326; 7771; 8383; 8443; 9541; 10387; 10422
AccB7I	CCANNNN!NTGG	5	1251; 2231; 2790; 6534; 8928
AccBSI	CCG!CTC	2	9812; 11001
AccBSI	GAG!CGG	4	744; 9031; 9648; 11055
AceIII	CAGCTCNNNNNNN!	11	1822; 2835; 3093; 3601; 3863; 4013; 4696; 5501; 6991; 7958; 9344
AceIII	!NNNNNNNNNNGAGCTG	11	552; 1024; 2578; 2968; 3002; 3492; 3727; 6394; 7735; 8170; 8329
AciI	C!CGC	56	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 729; 2525; 2681; 3120; 3242; 3275; 4233; 4397; 4595; 4961; 5180; 5684; 5785; 5908; 6504; 6782; 6810; 7577; 7583; 7826; 8306; 8642; 8780; 8882; 9035; 9703; 9706; 9720; 9810; 10058; 10070; 10079; 10091; 10101; 10112; 10158; 10297; 10360; 10862; 10907; 10973; 10999; 11124; 11127; 11275; 11407; 11714; 11858; 12354
AciI	G!CGG	47	370; 403; 528; 744; 1173; 1221; 2447; 3259; 3478; 3649; 3931; 4047; 4651; 5638; 5658; 6116; 6946; 7114; 7279; 7464; 7645; 7846; 8059; 8477; 8789; 8831; 9031; 9648; 9675; 9763; 9873; 10454; 10518; 10619; 10622; 10902; 10957; 11055; 11193; 11340; 11480; 11723; 11968; 12089; 12108; 12235; 12263
AcII	AA!CGTT	1	5941
AcIWI	GGATCNNNN!	8	754; 10256; 10567; 10813; 11205; 11564; 11662; 11748
AcIWI	!NNNNNGATCC	13	580; 741; 1368; 2262; 2326; 3219; 4066; 8208; 8864; 10632; 11176; 11563; 11660
AcoI	Y!GGCCR	24	2073; 2208; 2454; 2870; 3260; 3338; 3734; 4254; 4455; 4505; 4716; 5237; 5544; 5789; 6321; 6797; 7359; 7847; 8987; 9032; 10294; 10468; 10859; 10886
AcsI	R!AATTY	7	629; 1351; 2025; 5765; 9202; 9306; 9317
AcuI	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNN!	13	679; 925; 1447; 4576; 5828; 6299; 7178; 7456; 7523; 7639; 8839; 10534; 10966
AcuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	9	1921; 2093; 2719; 3063; 3671; 4458; 7399; 8228; 11764
AcvI	CAC!GTG	2	2994; 7401
AcyI	GR!CGYC	11	122; 175; 258; 444; 722; 7327; 7772; 8906; 10388; 11090; 11169
AdeI	CACNNN!GTG	5	3805; 4697; 5832; 8979; 9504
AfaI	GT!AC	27	219; 244; 299; 332; 383; 540; 718; 883; 1271; 1529; 1781; 1948; 2799; 3812; 3903; 5100; 5219; 5247; 5851; 6401; 6564; 7337; 8230; 8374; 8524; 8776; 10694
AfeI	AGC!GCT	4	596; 2532; 5796; 6930

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AfiI	CCNNNNN!NNGG	58	49; 814; 867; 1251; 1443; 1587; 2206; 2231; 2277; 2436; 2490; 2556; 2634; 2790; 3017; 3126; 3880; 4336; 4446; 4524; 4539; 4854; 4906; 5109; 5337; 5528; 5670; 5713; 6033; 6215; 6402; 6534; 6690; 7323; 7839; 8055; 8216; 8282; 8319; 8440; 8719; 8785; 8928; 9400; 9726; 10118; 10369; 10913; 11194; 11226; 11358; 11393; 11443; 11475; 11828; 12107; 12273; 12291
AflII	C!TTAAG	3	1840; 3868; 9270
AflIII	A!CRYGT	2	4799; 12306
AgeI	A!CCGGT	1	8319
AgsI	TTS!AA	13	1155; 4141; 4348; 4368; 4577; 5857; 7659; 8406; 9799; 9843; 9853; 10266; 11842
AhdI	GACNNN!NNGTC	1	1911
AhII	A!CTAGT	0	
AjiI	CAC!GTC	0	
AjiI	GAC!GTG	1	4266
Ajnl	!CCWGG	65	88; 281; 758; 1621; 2030; 2168; 2210; 2276; 2576; 2633; 2684; 2966; 3113; 3125; 3146; 3389; 3627; 3680; 3731; 3879; 3971; 4037; 4167; 4251; 4439; 4484; 4523; 4538; 4713; 4769; 5054; 5091; 5102; 5108; 5171; 5607; 5867; 6017; 6026; 6545; 6566; 6761; 6911; 7382; 7493; 7624; 7886; 7901; 7955; 8009; 8048; 8087; 8504; 8648; 8663; 8792; 9922; 9977; 9994; 10773; 11352; 11455; 12145; 12158; 12279
AjuI	GAANNNNNNNTTGGNNNNNNNNNN!	1	7584
AjuI	!NNNNNNCCAANNNNNNNTTC	1	5365
AjuI	CCAANNNNNNNTTCNNNNNNNNNN!	1	5397
AjuI	!NNNNNNNGAANNNNNNNTTGG	1	7552
AleI	CACNN!NNGTG	3	2832; 5755; 8332
AlfI	GCANNNNNTGCNNNNNNNNNN!	4	4211; 7952; 9962; 10034
AlfI	!NNNNNNNNNGCANNNNNTGC	4	4177; 7918; 9928; 10000
AloI	GAACNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	1	9470
AloI	!NNNNNNNGGANNNNNGTTC	0	
AloI	GGANNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	0	
AloI	!NNNNNNNGAACNNNNNTCC	1	9438
AluI	AG!CT	100	566; 618; 624; 841; 1038; 1122; 1275; 1542; 1736; 1812; 2230; 2296; 2418; 2592; 2652; 2758; 2787; 2825; 2847; 2878; 2911; 2928; 2982; 3016; 3083; 3207; 3322; 3352; 3412; 3506; 3565; 3591; 3617; 3699; 3741; 3853; 3867; 3938; 3954; 4003; 4015; 4207; 4244; 4375; 4381; 4492; 4644; 4686; 4749; 5008; 5165; 5344; 5491; 5542; 5616; 5651; 5700; 5820; 6153; 6285; 6306; 6352; 6408; 6489; 6754; 6831; 6981; 7309; 7446; 7488; 7566; 7608; 7617; 7684; 7749; 7873; 7882; 7936; 7948; 7953; 7963; 8071; 8184; 8205; 8250; 8343; 8370; 8516; 8823; 9167; 9334; 9591; 9886; 10174; 10494; 10952; 11749; 12006; 12052; 12142
AluBI	AG!CT	100	566; 618; 624; 841; 1038; 1122; 1275; 1542; 1736; 1812; 2230; 2296; 2418; 2592; 2652; 2758; 2787; 2825; 2847; 2878; 2911; 2928; 2982; 3016; 3083; 3207; 3322; 3352; 3412; 3506; 3565; 3591; 3617; 3699; 3741; 3853; 3867; 3938; 3954; 4003; 4015; 4207; 4244; 4375; 4381; 4492; 4644; 4686; 4749; 5008; 5165; 5344; 5491; 5542; 5616; 5651; 5700; 5820; 6153; 6285; 6306; 6352; 6408; 6489; 6754; 6831; 6981; 7309; 7446; 7488; 7566; 7608; 7617; 7684; 7749; 7873; 7882; 7936; 7948; 7953; 7963; 8071; 8184; 8205; 8250; 8343; 8370; 8516; 8823; 9167; 9334; 9591; 9886; 10174; 10494; 10952; 11749; 12006; 12052; 12142
AlwI	GGATCNNNN!	8	754; 10256; 10567; 10813; 11205; 11564; 11662; 11748
AlwI	!NNNNNGATCC	13	580; 741; 1368; 2262; 2326; 3219; 4066; 8208; 8864; 10632; 11176; 11563; 11660
Alw21I	GWGCW!C	17	620; 1973; 2520; 2772; 3588; 3940; 4702; 6491; 7097; 7490; 7568; 7716; 8264; 8413; 10501; 10691; 11996
Alw26I	GTCTCN!	7	434; 1335; 1575; 1919; 4992; 5565; 6528
Alw26I	!NNNNNGAGAC	19	891; 1201; 1256; 1748; 2185; 2335; 4256; 4747; 5510; 5620; 8092; 8249; 8761; 8851; 8950; 9812; 10230; 11249; 11377
Alw44I	G!TGCAC	4	4698; 7712; 8409; 11992
AlwNI	CAGNNN!CTG	16	2494; 2550; 3309; 3390; 3421; 3460; 4075; 4440; 4618; 5082; 5953; 6408; 7110; 7956; 11489; 11897
Ama87I	C!YCGRG	11	613; 1259; 3854; 4004; 4421; 4445; 4518; 4658; 5492; 5513; 5801
Aor13HI	T!CCGGA	0	
Aor51HI	AGC!GCT	4	596; 2532; 5796; 6930
ApaI	GGGCC!C	2	3484; 7077

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
ApaBI	GCANNNNN!TGC	14	1135; 2158; 2675; 3310; 3422; 3461; 3998; 5882; 5954; 6098; 6590; 9956; 10028; 11490
ApaLI	G!TGCAC	4	4698; 7712; 8409; 11992
ApeKI	G!CWGC	123	1215; 1218; 1720; 1941; 2058; 2164; 2218; 2425; 2473; 2553; 2560; 2598; 2649; 2674; 2677; 2752; 2755; 2908; 2928; 2947; 2950; 2982; 2985; 2988; 3217; 3271; 3300; 3303; 3319; 3352; 3384; 3400; 3412; 3415; 3439; 3442; 3454; 3604; 3624; 3646; 3696; 3741; 3751; 3847; 3850; 3954; 4000; 4042; 4057; 4130; 4244; 4375; 4378; 4648; 4654; 4746; 4957; 4969; 5122; 5320; 5422; 5613; 5651; 5697; 5797; 5872; 5884; 5910; 6007; 6091; 6100; 6349; 6358; 6419; 6538; 6583; 6751; 6838; 6940; 6943; 6978; 7213; 7306; 7404; 7440; 7443; 7498; 7579; 7594; 7597; 7614; 7684; 7699; 7702; 7726; 7735; 7828; 7843; 7870; 7879; 7936; 8014; 8071; 8074; 8149; 8220; 8223; 8528; 8672; 8970; 9164; 9683; 10348; 10449; 10491; 10532; 10625; 11012; 11465; 11691; 11897; 11900; 11965
ApoI	R!AATTY	7	629; 1351; 2025; 5765; 9202; 9306; 9317
ApyPI	ATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	10903
ApyPI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGAT	3	10697; 11350; 12188
AquII	GCCGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	4533; 4986; 10787
AquII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCGGC	3	7317; 8273; 8504
AquIII	GAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	6056; 10216
AquIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTC	1	4411
AquIV	GRGGAAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1627; 3579
AquIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCYC	2	4306; 10958
ArsI	GACNNNNNTTYGNNNNNNNNNNNN!	1	2947
ArsI	!NNNNNNCRAANNNNNNGTC	0	
ArsI	CRAANNNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNNGACNNNNNNNTTYG	1	2915
AscI	GG!CGCGCC	0	
AseI	AT!TAAT	1	7
Asi256I	G!ATC	38	586; 610; 747; 1374; 1476; 1803; 2064; 2268; 2332; 3187; 3225; 3910; 4072; 5403; 5668; 6882; 7981; 8214; 8315; 8844; 8870; 9046; 10226; 10230; 10249; 10560; 10638; 10719; 10728; 10806; 11182; 11198; 11557; 11569; 11647; 11655; 11666; 11741
AsiGI	A!CCGGT	1	8319
AsiSI	GCGAT!CGC	0	
AspI	GACN!NNGTC	3	3148; 4825; 10506
Asp700I	GAANN!NNTTC	2	1432; 2507
Asp718I	G!GTACC	1	6562
AspA2I	C!CTAGG	5	3720; 4848; 6846; 10210; 11225
AspEI	GACNNN!NNGTC	1	1911
AspLEI	GCG!C	43	597; 651; 2003; 2124; 2533; 2717; 3113; 3357; 3389; 3712; 3746; 4047; 4062; 5210; 5797; 6382; 6931; 7329; 7774; 8269; 8299; 8803; 9010; 9654; 9662; 9688; 9710; 9719; 9732; 9763; 10382; 10390; 10454; 10491; 10757; 11017; 11193; 11279; 11682; 11791; 11965; 12065; 12132
AspS9I	G!GNCC	61	83; 276; 756; 766; 1070; 1164; 1384; 1545; 1860; 2017; 2459; 2481; 2574; 2688; 2709; 2970; 3000; 3019; 3117; 3129; 3481; 3678; 3778; 4173; 4437; 4448; 4515; 4530; 4845; 5106; 5661; 5844; 5928; 6163; 6289; 6411; 6735; 6909; 7074; 7395; 7530; 7539; 7628; 7815; 7890; 8036; 8061; 8273; 8279; 8291; 8479; 8722; 8814; 8835; 8919; 9495; 10904; 11349; 11395; 11453; 11486
AssI	AGT!ACT	1	5851
AsuII	TT!CGAA	3	627; 8081; 11070
AsuC2I	CC!SGG	13	2565; 2730; 4660; 6688; 7363; 8277; 8283; 8555; 8903; 10392; 10552; 11165; 11929
AsuHPI	GGTGANNNNNNN!	18	376; 693; 942; 1692; 2424; 3103; 3945; 4864; 6184; 6225; 6928; 7011; 8121; 8346; 8715; 9025; 11459; 11575
AsuHPI	!NNNNNNNTCACC	14	996; 1692; 2058; 2364; 2819; 2955; 3051; 4683; 5856; 6426; 8309; 8604; 9505; 10566
AsuNHI	G!CTAGC	4	591; 2652; 5538; 7897
AvaI	C!YCGRG	11	613; 1259; 3854; 4004; 4421; 4445; 4518; 4658; 5492; 5513; 5801
AvaII	G!GWCC	25	1070; 1164; 1384; 1860; 2017; 2688; 3678; 3778; 4173; 4437; 4530; 4845; 5661; 5928; 6163; 6735; 7395; 7530; 7539; 8273; 8279; 8291; 8919; 10904; 11349
AviII	TGC!GCA	4	3356; 3711; 3745; 10490

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AvrII	C!CTAGG	5	3720; 4848; 6846; 10210; 11225
AxyI	CC!TNAGG	5	4433; 5411; 8588; 9868; 11500
BaeI	ACNNNNGTAYCNNNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNGRTACNNNNNGT	1	901
BaeI	GRTACNNNNGTNNNNNNNNNNNNNN!	1	934
BaeI	!NNNNNNNNNNACNNNNNGTAYC	0	
BaeGI	GKGC!C	14	993; 1622; 3484; 4702; 5310; 6504; 7077; 7716; 8386; 8413; 8446; 10334; 10427; 11996
BalI	TGG!CCA	12	2075; 2210; 2872; 3340; 4256; 4718; 5239; 5546; 5791; 6799; 8989; 10470
BamHI	G!GATCC	1	746
BanI	G!GYRCC	12	465; 1617; 4710; 6445; 6562; 7326; 7771; 8383; 8443; 9541; 10387; 10422
BanII	GRGCY!C	15	620; 788; 3484; 3940; 4539; 5435; 5480; 6491; 7077; 7350; 7490; 7568; 9579; 10753; 11463
BanIII	AT!CGAT	1	10228
BarI	GAAGNNNNNTACNNNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGTANNNNNNCTTC	0	
BarI	GTANNNNNNCTTCNNNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGAAGNNNNNNNTAC	0	
BasI	CCANNNN!NTGG	5	1251; 2231; 2790; 6534; 8928
BauI	C!ACGAG	4	1298; 8974; 11106; 12133
BauI	C!TCGTG	2	8824; 10980
BbeI	GGCGC!C	3	7330; 7775; 10391
Bbr7I	GAAGACNNNNNN!	8	696; 945; 1680; 6076; 6868; 7171; 8095; 8635
Bbr7I	!NNNNNNNNNNNGTCTTC	2	4560; 7105
BbrPI	CAC!GTG	2	2994; 7401
BbsI	GAAGACNN!	8	691; 940; 1675; 6071; 6863; 7166; 8090; 8630
BbsI	!NNNNNNGTCTTC	2	4565; 7110
BbuI	GCATG!C	6	2046; 2151; 3400; 9958; 10030; 10793
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	61	1953; 2070; 2485; 2572; 2610; 2661; 2689; 2767; 2920; 2959; 3000; 3283; 3312; 3331; 3361; 3396; 3412; 3427; 3454; 3636; 3658; 3708; 3859; 4012; 4142; 4390; 4758; 4969; 5134; 5332; 5434; 5625; 5709; 5922; 6019; 6103; 6361; 6595; 6763; 6850; 6955; 6990; 7318; 7452; 7591; 7609; 7626; 7714; 7747; 7882; 8086; 8161; 8232; 8540; 8982; 9176; 10461; 10503; 11024; 11477; 11977
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	46	1202; 1707; 2151; 2205; 2412; 2540; 2661; 2739; 2915; 2969; 3204; 3339; 3399; 3426; 3591; 3728; 3941; 4029; 4231; 4362; 4635; 5638; 5784; 5859; 6087; 6345; 6406; 6525; 6927; 7200; 7391; 7485; 7581; 7671; 7713; 7815; 7923; 8001; 8058; 8659; 9670; 10335; 10519; 10612; 11678; 11884
Bbv12I	GWGCW!C	17	620; 1973; 2520; 2772; 3588; 3940; 4702; 6491; 7097; 7490; 7568; 7716; 8264; 8413; 10501; 10691; 11996
BbvCI	CC!TCAGC	1	7920
BbvCI	GC!TGAGG	2	3173; 3323
BccI	CCATCNNNN!	19	711; 1331; 2002; 2296; 2386; 3061; 3373; 3952; 4798; 5275; 5578; 6151; 6634; 7594; 7702; 9518; 10082; 10608; 11110
BccI	!NNNNNGATGG	21	1035; 1107; 1759; 2241; 2914; 3099; 3243; 3633; 3783; 3853; 4497; 5061; 5275; 5910; 6246; 6996; 7792; 9010; 9486; 10266; 10694
BceAI	ACGGCNNNNNNNNNNNN!	11	1989; 2972; 7354; 8020; 8280; 8541; 8685; 8736; 8802; 10814; 11301
BceAI	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	7	3499; 4270; 6043; 7192; 9529; 10347; 11806
Bcefl	ACGGCNNNNNNNNNNNN!	11	1989; 2972; 7354; 8020; 8280; 8541; 8685; 8736; 8802; 10814; 11301
Bcefl	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	7	3500; 4271; 6044; 7193; 9530; 10348; 11807
BcgI	CGANNNNNNTGCNNNNNNNNNNNN!	1	4004
BcgI	!NNNNNNNNNNNGCANNNNNNTCG	0	
BcgI	GCANNNNNNTCGNNNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNNCGANNNNNNTGC	1	3970
BciVI	GTATCCNNNNNN!	3	9817; 10607; 12108
BciVI	!NNNNNGGATAC	0	
BclI	T!GATCA	1	6881
BcnI	CC!SGG	13	2565; 2730; 4660; 6688; 7363; 8277; 8283; 8555; 8903; 10392; 10552; 11165; 11929
BcuI	A!CTAGT	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BdaI	TGANNNNNNNTCANNNNNNNNNNNN!	4	955; 2558; 7504; 12241
BdaI	!NNNNNNNNNNNTGANNNNNNNTCA	4	921; 2524; 7470; 12207
BfaI	C!TAG	32	592; 634; 826; 1582; 2653; 2848; 3200; 3581; 3721; 3820; 4033; 4750; 4849; 4978; 5183; 5278; 5539; 5665; 6154; 6286; 6739; 6847; 7078; 7678; 7898; 9043; 9237; 9655; 10211; 11226; 11560; 11813
BfiI	ACTGGGNNNNN!	1	10337
BfiI	!NNNNCCCAGT	6	289; 5304; 5841; 6458; 6780; 10089
BfmI	C!TRYAG	25	2336; 2554; 2675; 2753; 2912; 2986; 3413; 3440; 3622; 3832; 4076; 4376; 5120; 5753; 5873; 6101; 6347; 6941; 6968; 7595; 7700; 8072; 9723; 11850; 12041
BfoI	RGCGC!Y	16	598; 2125; 2534; 3390; 5211; 5798; 6383; 6932; 7330; 7775; 8270; 9011; 9655; 9663; 10391; 12066
BfrI	C!TTAAG	3	1840; 3868; 9270
BfuI	GTATCCNNNNNN!	3	9817; 10607; 12108
BfuI	!NNNNNGGATAC	0	
BfuAI	ACCTGCNNNN!	5	2058; 2558; 7146; 10656; 11106
BfuAI	!NNNNNNNNNGCAGGT	3	3982; 6433; 10275
BfuCI	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
BglI	GCCNNNN!NGGC	17	90; 212; 283; 2119; 3469; 4253; 4513; 4600; 4933; 4966; 5414; 5638; 5983; 7081; 7591; 8798; 10163
BglII	A!GATCT	3	609; 1475; 3909
BisI	GC!NGC	154	729; 1216; 1219; 1721; 1942; 2059; 2165; 2219; 2426; 2448; 2474; 2554; 2561; 2599; 2650; 2675; 2681; 2753; 2756; 2909; 2929; 2948; 2951; 2983; 2986; 2989; 3218; 3260; 3275; 3301; 3304; 3320; 3353; 3385; 3401; 3413; 3416; 3440; 3443; 3455; 3605; 3625; 3647; 3650; 3697; 3742; 3752; 3848; 3851; 3955; 4001; 4043; 4058; 4131; 4245; 4376; 4379; 4397; 4595; 4649; 4655; 4747; 4961; 4970; 5123; 5321; 5423; 5614; 5639; 5652; 5684; 5698; 5785; 5798; 5873; 5885; 5911; 6008; 6092; 6101; 6117; 6350; 6359; 6420; 6539; 6584; 6752; 6782; 6839; 6941; 6944; 6979; 7214; 7307; 7405; 7441; 7444; 7499; 7577; 7583; 7595; 7598; 7615; 7685; 7700; 7703; 7727; 7736; 7829; 7844; 7847; 7871; 7880; 7937; 8015; 8060; 8072; 8075; 8150; 8221; 8224; 8478; 8529; 8673; 8790; 8971; 9035; 9165; 9684; 9706; 9720; 10158; 10297; 10349; 10360; 10450; 10455; 10492; 10533; 10620; 10626; 10862; 10958; 10999; 11013; 11127; 11466; 11481; 11692; 11898; 11901; 11966; 12109; 12264
BlnI	C!CTAGG	5	3720; 4848; 6846; 10210; 11225
BlpI	GC!TNAGC	5	2519; 2534; 3566; 3587; 7949
BlsI	GCN!GC	154	730; 1217; 1220; 1722; 1943; 2060; 2166; 2220; 2427; 2449; 2475; 2555; 2562; 2600; 2651; 2676; 2682; 2754; 2757; 2910; 2930; 2949; 2952; 2984; 2987; 2990; 3219; 3261; 3276; 3302; 3305; 3321; 3354; 3386; 3402; 3414; 3417; 3441; 3444; 3456; 3606; 3626; 3648; 3651; 3698; 3743; 3753; 3849; 3852; 3956; 4002; 4044; 4059; 4132; 4246; 4377; 4380; 4398; 4596; 4650; 4656; 4748; 4962; 4971; 5124; 5322; 5424; 5615; 5640; 5653; 5685; 5699; 5786; 5799; 5874; 5886; 5912; 6009; 6093; 6102; 6118; 6351; 6360; 6421; 6540; 6585; 6753; 6783; 6840; 6942; 6945; 6980; 7215; 7308; 7406; 7442; 7445; 7500; 7578; 7584; 7596; 7599; 7616; 7686; 7701; 7704; 7728; 7737; 7830; 7845; 7848; 7872; 7881; 7938; 8016; 8061; 8073; 8076; 8151; 8222; 8225; 8479; 8530; 8674; 8791; 8972; 9036; 9166; 9685; 9707; 9721; 10159; 10298; 10350; 10361; 10451; 10456; 10493; 10534; 10621; 10627; 10863; 10959; 11000; 11014; 11128; 11467; 11482; 11693; 11899; 11902; 11967; 12110; 12265
BmcAI	AGT!ACT	1	5851
Bme18I	G!GWCC	25	1070; 1164; 1384; 1860; 2017; 2688; 3678; 3778; 4173; 4437; 4530; 4845; 5661; 5928; 6163; 6735; 7395; 7530; 7539; 8273; 8279; 8291; 8919; 10904; 11349
Bme1390I	CC!NGG	78	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2565; 2578; 2635; 2686; 2730; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4660; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6688; 6763; 6913; 7363; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8277; 8283; 8506; 8555; 8650; 8665; 8794; 8903; 9924; 9979; 9996; 10392; 10552; 10775; 11165; 11354; 11457; 11929; 12147; 12160; 12281

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BmeRI	GACNNN!NNGTC	1	1911
BmeT110I	C!YCGRG	11	613; 1259; 3854; 4004; 4421; 4445; 4518; 4658; 5492; 5513; 5801
BmgBI	CAC!GTC	0	
BmgBI	GAC!GTG	1	4266
BmgT120I	GG!NCC	61	84; 277; 757; 767; 1071; 1165; 1385; 1546; 1861; 2018; 2460; 2482; 2575; 2689; 2710; 2971; 3001; 3020; 3118; 3130; 3482; 3679; 3779; 4174; 4438; 4449; 4516; 4531; 4846; 5107; 5662; 5845; 5929; 6164; 6290; 6412; 6736; 6910; 7075; 7396; 7531; 7540; 7629; 7816; 7891; 8037; 8062; 8274; 8280; 8292; 8480; 8723; 8815; 8836; 8920; 9496; 10905; 11350; 11396; 11454; 11487
BmiI	GGN!NCC	51	467; 748; 1071; 1072; 1320; 1619; 1696; 2010; 2133; 2461; 3483; 4174; 4175; 4517; 4712; 5030; 5090; 5432; 5662; 6447; 6564; 6760; 6852; 7075; 7328; 7342; 7532; 7541; 7575; 7773; 8008; 8274; 8280; 8292; 8304; 8385; 8445; 8836; 9543; 9564; 9576; 9767; 9928; 10000; 10389; 10424; 11272; 11351; 11396; 12239; 12278
BmrI	ACTGGGNNNNN!	1	10337
BmrI	!NNNNCCCAGT	6	289; 5304; 5841; 6458; 6780; 10089
BmrFI	CC!NGG	78	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2565; 2578; 2635; 2686; 2730; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4660; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6688; 6763; 6913; 7363; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8277; 8283; 8506; 8555; 8650; 8665; 8794; 8903; 9924; 9979; 9996; 10392; 10552; 10775; 11165; 11354; 11457; 11929; 12147; 12160; 12281
BmsI	GCATCNNNNN!	13	827; 1643; 3131; 4165; 4685; 4877; 8567; 9204; 9967; 10039; 10687; 10751; 11026
BmsI	!NNNNNNNNNGATGC	20	357; 680; 1643; 2069; 2205; 2274; 3084; 3159; 3225; 3683; 4284; 4902; 5735; 8153; 8720; 8888; 10346; 10601; 10817; 12209
BmtI	GCTAG!C	4	595; 2656; 5542; 7901
BmuI	ACTGGGNNNNN!	1	10337
BmuI	!NNNNCCCAGT	6	289; 5304; 5841; 6458; 6780; 10089
BoxI	GACNN!NNGTC	2	4026; 8962
BpiI	GAAGACNN!	8	691; 940; 1675; 6071; 6863; 7166; 8090; 8630
BpiI	!NNNNNNGTCTTC	2	4565; 7110
BpI	GAGNNNNNCTCNNNNNNNNNNNNN!	6	1757; 1992; 2289; 6540; 10177; 11076
BpI	!NNNNNNNNNGAGNNNNNNCTC	6	1725; 1960; 2257; 6508; 10145; 11044
BpmI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNN!	11	1894; 2027; 2455; 3211; 3412; 4792; 5492; 5638; 6049; 7630; 11228
BpmI	!NNNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	6	2127; 5370; 6529; 7993; 8647; 11171
Bpu10I	CC!TNAGC	2	5899; 7920
Bpu10I	GC!TNAGG	5	3173; 3323; 3764; 4199; 4598
Bpu14I	TT!CGAA	3	627; 8081; 11070
Bpu1102I	GC!TNAGC	5	2519; 2534; 3566; 3587; 7949
BpuAI	GAAGACNN!	8	691; 940; 1675; 6071; 6863; 7166; 8090; 8630
BpuAI	!NNNNNNGTCTTC	2	4565; 7110
BpuEI	CTTGAGNNNNNNNNNNNNNNN!	3	8875; 11682; 12221
BpuEI	!NNNNNNNNNNNNNNNCTCAAG	11	604; 1540; 2677; 4618; 5708; 6967; 7012; 7742; 8878; 10764; 11923
BpuMI	CC!SGG	13	2565; 2730; 4660; 6688; 7363; 8277; 8283; 8555; 8903; 10392; 10552; 11165; 11929
BpvUI	CGAT!CG	0	
BsaI	GGTCTCN!	1	6528
BsaI	!NNNNNGAGACC	6	891; 1256; 5510; 8851; 8950; 11377
Bsa29I	AT!CGAT	1	10228
BsaAI	YAC!GTR	6	340; 1536; 2994; 7401; 9504; 10692
BsaBI	GATNN!NNATC	2	9050; 10247
BsaHI	GR!CGYC	11	122; 175; 258; 444; 722; 7327; 7772; 8906; 10388; 11090; 11169

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BsaJI	C!CNGGG	81	360; 641; 710; 758; 875; 1167; 1442; 1523; 1621; 1673; 2085; 2168; 2276; 2406; 2684; 2801; 2954; 2966; 3086; 3263; 3467; 3515; 3552; 3720; 3731; 3880; 3971; 3972; 4037; 4167; 4168; 4422; 4538; 4658; 4841; 4848; 4931; 5102; 5108; 5228; 5426; 5607; 5608; 5867; 5978; 6017; 6026; 6209; 6224; 6414; 6437; 6566; 6731; 6794; 6846; 6905; 6911; 6912; 6995; 7178; 7624; 7625; 7637; 7887; 8330; 8417; 8648; 9922; 9994; 10117; 10152; 10161; 10210; 10551; 10820; 11225; 11352; 11353; 11455; 11456; 12146
BsaMI	GAATGCN!	2	6753; 9139
BsaMI	G!CATTC	1	9232
BsaWI	W!CCGGW	7	600; 3010; 8319; 10419; 11263; 11953; 12100
BsaXI	ACNNNNNCTCCNNNNNNNNNN!	2	1585; 9468
BsaXI	!NNNNNNNGGAGNNNNNGT	0	
BsaXI	GGAGNNNNNGTNNNNNNNNNN!	0	
BsaXI	!NNNNNNNNNACNNNNNCTCC	2	1555; 9438
BsbI	CAACACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	3451
BsbI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTGTG	3	3786; 9389; 11296
Bsc4I	CCNNNNN!NNGG	58	49; 814; 867; 1251; 1443; 1587; 2206; 2231; 2277; 2436; 2490; 2556; 2634; 2790; 3017; 3126; 3880; 4336; 4446; 4524; 4539; 4854; 4906; 5109; 5337; 5528; 5670; 5713; 6033; 6215; 6402; 6534; 6690; 7323; 7839; 8055; 8216; 8282; 8319; 8440; 8719; 8785; 8928; 9400; 9726; 10118; 10369; 10913; 11194; 11226; 11358; 11393; 11443; 11475; 11828; 12107; 12273; 12291
BscAI	GCATCNNNN!	13	826; 1642; 3130; 4164; 4684; 4876; 8566; 9203; 9966; 10038; 10686; 10750; 11025
BscAI	!NNNNNGATGC	20	360; 683; 1646; 2072; 2208; 2277; 3087; 3162; 3228; 3686; 4287; 4905; 5738; 8156; 8723; 8891; 10349; 10604; 10820; 12212
BseI	ACTGGN!	19	1031; 1162; 1619; 2133; 2870; 3500; 4412; 4869; 5027; 6332; 7115; 7455; 7721; 7796; 8933; 9006; 10332; 10533; 11779
BseI	C!CAGT	19	295; 1365; 1377; 2069; 2582; 4780; 5211; 5310; 5847; 6095; 6311; 6464; 6587; 6786; 7709; 9417; 10095; 11891; 11904
Bse8I	GATNN!NNATC	2	9050; 10247
Bse2II	CC!TNAGG	5	4433; 5411; 8588; 9868; 11500
Bse118I	R!CCGGY	7	2456; 3025; 8319; 9605; 10707; 10888; 11171
BseAI	T!CCGGA	0	
BseBI	CC!WGG	65	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2578; 2635; 2686; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6763; 6913; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8506; 8650; 8665; 8794; 9924; 9979; 9996; 10775; 11354; 11457; 12147; 12160; 12281
BseCI	AT!CGAT	1	10228
BseDI	C!CNGGG	81	360; 641; 710; 758; 875; 1167; 1442; 1523; 1621; 1673; 2085; 2168; 2276; 2406; 2684; 2801; 2954; 2966; 3086; 3263; 3467; 3515; 3552; 3720; 3731; 3880; 3971; 3972; 4037; 4167; 4168; 4422; 4538; 4658; 4841; 4848; 4931; 5102; 5108; 5228; 5426; 5607; 5608; 5867; 5978; 6017; 6026; 6209; 6224; 6414; 6437; 6566; 6731; 6794; 6846; 6905; 6911; 6912; 6995; 7178; 7624; 7625; 7637; 7887; 8330; 8417; 8648; 9922; 9994; 10117; 10152; 10161; 10210; 10551; 10820; 11225; 11352; 11353; 11455; 11456; 12146
Bse3DI	GCAATGNN!	5	2457; 2770; 8003; 8028; 10621
Bse3DI	!CATTGC	11	1814; 3434; 3599; 4916; 5633; 6230; 6605; 7021; 7244; 7550; 8132
BseGI	GGATGNN!	17	920; 954; 1668; 1770; 2187; 2220; 2256; 2445; 2643; 4014; 6966; 7653; 7800; 10248; 10705; 10730; 11184
BseGI	!CATCC	12	1307; 1323; 1835; 3053; 3122; 5480; 7166; 7490; 8413; 8501; 8558; 10074
BseJI	GATNN!NNATC	2	9050; 10247
BseLI	CCNNNNN!NNGG	58	49; 814; 867; 1251; 1443; 1587; 2206; 2231; 2277; 2436; 2490; 2556; 2634; 2790; 3017; 3126; 3880; 4336; 4446; 4524; 4539; 4854; 4906; 5109; 5337; 5528; 5670; 5713; 6033; 6215; 6402; 6534; 6690; 7323; 7839; 8055; 8216; 8282; 8319; 8440; 8719; 8785; 8928; 9400; 9726; 10118; 10369; 10913; 11194; 11226; 11358; 11393; 11443; 11475; 11828; 12107; 12273; 12291
BseMI	GCAATGNN!	5	2457; 2770; 8003; 8028; 10621

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BseMI	!CATTGC	11	1814; 3434; 3599; 4916; 5633; 6230; 6605; 7021; 7244; 7550; 8132
BseMII	CTCAGNNNNNNNNNN!	19	620; 1253; 1790; 1922; 2533; 3155; 3580; 3601; 3674; 3769; 4213; 4447; 5576; 6151; 6883; 7934; 7963; 8054; 11514
BseMII	!NNNNNNNNCTGAG	24	1066; 1171; 2012; 2525; 3164; 3202; 3314; 3691; 3793; 4303; 5347; 5369; 5402; 5890; 7252; 7475; 7547; 7982; 8579; 9859; 10161; 11042; 11614; 12023
BseNI	ACTGGN!	19	1031; 1162; 1619; 2133; 2870; 3500; 4412; 4869; 5027; 6332; 7115; 7455; 7721; 7796; 8933; 9006; 10332; 10533; 11779
BseNI	C!CAGT	19	295; 1365; 1377; 2069; 2582; 4780; 5211; 5310; 5847; 6095; 6311; 6464; 6587; 6786; 7709; 9417; 10095; 11891; 11904
BsePI	G!CGCGC	0	
BseRI	GAGGAGNNNNNNNNNN!	2	6046; 10206
BseRI	!NNNNNNNNCTCCTC	1	4421
BseSI	GKGCM!C	14	993; 1622; 3484; 4702; 5310; 6504; 7077; 7716; 8386; 8413; 8446; 10334; 10427; 11996
BseXI	GCAGCNNNNNNNN!	61	1953; 2070; 2485; 2572; 2610; 2661; 2689; 2767; 2920; 2959; 3000; 3283; 3312; 3331; 3361; 3396; 3412; 3427; 3454; 3636; 3658; 3708; 3859; 4012; 4142; 4390; 4758; 4969; 5134; 5332; 5434; 5625; 5709; 5922; 6019; 6103; 6361; 6595; 6763; 6850; 6955; 6990; 7318; 7452; 7591; 7609; 7626; 7714; 7747; 7882; 8086; 8161; 8232; 8540; 8982; 9176; 10461; 10503; 11024; 11477; 11977
BseXI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	46	1202; 1707; 2151; 2205; 2412; 2540; 2661; 2739; 2915; 2969; 3204; 3339; 3399; 3426; 3591; 3728; 3941; 4029; 4231; 4362; 4635; 5638; 5784; 5859; 6087; 6345; 6406; 6525; 6927; 7200; 7391; 7485; 7581; 7671; 7713; 7815; 7923; 8001; 8058; 8659; 9670; 10335; 10519; 10612; 11678; 11884
BseX3I	C!GGCCG	3	4455; 9032; 10294
BseYI	C!CCAGC	11	2054; 2114; 2711; 2783; 3485; 4703; 5816; 8712; 9931; 10003; 12002
BseYI	G!CTGGG	14	832; 1715; 2857; 3016; 3097; 3957; 4381; 5820; 6408; 6550; 6754; 8269; 8750; 10892
BsgI	GTGCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	10	1312; 2179; 2387; 3403; 3520; 3562; 4102; 6061; 6763; 6857
BsgI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGCAC	3	3782; 6524; 7336
Bsh1236I	CG!CG	17	60; 4047; 8308; 9037; 9312; 9688; 9708; 9732; 9763; 10454; 10755; 11193; 11277; 11340; 11409; 11682; 12263
Bsh1285I	CGRY!CG	6	3030; 4458; 8324; 9035; 10297; 11972
BshFI	GG!CC	93	84; 277; 757; 767; 1345; 1522; 1546; 2075; 2173; 2210; 2456; 2460; 2483; 2576; 2581; 2698; 2710; 2794; 2872; 2971; 3001; 3021; 3118; 3130; 3166; 3262; 3340; 3472; 3482; 3514; 3736; 4087; 4126; 4256; 4396; 4450; 4457; 4507; 4516; 4603; 4718; 4858; 5071; 5107; 5239; 5546; 5791; 5845; 6058; 6142; 6229; 6290; 6323; 6331; 6413; 6571; 6799; 6910; 7057; 7075; 7361; 7630; 7817; 7849; 7892; 8038; 8062; 8480; 8723; 8758; 8792; 8815; 8837; 8947; 8989; 9034; 9354; 9496; 10151; 10157; 10166; 10209; 10296; 10470; 10861; 10888; 11397; 11454; 11487; 11832; 12266; 12284; 12295
BshNI	G!GYRCC	12	465; 1617; 4710; 6445; 6562; 7326; 7771; 8383; 8443; 9541; 10387; 10422
BshTI	A!CCGGT	1	8319
BshVI	AT!CGAT	1	10228
BsiEI	CGRY!CG	6	3030; 4458; 8324; 9035; 10297; 11972
BsiHKAI	GWGCW!C	17	620; 1973; 2520; 2772; 3588; 3940; 4702; 6491; 7097; 7490; 7568; 7716; 8264; 8413; 10501; 10691; 11996
BsiHKCI	C!YCGRG	11	613; 1259; 3854; 4004; 4421; 4445; 4518; 4658; 5492; 5513; 5801
BsiSI	C!CGG	35	601; 2457; 2564; 2729; 3011; 3026; 4454; 4508; 4659; 4900; 6687; 7362; 8217; 8276; 8282; 8294; 8320; 8554; 8903; 9606; 10293; 10370; 10392; 10420; 10551; 10641; 10708; 10889; 11164; 11172; 11264; 11738; 11928; 11954; 12101
BsiWI	C!GTACG	0	
BsII	CCNNNNN!NNGG	58	49; 814; 867; 1251; 1443; 1587; 2206; 2231; 2277; 2436; 2490; 2556; 2634; 2790; 3017; 3126; 3880; 4336; 4446; 4524; 4539; 4854; 4906; 5109; 5337; 5528; 5670; 5713; 6033; 6215; 6402; 6534; 6690; 7323; 7839; 8055; 8216; 8282; 8319; 8440; 8719; 8785; 8928; 9400; 9726; 10118; 10369; 10913; 11194; 11226; 11358; 11393; 11443; 11475; 11828; 12107; 12273; 12291
BsIFI	GGGACNNNNNNNNNN!	14	175; 326; 494; 883; 1077; 4186; 4353; 5299; 5611; 5674; 5837; 10539; 11071; 11180



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BsIF1	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	8	2388; 5377; 5820; 8295; 9904; 9976; 10040; 11335
BsmI	GAATGCN!	2	6753; 9139
BsmI	G!CATTC	1	9232
BsmAI	GTCTCN!	7	434; 1335; 1575; 1919; 4992; 5565; 6528
BsmAI	!NNNNNGAGAC	19	891; 1201; 1256; 1748; 2185; 2335; 4256; 4747; 5510; 5620; 8092; 8249; 8761; 8851; 8950; 9812; 10230; 11249; 11377
BsmBI	CGTCTCN!	0	
BsmBI	!NNNNNGAGACG	5	1201; 4256; 8092; 8249; 8761
BsmFI	GGGACNNNNNNNNN!	14	175; 326; 494; 883; 1077; 4186; 4353; 5299; 5611; 5674; 5837; 10539; 11071; 11180
BsmFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	8	2388; 5377; 5820; 8295; 9904; 9976; 10040; 11335
BsnI	GG!CC	93	84; 277; 757; 767; 1345; 1522; 1546; 2075; 2173; 2210; 2456; 2460; 2483; 2576; 2581; 2698; 2710; 2794; 2872; 2971; 3001; 3021; 3118; 3130; 3166; 3262; 3340; 3472; 3482; 3514; 3736; 4087; 4126; 4256; 4396; 4450; 4457; 4507; 4516; 4603; 4718; 4858; 5071; 5107; 5239; 5546; 5791; 5845; 6058; 6142; 6229; 6290; 6323; 6331; 6413; 6571; 6799; 6910; 7057; 7075; 7361; 7630; 7817; 7849; 7892; 8038; 8062; 8480; 8723; 8758; 8792; 8815; 8837; 8947; 8989; 9034; 9354; 9496; 10151; 10157; 10166; 10209; 10296; 10470; 10861; 10888; 11397; 11454; 11487; 11832; 12266; 12284; 12295
Bso31I	GGTCTCN!	1	6528
Bso31I	!NNNNNGAGACC	6	891; 1256; 5510; 8851; 8950; 11377
BsoBI	C!YCGRG	11	613; 1259; 3854; 4004; 4421; 4445; 4518; 4658; 5492; 5513; 5801
Bsp13I	T!CCGGA	0	
Bsp19I	C!CATGG	12	360; 641; 710; 875; 1167; 3086; 5426; 6209; 6414; 8330; 10117; 10820
Bsp24I	GACNNNNNTGGNNNNNNNNNNN!	2	289; 11191
Bsp24I	!NNNNNNCCANNNNNNNGTC	3	4531; 11612; 11790
Bsp24I	CCANNNNNGTCNNNNNNNNNNN!	3	4563; 11644; 11822
Bsp24I	!NNNNNNNGACNNNNNNNTGG	2	257; 11159
Bsp68I	TCG!CGA	0	
Bsp119I	TT!CGAA	3	627; 8081; 11070
Bsp120I	G!GGCCC	2	3480; 7073
Bsp143I	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
Bsp1286I	GDGCH!C	35	620; 788; 993; 1622; 1973; 2520; 2772; 3484; 3588; 3940; 4539; 4702; 5310; 5435; 5480; 6491; 6504; 7077; 7097; 7350; 7490; 7568; 7716; 8264; 8386; 8413; 8446; 9579; 10334; 10427; 10501; 10691; 10753; 11463; 11996
Bsp1407I	T!GTACA	4	1269; 3810; 5217; 8372
Bsp1720I	GC!TNAGC	5	2519; 2534; 3566; 3587; 7949
BspACI	C!CGC	56	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 729; 2525; 2681; 3120; 3242; 3275; 4233; 4397; 4595; 4961; 5180; 5684; 5785; 5908; 6504; 6782; 6810; 7577; 7583; 7826; 8306; 8642; 8780; 8882; 9035; 9703; 9706; 9720; 9810; 10058; 10070; 10079; 10091; 10101; 10112; 10158; 10297; 10360; 10862; 10907; 10973; 10999; 11124; 11127; 11275; 11407; 11714; 11858; 12354
BspACI	G!CGG	47	370; 403; 528; 744; 1173; 1221; 2447; 3259; 3478; 3649; 3931; 4047; 4651; 5638; 5658; 6116; 6946; 7114; 7279; 7464; 7645; 7846; 8059; 8477; 8789; 8831; 9031; 9648; 9675; 9763; 9873; 10454; 10518; 10619; 10622; 10902; 10957; 11055; 11193; 11340; 11480; 11723; 11968; 12089; 12108; 12235; 12263
BspCNI	CTCAGNNNNNNNN!	19	619; 1252; 1789; 1921; 2532; 3154; 3579; 3600; 3673; 3768; 4212; 4446; 5575; 6150; 6882; 7933; 7962; 8053; 11513
BspCNI	!NNNNNNCTGAG	24	1067; 1172; 2013; 2526; 3165; 3203; 3315; 3692; 3794; 4304; 5348; 5370; 5403; 5891; 7253; 7476; 7548; 7983; 8580; 9860; 10162; 11043; 11615; 12024
BspDI	AT!CGAT	1	10228
BspD6I	GACTCNNNN!	12	418; 612; 960; 1914; 2201; 4315; 6135; 7995; 9047; 9461; 11067; 11944
BspD6I	!NNNNNGAGTC	10	1881; 3695; 4631; 5072; 5943; 6100; 7644; 8602; 9424; 9856
BspEI	T!CCGGA	0	
BspFNI	CG!CG	17	60; 4047; 8308; 9037; 9312; 9688; 9708; 9732; 9763; 10454; 10755; 11193; 11277; 11340; 11409; 11682; 12263
BspHI	T!CATGA	3	977; 9814; 11586

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BspLI	GGN!NCC	51	467; 748; 1071; 1072; 1320; 1619; 1696; 2010; 2133; 2461; 3483; 4174; 4175; 4517; 4712; 5030; 5090; 5432; 5662; 6447; 6564; 6760; 6852; 7075; 7328; 7342; 7532; 7541; 7575; 7773; 8008; 8274; 8280; 8292; 8304; 8385; 8445; 8836; 9543; 9564; 9576; 9767; 9928; 10000; 10389; 10424; 11272; 11351; 11396; 12239; 12278
BspMI	ACCTGCNNNN!	5	2058; 2558; 7146; 10656; 11106
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	3	3982; 6433; 10275
BspOI	GCTAG!C	4	595; 2656; 5542; 7901
BspPI	GGATCNNNN!	8	754; 10256; 10567; 10813; 11205; 11564; 11662; 11748
BspPI	!NNNNNGATCC	13	580; 741; 1368; 2262; 2326; 3219; 4066; 8208; 8864; 10632; 11176; 11563; 11660
BspQI	GCTCTTCN!	0	
BspQI	!NNNNGAAGAGC	4	1193; 6275; 10732; 10942
BspTI	C!TTAAG	3	1840; 3868; 9270
BspT104I	TT!CGAA	3	627; 8081; 11070
BspT107I	G!GYRCC	12	465; 1617; 4710; 6445; 6562; 7326; 7771; 8383; 8443; 9541; 10387; 10422
BspTNI	GGTCTCN!	1	6528
BspTNI	!NNNNNGAGACC	6	891; 1256; 5510; 8851; 8950; 11377
BsrI	ACTGGN!	19	1031; 1162; 1619; 2133; 2870; 3500; 4412; 4869; 5027; 6332; 7115; 7455; 7721; 7796; 8933; 9006; 10332; 10533; 11779
BsrI	C!CAGT	19	295; 1365; 1377; 2069; 2582; 4780; 5211; 5310; 5847; 6095; 6311; 6464; 6587; 6786; 7709; 9417; 10095; 11891; 11904
BsrBI	CCG!CTC	2	9812; 11001
BsrBI	GAG!CGG	4	744; 9031; 9648; 11055
BsrDI	GCAATGNN!	5	2457; 2770; 8003; 8028; 10621
BsrDI	!CATTGC	11	1814; 3434; 3599; 4916; 5633; 6230; 6605; 7021; 7244; 7550; 8132
BsrFI	R!CCGGY	7	2456; 3025; 8319; 9605; 10707; 10888; 11171
BsrGI	T!GTACA	4	1269; 3810; 5217; 8372
BsrSI	ACTGGN!	19	1031; 1162; 1619; 2133; 2870; 3500; 4412; 4869; 5027; 6332; 7115; 7455; 7721; 7796; 8933; 9006; 10332; 10533; 11779
BsrSI	C!CAGT	19	295; 1365; 1377; 2069; 2582; 4780; 5211; 5310; 5847; 6095; 6311; 6464; 6587; 6786; 7709; 9417; 10095; 11891; 11904
BssAI	R!CCGGY	7	2456; 3025; 8319; 9605; 10707; 10888; 11171
BssECI	C!CNNGG	81	360; 641; 710; 758; 875; 1167; 1442; 1523; 1621; 1673; 2085; 2168; 2276; 2406; 2684; 2801; 2954; 2966; 3086; 3263; 3467; 3515; 3552; 3720; 3731; 3880; 3971; 3972; 4037; 4167; 4168; 4422; 4538; 4658; 4841; 4848; 4931; 5102; 5108; 5228; 5426; 5607; 5608; 5867; 5978; 6017; 6026; 6209; 6224; 6414; 6437; 6566; 6731; 6794; 6846; 6905; 6911; 6912; 6995; 7178; 7624; 7625; 7637; 7887; 8330; 8417; 8648; 9922; 9994; 10117; 10152; 10161; 10210; 10551; 10820; 11225; 11352; 11353; 11455; 11456; 12146
BssHII	G!CGCGC	0	
BssKI	!CCNGG	78	88; 281; 758; 1621; 2030; 2168; 2210; 2276; 2563; 2576; 2633; 2684; 2728; 2966; 3113; 3125; 3146; 3389; 3627; 3680; 3731; 3879; 3971; 4037; 4167; 4251; 4439; 4484; 4523; 4538; 4658; 4713; 4769; 5054; 5091; 5102; 5108; 5171; 5607; 5867; 6017; 6026; 6545; 6566; 6686; 6761; 6911; 7361; 7382; 7493; 7624; 7886; 7901; 7955; 8009; 8048; 8087; 8275; 8281; 8504; 8553; 8648; 8663; 8792; 8901; 9922; 9977; 9994; 10390; 10550; 10773; 11163; 11352; 11455; 11927; 12145; 12158; 12279
BssMI	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
BssNI	GR!CGYC	11	122; 175; 258; 444; 722; 7327; 7772; 8906; 10388; 11090; 11169
BssNAI	GTA!TAC	0	
BssSI	C!ACGAG	4	1298; 8974; 11106; 12133
BssSI	C!TCGTG	2	8824; 10980
BssTII	C!CWGGG	34	360; 641; 710; 875; 1167; 1442; 1523; 1673; 2801; 3086; 3263; 3467; 3720; 4841; 4848; 4931; 5228; 5426; 5978; 6209; 6224; 6414; 6437; 6731; 6846; 6905; 6995; 7178; 7637; 8330; 10117; 10210; 10820; 11225
Bst6I	CTCTTCN!	1	2388

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Bst6I	!NNNNGAAGAG	12	1193; 1880; 4136; 5291; 6275; 6365; 8026; 8153; 8183; 9855; 10732; 10942
Bst98I	C!TTAAG	3	1840; 3868; 9270
Bst1107I	GTA!TAC	0	
BstACI	GR!CGYC	11	122; 175; 258; 444; 722; 7327; 7772; 8906; 10388; 11090; 11169
BstAFI	C!TTAAG	3	1840; 3868; 9270
BstAPI	GCANNNN!NTGC	14	1134; 2157; 2674; 3309; 3421; 3460; 3997; 5881; 5953; 6097; 6589; 9955; 10027; 11489
BstAUI	T!GTACA	4	1269; 3810; 5217; 8372
BstBI	TT!CGAA	3	627; 8081; 11070
Bst2BI	C!ACGAG	4	1298; 8974; 11106; 12133
Bst2BI	C!TCGTG	2	8824; 10980
BstBAI	YAC!GTR	6	340; 1536; 2994; 7401; 9504; 10692
Bst4CI	ACN!GT	32	76; 198; 269; 543; 581; 930; 963; 1567; 1932; 3063; 3289; 4758; 4825; 5039; 5222; 5245; 5305; 5559; 6243; 6658; 7035; 7548; 8103; 8388; 9479; 10768; 10884; 10992; 11315; 11806; 12276; 12347
BstC8I	GCN!NGC	94	86; 279; 593; 726; 765; 1295; 1359; 1413; 1544; 1798; 1821; 1991; 2044; 2120; 2153; 2162; 2298; 2458; 2471; 2525; 2529; 2558; 2654; 2906; 3023; 3120; 3398; 3410; 3480; 3593; 3609; 3865; 4085; 4107; 4128; 4186; 4196; 4249; 4299; 4303; 4415; 4646; 4709; 5540; 5544; 5656; 5681; 5695; 5702; 5789; 5793; 6005; 6347; 6504; 6573; 6645; 6843; 6948; 7218; 7296; 7473; 7899; 7965; 8019; 8207; 8301; 8341; 8431; 8635; 9607; 9650; 9664; 9937; 9956; 10009; 10028; 10282; 10468; 10687; 10753; 10759; 10787; 10791; 10832; 10836; 10890; 11173; 11360; 11407; 11463; 11485; 11696; 12256; 12293
BstDEI	C!TNAG	49	606; 1075; 1180; 1239; 1640; 1776; 1908; 2021; 2519; 2534; 3141; 3173; 3211; 3323; 3566; 3587; 3660; 3700; 3755; 3764; 3802; 4024; 4199; 4312; 4433; 4598; 5356; 5378; 5411; 5450; 5562; 5891; 5899; 6137; 6869; 7261; 7484; 7556; 7920; 7949; 7991; 8040; 8588; 9868; 10170; 11051; 11500; 11623; 12032
BstDSI	C!CRYGG	16	360; 641; 710; 875; 1167; 2406; 2954; 3086; 3515; 5426; 6209; 6414; 6794; 8330; 10117; 10820
BstEII	G!GTNACC	7	5992; 6172; 6255; 6432; 6916; 7005; 7378
BstENI	CCTNN!NNNAGG	8	1441; 1585; 2434; 2554; 4852; 5668; 6031; 8053
BstF5I	GGATGNN!	17	920; 954; 1668; 1770; 2187; 2220; 2256; 2445; 2643; 4014; 6966; 7653; 7800; 10248; 10705; 10730; 11184
BstF5I	!CATCC	12	1307; 1323; 1835; 3053; 3122; 5480; 7166; 7490; 8413; 8501; 8558; 10074
BstFNI	CG!CG	17	60; 4047; 8308; 9037; 9312; 9688; 9708; 9732; 9763; 10454; 10755; 11193; 11277; 11340; 11409; 11682; 12263
BstH2I	RGCGC!Y	16	598; 2125; 2534; 3390; 5211; 5798; 6383; 6932; 7330; 7775; 8270; 9011; 9655; 9663; 10391; 12066
BstHHI	GCG!C	43	597; 651; 2003; 2124; 2533; 2717; 3113; 3357; 3389; 3712; 3746; 4047; 4062; 5210; 5797; 6382; 6931; 7329; 7774; 8269; 8299; 8803; 9010; 9654; 9662; 9688; 9710; 9719; 9732; 9763; 10382; 10390; 10454; 10491; 10757; 11017; 11193; 11279; 11682; 11791; 11965; 12065; 12132
BstKTI	GAT!C	38	588; 612; 749; 1376; 1478; 1805; 2066; 2270; 2334; 3189; 3227; 3912; 4074; 5405; 5670; 6884; 7983; 8216; 8317; 8846; 8872; 9048; 10228; 10232; 10251; 10562; 10640; 10721; 10730; 10808; 11184; 11200; 11559; 11571; 11649; 11657; 11668; 11743
BstMAI	GTCTCN!	7	434; 1335; 1575; 1919; 4992; 5565; 6528
BstMAI	!NNNNNGAGAC	19	891; 1201; 1256; 1748; 2185; 2335; 4256; 4747; 5510; 5620; 8092; 8249; 8761; 8851; 8950; 9812; 10230; 11249; 11377
BstMBI	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
BstMCI	CGRY!CG	6	3030; 4458; 8324; 9035; 10297; 11972

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstMWI	GCNNNNN!NNGC	107	90; 212; 244; 283; 376; 400; 699; 838; 1134; 1367; 1990; 2119; 2157; 2170; 2227; 2293; 2453; 2466; 2524; 2598; 2674; 2905; 2956; 2988; 3013; 3119; 3163; 3268; 3309; 3346; 3361; 3393; 3409; 3421; 3460; 3469; 3592; 3655; 3760; 3997; 4042; 4084; 4153; 4204; 4241; 4253; 4282; 4513; 4600; 4654; 4933; 4966; 5056; 5188; 5326; 5414; 5638; 5680; 5797; 5881; 5953; 5983; 6097; 6337; 6355; 6419; 6547; 6589; 6781; 6937; 7081; 7213; 7504; 7582; 7614; 7711; 7732; 7780; 7809; 7876; 7898; 7945; 8023; 8068; 8247; 8305; 8367; 8798; 9615; 9645; 9672; 9714; 9955; 10027; 10078; 10157; 10379; 10463; 10486; 10625; 10748; 10831; 11098; 11285; 11489; 11688; 12260
BstNI	CC!WGG	65	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2578; 2635; 2686; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6763; 6913; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8506; 8650; 8665; 8794; 9924; 9979; 9996; 10775; 11354; 11457; 12147; 12160; 12281
BstNSI	RCATG!Y	16	858; 975; 2046; 2097; 2151; 3400; 3454; 3776; 4803; 7287; 8361; 8807; 9958; 10030; 10793; 12310
BstOI	CC!WGG	65	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2578; 2635; 2686; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6763; 6913; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8506; 8650; 8665; 8794; 9924; 9979; 9996; 10775; 11354; 11457; 12147; 12160; 12281
BstPI	G!GTNACC	7	5992; 6172; 6255; 6432; 6916; 7005; 7378
BstPAI	GACNN!NNGTC	2	4026; 8962
BstSCI	!CCNNGG	78	88; 281; 758; 1621; 2030; 2168; 2210; 2276; 2563; 2576; 2633; 2684; 2728; 2966; 3113; 3125; 3146; 3389; 3627; 3680; 3731; 3879; 3971; 4037; 4167; 4251; 4439; 4484; 4523; 4538; 4658; 4713; 4769; 5054; 5091; 5102; 5108; 5171; 5607; 5867; 6017; 6026; 6545; 6566; 6686; 6761; 6911; 7361; 7382; 7493; 7624; 7886; 7901; 7955; 8009; 8048; 8087; 8275; 8281; 8504; 8553; 8648; 8663; 8792; 8901; 9922; 9977; 9994; 10390; 10550; 10773; 11163; 11352; 11455; 11927; 12145; 12158; 12279
BstSFI	C!TRYAG	25	2336; 2554; 2675; 2753; 2912; 2986; 3413; 3440; 3622; 3832; 4076; 4376; 5120; 5753; 5873; 6101; 6347; 6941; 6968; 7595; 7700; 8072; 9723; 11850; 12041
BstSLI	GKGCMI!C	14	993; 1622; 3484; 4702; 5310; 6504; 7077; 7716; 8386; 8413; 8446; 10334; 10427; 11996
BstSNI	TAC!GTA	1	340
BstUI	CG!CG	17	60; 4047; 8308; 9037; 9312; 9688; 9708; 9732; 9763; 10454; 10755; 11193; 11277; 11340; 11409; 11682; 12263
Bst2UI	CC!WGG	65	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2578; 2635; 2686; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6763; 6913; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8506; 8650; 8665; 8794; 9924; 9979; 9996; 10775; 11354; 11457; 12147; 12160; 12281
BstVII	GCAGCNNNNNNNN!	61	1953; 2070; 2485; 2572; 2610; 2661; 2689; 2767; 2920; 2959; 3000; 3283; 3312; 3331; 3361; 3396; 3412; 3427; 3454; 3636; 3658; 3708; 3859; 4012; 4142; 4390; 4758; 4969; 5134; 5332; 5434; 5625; 5709; 5922; 6019; 6103; 6361; 6595; 6763; 6850; 6955; 6990; 7318; 7452; 7591; 7609; 7626; 7714; 7747; 7882; 8086; 8161; 8232; 8540; 8982; 9176; 10461; 10503; 11024; 11477; 11977
BstVII	!NNNNNNNNNNNNGCTGC	46	1202; 1707; 2151; 2205; 2412; 2540; 2661; 2739; 2915; 2969; 3204; 3339; 3399; 3426; 3591; 3728; 3941; 4029; 4231; 4362; 4635; 5638; 5784; 5859; 6087; 6345; 6406; 6525; 6927; 7200; 7391; 7485; 7581; 7671; 7713; 7815; 7923; 8001; 8058; 8659; 9670; 10335; 10519; 10612; 11678; 11884
BstV2I	GAAGACNN!	8	691; 940; 1675; 6071; 6863; 7166; 8090; 8630
BstV2I	!NNNNNNGTCTTC	2	4565; 7110
BstXI	CCANNNNN!NTGG	15	1629; 2584; 2706; 2880; 3252; 3913; 3957; 4407; 5235; 6912; 7002; 7608; 7716; 7791; 8017
BstX2I	R!GATCY	19	585; 609; 746; 1373; 1475; 2267; 2331; 3224; 3909; 4071; 8213; 8869; 10559; 10805; 11197; 11556; 11568; 11654; 11665

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstYI	R!GATCY	19	585; 609; 746; 1373; 1475; 2267; 2331; 3224; 3909; 4071; 8213; 8869; 10559; 10805; 11197; 11556; 11568; 11654; 11665
BstZI	C!GGCCG	3	4455; 9032; 10294
BstZ17I	GTA!TAC	0	
BsuI	GTATCCNNNNNN!	3	9817; 10607; 12108
BsuI	!NNNNNGGATAC	0	
Bsu15I	AT!CGAT	1	10228
Bsu36I	CC!TNAGG	5	4433; 5411; 8588; 9868; 11500
BsuRI	GG!CC	93	84; 277; 757; 767; 1345; 1522; 1546; 2075; 2173; 2210; 2456; 2460; 2483; 2576; 2581; 2698; 2710; 2794; 2872; 2971; 3001; 3021; 3118; 3130; 3166; 3262; 3340; 3472; 3482; 3514; 3736; 4087; 4126; 4256; 4396; 4450; 4457; 4507; 4516; 4603; 4718; 4858; 5071; 5107; 5239; 5546; 5791; 5845; 6058; 6142; 6229; 6290; 6323; 6331; 6413; 6571; 6799; 6910; 7057; 7075; 7361; 7630; 7817; 7849; 7892; 8038; 8062; 8480; 8723; 8758; 8792; 8815; 8837; 8947; 8989; 9034; 9354; 9496; 10151; 10157; 10166; 10209; 10296; 10470; 10861; 10888; 11397; 11454; 11487; 11832; 12266; 12284; 12295
BsuTUI	AT!CGAT	1	10228
BtgI	C!CRYGG	16	360; 641; 710; 875; 1167; 2406; 2954; 3086; 3515; 5426; 6209; 6414; 6794; 8330; 10117; 10820
BtgZI	GCGATGNNNNNNNNNN!	3	3706; 9505; 10840
BtgZI	!NNNNNNNNNNNNNNCATCGC	5	334; 3930; 7680; 10659; 11003
BthCI	GCNG!C	154	731; 1218; 1221; 1723; 1944; 2061; 2167; 2221; 2428; 2450; 2476; 2556; 2563; 2601; 2652; 2677; 2683; 2755; 2758; 2911; 2931; 2950; 2953; 2985; 2988; 2991; 3220; 3262; 3277; 3303; 3306; 3322; 3355; 3387; 3403; 3415; 3418; 3442; 3445; 3457; 3607; 3627; 3649; 3652; 3699; 3744; 3754; 3850; 3853; 3957; 4003; 4045; 4060; 4133; 4247; 4378; 4381; 4399; 4597; 4651; 4657; 4749; 4963; 4972; 5125; 5323; 5425; 5616; 5641; 5654; 5686; 5700; 5787; 5800; 5875; 5887; 5913; 6010; 6094; 6103; 6119; 6352; 6361; 6422; 6541; 6586; 6754; 6784; 6841; 6943; 6946; 6981; 7216; 7309; 7407; 7443; 7446; 7501; 7579; 7585; 7597; 7600; 7617; 7687; 7702; 7705; 7729; 7738; 7831; 7846; 7849; 7873; 7882; 7939; 8017; 8062; 8074; 8077; 8152; 8223; 8226; 8480; 8531; 8675; 8792; 8973; 9037; 9167; 9686; 9708; 9722; 10160; 10299; 10351; 10362; 10452; 10457; 10494; 10535; 10622; 10628; 10864; 10960; 11001; 11015; 11129; 11468; 11483; 11694; 11900; 11903; 11968; 12111; 12266
BtrI	CAC!GTC	0	
BtrI	GAC!GTG	1	4266
BtsI	GCAGTGNN!	12	2363; 2520; 2669; 4085; 4220; 4670; 5762; 5882; 6460; 6977; 7810; 8033
BtsI	!CACTGC	6	2300; 3725; 3746; 5198; 5750; 9227
BtsCI	GGATGNN!	17	920; 954; 1668; 1770; 2187; 2220; 2256; 2445; 2643; 4014; 6966; 7653; 7800; 10248; 10705; 10730; 11184
BtsCI	!CATCC	12	1307; 1323; 1835; 3053; 3122; 5480; 7166; 7490; 8413; 8501; 8558; 10074
BtuMI	TCG!CGA	0	
BveI	ACCTGCNNNN!	5	2058; 2558; 7146; 10656; 11106
BveI	!NNNNNNNNNGCAGGT	3	3982; 6433; 10275
Cac8I	GCN!NGC	94	86; 279; 593; 726; 765; 1295; 1359; 1413; 1544; 1798; 1821; 1991; 2044; 2120; 2153; 2162; 2298; 2458; 2471; 2525; 2529; 2558; 2654; 2906; 3023; 3120; 3398; 3410; 3480; 3593; 3609; 3865; 4085; 4107; 4128; 4186; 4196; 4249; 4299; 4303; 4415; 4646; 4709; 5540; 5544; 5656; 5681; 5695; 5702; 5789; 5793; 6005; 6347; 6504; 6573; 6645; 6843; 6948; 7218; 7296; 7473; 7899; 7965; 8019; 8207; 8301; 8341; 8431; 8635; 9607; 9650; 9664; 9937; 9956; 10009; 10028; 10282; 10468; 10687; 10753; 10759; 10787; 10791; 10832; 10836; 10890; 11173; 11360; 11407; 11463; 11485; 11696; 12256; 12293
CaiI	CAGNNN!CTG	16	2494; 2550; 3309; 3390; 3421; 3460; 4075; 4440; 4618; 5082; 5953; 6408; 7110; 7956; 11489; 11897
CciI	T!CATGA	3	977; 9814; 11586
CciNI	GC!GGCCGC	1	9032
CdiI	CATC!G	8	352; 3948; 7590; 7698; 10677; 10682; 10880; 11021
CdiI	C!GATG	8	689; 1146; 3168; 3692; 8771; 8952; 9491; 10826
CdpI	GCGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1246; 12260
CdpI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCGC	4	486; 8285; 10049; 10091
CelII	GC!TNAGC	5	2519; 2534; 3566; 3587; 7949

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CfoI	GCG!C	43	597; 651; 2003; 2124; 2533; 2717; 3113; 3357; 3389; 3712; 3746; 4047; 4062; 5210; 5797; 6382; 6931; 7329; 7774; 8269; 8299; 8803; 9010; 9654; 9662; 9688; 9710; 9719; 9732; 9763; 10382; 10390; 10454; 10491; 10757; 11017; 11193; 11279; 11682; 11791; 11965; 12065; 12132
CfrI	Y!GGCCR	24	2073; 2208; 2454; 2870; 3260; 3338; 3734; 4254; 4455; 4505; 4716; 5237; 5544; 5789; 6321; 6797; 7359; 7847; 8987; 9032; 10294; 10468; 10859; 10886
Cfr9I	C!CCGGG	1	4658
Cfr10I	R!CCGGY	7	2456; 3025; 8319; 9605; 10707; 10888; 11171
Cfr13I	G!GNCC	61	83; 276; 756; 766; 1070; 1164; 1384; 1545; 1860; 2017; 2459; 2481; 2574; 2688; 2709; 2970; 3000; 3019; 3117; 3129; 3481; 3678; 3778; 4173; 4437; 4448; 4515; 4530; 4845; 5106; 5661; 5844; 5928; 6163; 6289; 6411; 6735; 6909; 7074; 7395; 7530; 7539; 7628; 7815; 7890; 8036; 8061; 8273; 8279; 8291; 8479; 8722; 8814; 8835; 8919; 9495; 10904; 11349; 11395; 11453; 11486
Cfr42I	CCGC!GG	0	
ChaI	GATC!	38	589; 613; 750; 1377; 1479; 1806; 2067; 2271; 2335; 3190; 3228; 3913; 4075; 5406; 5671; 6885; 7984; 8217; 8318; 8847; 8873; 9049; 10229; 10233; 10252; 10563; 10641; 10722; 10731; 10809; 11185; 11201; 11560; 11572; 11650; 11658; 11669; 11744
CjeI	CCANNNNNNGTNNNNNNNNNNNNNN!	11	1036; 1396; 4564; 4744; 6462; 6787; 8425; 10205; 11645; 11745; 11823
CjeI	!NNNNNNNNNACNNNNNNTGG	13	64; 257; 1178; 2904; 3000; 5852; 6392; 8168; 9872; 9967; 11159; 11709; 12264
CjeI	ACNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	13	98; 291; 1212; 2938; 3034; 5886; 6426; 8202; 9906; 10001; 11193; 11743; 12298
CjeI	!NNNNNNNNCCANNNNNNGT	11	1002; 1362; 4530; 4710; 6428; 6753; 8391; 10171; 11611; 11711; 11789
CjePI	CCANNNNNNNTCNNNNNNNNNNNNNN!	13	1348; 3157; 4131; 4564; 5134; 5349; 5658; 5817; 6439; 7275; 7875; 11645; 11823
CjePI	!NNNNNNNNGANNNNNNNTGG	15	257; 654; 1025; 1141; 1365; 2055; 2391; 4526; 4754; 5411; 6738; 7789; 8109; 11159; 11758
CjePI	GANNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	15	290; 687; 1058; 1174; 1398; 2088; 2424; 4559; 4787; 5444; 6771; 7822; 8142; 11192; 11791
CjePI	!NNNNNNNNCCANNNNNNNTC	13	1315; 3124; 4098; 4531; 5101; 5316; 5625; 5784; 6406; 7242; 7842; 11612; 11790
ClaI	AT!CGAT	1	10228
CpoI	CG!GWCCG	1	10904
CseI	GACGCNNNNN!	4	526; 730; 11098; 11177
CseI	!NNNNNNNNNNGCGTC	8	5379; 5876; 7718; 8297; 8895; 9721; 11616; 12194
CsiI	A!CCWGGT	3	3146; 8048; 9977
CspI	CG!GWCCG	1	10904
Csp6I	G!TAC	27	218; 243; 298; 331; 382; 539; 717; 882; 1270; 1528; 1780; 1947; 2798; 3811; 3902; 5099; 5218; 5246; 5850; 6400; 6563; 7336; 8229; 8373; 8523; 8775; 10693
Csp45I	TT!CGAA	3	627; 8081; 11070
CspAI	A!CCGGT	1	8319
CspCI	CAANNNNNGTGGNNNNNNNNNNNN!	3	411; 1514; 2680
CspCI	!NNNNNNNNNCCACNNNNNTTG	2	627; 5022
CspCI	CCACNNNNNTTGGNNNNNNNNNNNN!	2	662; 5057
CspCI	!NNNNNNNNNNCAANNNNNGTGG	3	376; 1479; 2645
CstMI	AAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	14	1469; 1667; 1700; 4748; 5255; 6005; 6509; 7664; 7785; 8138; 8375; 8966; 9668; 11277
CstMI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTT	3	1313; 1553; 4569
CviAII	C!ATG	60	301; 361; 642; 711; 732; 855; 876; 942; 972; 978; 1012; 1168; 1204; 1998; 2043; 2094; 2148; 2263; 3087; 3336; 3397; 3451; 3773; 4569; 4695; 4800; 4830; 4860; 5427; 5592; 6120; 6210; 6415; 6529; 6630; 7284; 7509; 7894; 8331; 8358; 8364; 8376; 8454; 8520; 8600; 8804; 8811; 9815; 9955; 10027; 10118; 10259; 10604; 10790; 10821; 10847; 11203; 11587; 12307; 12358

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CviJI	RG!CY	394	42; 84; 93; 277; 566; 618; 624; 637; 702; 757; 763; 767; 786; 825; 832; 841; 1038; 1122; 1161; 1275; 1319; 1345; 1361; 1411; 1415; 1522; 1542; 1546; 1626; 1697; 1720; 1736; 1769; 1812; 1823; 1872; 1976; 1984; 1993; 2011; 2075; 2113; 2155; 2164; 2173; 2210; 2230; 2296; 2363; 2418; 2425; 2456; 2460; 2483; 2494; 2523; 2538; 2563; 2576; 2581; 2592; 2652; 2680; 2698; 2710; 2733; 2758; 2787; 2794; 2825; 2847; 2857; 2872; 2878; 2888; 2911; 2928; 2953; 2959; 2971; 2982; 3001; 3016; 3021; 3043; 3083; 3118; 3130; 3136; 3166; 3207; 3262; 3274; 3322; 3330; 3340; 3352; 3403; 3412; 3418; 3445; 3457; 3472; 3482; 3489; 3506; 3514; 3565; 3570; 3578; 3591; 3611; 3617; 3627; 3658; 3685; 3699; 3736; 3741; 3763; 3853; 3867; 3873; 3938; 3954; 4003; 4015; 4036; 4042; 4057; 4087; 4105; 4126; 4133; 4184; 4194; 4207; 4225; 4244; 4256; 4285; 4361; 4375; 4381; 4396; 4417; 4444; 4450; 4457; 4492; 4507; 4516; 4523; 4537; 4603; 4644; 4648; 4654; 4686; 4718; 4749; 4788; 4858; 4927; 4936; 4946; 4960; 5003; 5008; 5071; 5091; 5096; 5107; 5125; 5137; 5165; 5176; 5227; 5239; 5251; 5323; 5329; 5344; 5408; 5425; 5433; 5478; 5491; 5542; 5546; 5605; 5616; 5632; 5641; 5651; 5674; 5693; 5700; 5731; 5784; 5791; 5806; 5812; 5820; 5845; 5872; 5903; 5986; 6025; 6037; 6058; 6094; 6142; 6153; 6185; 6223; 6229; 6275; 6285; 6290; 6306; 6323; 6331; 6340; 6345; 6352; 6358; 6408; 6413; 6419; 6461; 6489; 6538; 6550; 6571; 6586; 6754; 6761; 6781; 6799; 6831; 6841; 6845; 6853; 6904; 6910; 6940; 6981; 7042; 7057; 7075; 7134; 7201; 7207; 7255; 7265; 7273; 7294; 7309; 7341; 7348; 7361; 7422; 7446; 7475; 7488; 7498; 7507; 7566; 7576; 7582; 7594; 7600; 7608; 7617; 7623; 7630; 7684; 7705; 7726; 7738; 7749; 7756; 7783; 7817; 7843; 7849; 7873; 7882; 7892; 7901; 7924; 7936; 7948; 7953; 7963; 8007; 8014; 8038; 8062; 8071; 8077; 8184; 8194; 8205; 8250; 8303; 8343; 8370; 8433; 8480; 8509; 8516; 8594; 8660; 8672; 8716; 8723; 8750; 8758; 8792; 8815; 8823; 8837; 8947; 8983; 8989; 9034; 9057; 9167; 9334; 9354; 9496; 9577; 9591; 9605; 9886; 9927; 9999; 10122; 10151; 10157; 10166; 10174; 10197; 10209; 10215; 10296; 10313; 10321; 10348; 10373; 10457; 10466; 10470; 10494; 10532; 10608; 10625; 10644; 10707; 10751; 10761; 10778; 10861; 10888; 10892; 10929; 10952; 10968; 11148; 11175; 11236; 11358; 11397; 11454; 11461; 11468; 11487; 11498; 11749; 11778; 11821; 11832; 11897; 11976; 12001; 12006; 12052; 12142; 12240; 12266; 12284; 12295

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CviKI-1	RG!CY	394	42; 84; 93; 277; 566; 618; 624; 637; 702; 757; 763; 767; 786; 825; 832; 841; 1038; 1122; 1161; 1275; 1319; 1345; 1361; 1411; 1415; 1522; 1542; 1546; 1626; 1697; 1720; 1736; 1769; 1812; 1823; 1872; 1976; 1984; 1993; 2011; 2075; 2113; 2155; 2164; 2173; 2210; 2230; 2296; 2363; 2418; 2425; 2456; 2460; 2483; 2494; 2523; 2538; 2563; 2576; 2581; 2592; 2652; 2680; 2698; 2710; 2733; 2758; 2787; 2794; 2825; 2847; 2857; 2872; 2878; 2888; 2911; 2928; 2953; 2959; 2971; 2982; 3001; 3016; 3021; 3043; 3083; 3118; 3130; 3136; 3166; 3207; 3262; 3274; 3322; 3330; 3340; 3352; 3403; 3412; 3418; 3445; 3457; 3472; 3482; 3489; 3506; 3514; 3565; 3570; 3578; 3591; 3611; 3617; 3627; 3658; 3685; 3699; 3736; 3741; 3763; 3853; 3867; 3873; 3938; 3954; 4003; 4015; 4036; 4042; 4057; 4087; 4105; 4126; 4133; 4184; 4194; 4207; 4225; 4244; 4256; 4285; 4361; 4375; 4381; 4396; 4417; 4444; 4450; 4457; 4492; 4507; 4516; 4523; 4537; 4603; 4644; 4648; 4654; 4686; 4718; 4749; 4788; 4858; 4927; 4936; 4946; 4960; 5003; 5008; 5071; 5091; 5096; 5107; 5125; 5137; 5165; 5176; 5227; 5239; 5251; 5323; 5329; 5344; 5408; 5425; 5433; 5478; 5491; 5542; 5546; 5605; 5616; 5632; 5641; 5651; 5674; 5693; 5700; 5731; 5784; 5791; 5806; 5812; 5820; 5845; 5872; 5903; 5986; 6025; 6037; 6058; 6094; 6142; 6153; 6185; 6223; 6229; 6275; 6285; 6290; 6306; 6323; 6331; 6340; 6345; 6352; 6358; 6408; 6413; 6419; 6461; 6489; 6538; 6550; 6571; 6586; 6754; 6761; 6781; 6799; 6831; 6841; 6845; 6853; 6904; 6910; 6940; 6981; 7042; 7057; 7075; 7134; 7201; 7207; 7255; 7265; 7273; 7294; 7309; 7341; 7348; 7361; 7422; 7446; 7475; 7488; 7498; 7507; 7566; 7576; 7582; 7594; 7600; 7608; 7617; 7623; 7630; 7684; 7705; 7726; 7738; 7749; 7756; 7783; 7817; 7843; 7849; 7873; 7882; 7892; 7901; 7924; 7936; 7948; 7953; 7963; 8007; 8014; 8038; 8062; 8071; 8077; 8184; 8194; 8205; 8250; 8303; 8343; 8370; 8433; 8480; 8509; 8516; 8594; 8660; 8672; 8716; 8723; 8750; 8758; 8792; 8815; 8823; 8837; 8947; 8983; 8989; 9034; 9057; 9167; 9334; 9354; 9496; 9577; 9591; 9605; 9886; 9927; 9999; 10122; 10151; 10157; 10166; 10174; 10197; 10209; 10215; 10296; 10313; 10321; 10348; 10373; 10457; 10466; 10470; 10494; 10532; 10608; 10625; 10644; 10707; 10751; 10761; 10778; 10861; 10888; 10892; 10929; 10952; 10968; 11148; 11175; 11236; 11358; 11397; 11454; 11461; 11468; 11487; 11498; 11749; 11778; 11821; 11832; 11897; 11976; 12001; 12006; 12052; 12142; 12240; 12266; 12284; 12295
CviQI	G!TAC	27	218; 243; 298; 331; 382; 539; 717; 882; 1270; 1528; 1780; 1947; 2798; 3811; 3902; 5099; 5218; 5246; 5850; 6400; 6563; 7336; 8229; 8373; 8523; 8775; 10693
DdeI	C!TNAG	49	606; 1075; 1180; 1239; 1640; 1776; 1908; 2021; 2519; 2534; 3141; 3173; 3211; 3323; 3566; 3587; 3660; 3700; 3755; 3764; 3802; 4024; 4199; 4312; 4433; 4598; 5356; 5378; 5411; 5450; 5562; 5891; 5899; 6137; 6869; 7261; 7484; 7556; 7920; 7949; 7991; 8040; 8588; 9868; 10170; 11051; 11500; 11623; 12032
DinI	GGC!GCC	3	7328; 7773; 10389
DpnI	GA!TC	38	587; 611; 748; 1375; 1477; 1804; 2065; 2269; 2333; 3188; 3226; 3911; 4073; 5404; 5669; 6883; 7982; 8215; 8316; 8845; 8871; 9047; 10227; 10231; 10250; 10561; 10639; 10720; 10729; 10807; 11183; 11199; 11558; 11570; 11648; 11656; 11667; 11742
DpnII	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
DraI	TTT!AAA	3	9090; 11532; 11551
DraII	RG!GNCCY	19	756; 1070; 2481; 2970; 3481; 4173; 4437; 4515; 4845; 5661; 6163; 6289; 6735; 6909; 7074; 7539; 7815; 8036; 11486
DraIII	CACNNN!GTG	5	3805; 4697; 5832; 8979; 9504
DraRI	CAAGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	8	266; 1883; 2865; 4357; 5043; 7010; 8570; 11868
DraRI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTNNCTTG	4	4074; 6696; 7634; 8216
DrdI	GACNNNN!NNGTC	6	2400; 6733; 7546; 9459; 10415; 12204
DrdIV	TACGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	743
DrdIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGTA	1	476
DriI	GACNNN!NNGTC	1	1911
DseDI	GACNNNN!NNGTC	6	2400; 6733; 7546; 9459; 10415; 12204
EaeI	Y!GGCCR	24	2073; 2208; 2454; 2870; 3260; 3338; 3734; 4254; 4455; 4505; 4716; 5237; 5544; 5789; 6321; 6797; 7359; 7847; 8987; 9032; 10294; 10468; 10859; 10886



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
EagI	C!GGCCG	3	4455; 9032; 10294
Eam1104I	CTCTTCN!	1	2388
Eam1104I	!NNNNGAAGAG	12	1193; 1880; 4136; 5291; 6275; 6365; 8026; 8153; 8183; 9855; 10732; 10942
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	1	1911
EarI	CTCTTCN!	1	2388
EarI	!NNNNGAAGAG	12	1193; 1880; 4136; 5291; 6275; 6365; 8026; 8153; 8183; 9855; 10732; 10942
EciI	GGCGGANNNNNNNNNN!	6	1188; 7660; 9888; 10917; 12104; 12250
EciI	!NNNNNNNNNTCCGCC	4	496; 10059; 10080; 10101
Ecl136II	GAG!CTC	5	618; 3938; 6489; 7488; 7566
EclXI	C!GGCCG	3	4455; 9032; 10294
Eco24I	GRGCV!C	15	620; 788; 3484; 3940; 4539; 5435; 5480; 6491; 7077; 7350; 7490; 7568; 9579; 10753; 11463
Eco31I	GGTCTCN!	1	6528
Eco31I	!NNNNGAGACC	6	891; 1256; 5510; 8851; 8950; 11377
Eco32I	GAT!ATC	1	1833
Eco47I	G!GWCC	25	1070; 1164; 1384; 1860; 2017; 2688; 3678; 3778; 4173; 4437; 4530; 4845; 5661; 5928; 6163; 6735; 7395; 7530; 7539; 8273; 8279; 8291; 8919; 10904; 11349
Eco47III	AGC!GCT	4	596; 2532; 5796; 6930
Eco52I	C!GGCCG	3	4455; 9032; 10294
Eco57I	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNN!	13	679; 925; 1447; 4576; 5828; 6299; 7178; 7456; 7523; 7639; 8839; 10534; 10966
Eco57I	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	9	1921; 2093; 2719; 3063; 3671; 4458; 7399; 8228; 11764
Eco72I	CAC!GTG	2	2994; 7401
Eco81I	CC!TNAGG	5	4433; 5411; 8588; 9868; 11500
Eco88I	C!YCGRG	11	613; 1259; 3854; 4004; 4421; 4445; 4518; 4658; 5492; 5513; 5801
Eco91I	G!GTNACC	7	5992; 6172; 6255; 6432; 6916; 7005; 7378
Eco105I	TAC!GTA	1	340
Eco130I	C!CWWGG	34	360; 641; 710; 875; 1167; 1442; 1523; 1673; 2801; 3086; 3263; 3467; 3720; 4841; 4848; 4931; 5228; 5426; 5978; 6209; 6224; 6414; 6437; 6731; 6846; 6905; 6995; 7178; 7637; 8330; 10117; 10210; 10820; 11225
Eco147I	AGG!CCT	6	1345; 3472; 4603; 6571; 8758; 10209
EcoHI	!CCSGG	13	2563; 2728; 4658; 6686; 7361; 8275; 8281; 8553; 8901; 10390; 10550; 11163; 11927
EcoICRI	GAG!CTC	5	618; 3938; 6489; 7488; 7566
Eco57MI	CTGRAGNNNNNNNNNNNNNN!	23	679; 925; 1447; 1894; 2027; 2455; 3211; 3412; 4576; 4792; 5492; 5638; 5828; 6049; 6299; 7178; 7456; 7523; 7630; 8839; 10534; 10966; 11228
Eco57MI	!NNNNNNNNNNNNNNCTYCAG	15	1921; 2093; 2127; 2719; 3063; 3671; 4458; 5370; 6529; 7399; 7993; 8228; 8647; 11171; 11764
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	8	1441; 1585; 2434; 2554; 4852; 5668; 6031; 8053
Eco065I	G!GTNACC	7	5992; 6172; 6255; 6432; 6916; 7005; 7378
Eco0109I	RG!GNCCY	19	756; 1070; 2481; 2970; 3481; 4173; 4437; 4515; 4845; 5661; 6163; 6289; 6735; 6909; 7074; 7539; 7815; 8036; 11486
EcoRI	G!AATTC	1	629
EcoRII	!CCWGG	65	88; 281; 758; 1621; 2030; 2168; 2210; 2276; 2576; 2633; 2684; 2966; 3113; 3125; 3146; 3389; 3627; 3680; 3731; 3879; 3971; 4037; 4167; 4251; 4439; 4484; 4523; 4538; 4713; 4769; 5054; 5091; 5102; 5108; 5171; 5607; 5867; 6017; 6026; 6545; 6566; 6761; 6911; 7382; 7493; 7624; 7886; 7901; 7955; 8009; 8048; 8087; 8504; 8648; 8663; 8792; 9922; 9977; 9994; 10773; 11352; 11455; 12145; 12158; 12279
EcoRV	GAT!ATC	1	1833
EcoT14I	C!CWWGG	34	360; 641; 710; 875; 1167; 1442; 1523; 1673; 2801; 3086; 3263; 3467; 3720; 4841; 4848; 4931; 5228; 5426; 5978; 6209; 6224; 6414; 6437; 6731; 6846; 6905; 6995; 7178; 7637; 8330; 10117; 10210; 10820; 11225
EcoT22I	ATGCA!T	3	9960; 10032; 12363
EcoT38I	GRGCV!C	15	620; 788; 3484; 3940; 4539; 5435; 5480; 6491; 7077; 7350; 7490; 7568; 9579; 10753; 11463
Eco53kI	GAG!CTC	5	618; 3938; 6489; 7488; 7566
EgeI	GGC!GCC	3	7328; 7773; 10389
EheI	GGC!GCC	3	7328; 7773; 10389

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
ErhI	C!CWWGG	34	360; 641; 710; 875; 1167; 1442; 1523; 1673; 2801; 3086; 3263; 3467; 3720; 4841; 4848; 4931; 5228; 5426; 5978; 6209; 6224; 6414; 6437; 6731; 6846; 6905; 6995; 7178; 7637; 8330; 10117; 10210; 10820; 11225
EsaBC3I	TC!GA	25	615; 628; 1033; 2853; 2935; 3856; 6618; 7231; 7590; 8082; 8254; 8472; 8499; 8967; 9538; 10229; 10502; 10658; 10682; 10718; 10880; 11071; 11116; 11371; 12209
Esp3I	CGTCTCN!	0	
Esp3I	!NNNNNGAGACG	5	1201; 4256; 8092; 8249; 8761
FaeI	CATG!	60	304; 364; 645; 714; 735; 858; 879; 945; 975; 981; 1015; 1171; 1207; 2001; 2046; 2097; 2151; 2266; 3090; 3339; 3400; 3454; 3776; 4572; 4698; 4803; 4833; 4863; 5430; 5595; 6123; 6213; 6418; 6532; 6633; 7287; 7512; 7897; 8334; 8361; 8367; 8379; 8457; 8523; 8603; 8807; 8814; 9818; 9958; 10030; 10121; 10262; 10607; 10793; 10824; 10850; 11206; 11590; 12310; 12361
FaiI	YA!TR	116	39; 46; 50; 67; 138; 146; 234; 236; 291; 302; 310; 362; 555; 557; 643; 712; 733; 856; 877; 943; 973; 979; 1013; 1169; 1205; 1289; 1451; 1828; 1897; 1999; 2044; 2095; 2149; 2264; 2351; 3035; 3088; 3337; 3398; 3452; 3774; 3989; 4564; 4570; 4696; 4801; 4831; 4861; 4974; 5428; 5593; 5970; 5972; 6121; 6169; 6211; 6320; 6416; 6493; 6530; 6631; 7099; 7192; 7285; 7358; 7510; 7837; 7895; 8332; 8359; 8365; 8377; 8455; 8521; 8601; 8619; 8805; 8812; 8865; 9050; 9060; 9126; 9171; 9376; 9804; 9816; 9947; 9956; 10019; 10028; 10052; 10119; 10143; 10260; 10324; 10605; 10630; 10791; 10822; 10848; 10920; 11136; 11204; 11282; 11334; 11495; 11512; 11514; 11516; 11588; 11866; 12055; 12171; 12244; 12308; 12359
FalI	AAGNNNNNCTTNNNNNNNNNNNN!	4	1431; 8182; 8598; 10728
FalI	!NNNNNNNNAAGNNNNNCTT	4	1399; 8150; 8566; 10696
FaqI	GGGACNNNNNNNNNN!	14	175; 326; 494; 883; 1077; 4186; 4353; 5299; 5611; 5674; 5837; 10539; 11071; 11180
FaqI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	8	2388; 5377; 5820; 8295; 9904; 9976; 10040; 11335
FatI	!CATG	60	300; 360; 641; 710; 731; 854; 875; 941; 971; 977; 1011; 1167; 1203; 1997; 2042; 2093; 2147; 2262; 3086; 3335; 3396; 3450; 3772; 4568; 4694; 4799; 4829; 4859; 5426; 5591; 6119; 6209; 6414; 6528; 6629; 7283; 7508; 7893; 8330; 8357; 8363; 8375; 8453; 8519; 8599; 8803; 8810; 9814; 9954; 10026; 10117; 10258; 10603; 10789; 10820; 10846; 11202; 11586; 12306; 12357
FauI	CCCGCNNNN!	15	93; 119; 286; 2532; 3127; 5915; 6511; 6817; 8787; 8889; 9710; 10065; 10086; 11282; 11414
FauI	!NNNNNGCGGG	11	3471; 4040; 5651; 6939; 7457; 8824; 9641; 10511; 11048; 11186; 11333
FauNDI	CA!TATG	1	234
FbaI	T!GATCA	1	6881
FblI	GT!MKAC	4	1891; 6473; 7230; 8909
FmuI	GGNC!C	61	86; 279; 759; 769; 1073; 1167; 1387; 1548; 1863; 2020; 2462; 2484; 2577; 2691; 2712; 2973; 3003; 3022; 3120; 3132; 3484; 3681; 3781; 4176; 4440; 4451; 4518; 4533; 4848; 5109; 5664; 5847; 5931; 6166; 6292; 6414; 6738; 6912; 7077; 7398; 7533; 7542; 7631; 7818; 7893; 8039; 8064; 8276; 8282; 8294; 8482; 8725; 8817; 8838; 8922; 9498; 10907; 11352; 11398; 11456; 11489
Fnu4HI	GC!NGC	154	729; 1216; 1219; 1721; 1942; 2059; 2165; 2219; 2426; 2448; 2474; 2554; 2561; 2599; 2650; 2675; 2681; 2753; 2756; 2909; 2929; 2948; 2951; 2983; 2986; 2989; 3218; 3260; 3275; 3301; 3304; 3320; 3353; 3385; 3401; 3413; 3416; 3440; 3443; 3455; 3605; 3625; 3647; 3650; 3697; 3742; 3752; 3848; 3851; 3955; 4001; 4043; 4058; 4131; 4245; 4376; 4379; 4397; 4595; 4649; 4655; 4747; 4961; 4970; 5123; 5321; 5423; 5614; 5639; 5652; 5684; 5698; 5785; 5798; 5873; 5885; 5911; 6008; 6092; 6101; 6117; 6350; 6359; 6420; 6539; 6584; 6752; 6782; 6839; 6941; 6944; 6979; 7214; 7307; 7405; 7441; 7444; 7499; 7577; 7583; 7595; 7598; 7615; 7685; 7700; 7703; 7727; 7736; 7829; 7844; 7847; 7871; 7880; 7937; 8015; 8060; 8072; 8075; 8150; 8221; 8224; 8478; 8529; 8673; 8790; 8971; 9035; 9165; 9684; 9706; 9720; 10158; 10297; 10349; 10360; 10450; 10455; 10492; 10533; 10620; 10626; 10862; 10958; 10999; 11013; 11127; 11466; 11481; 11692; 11898; 11901; 11966; 12109; 12264
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	17	927; 961; 1675; 1777; 2194; 2227; 2263; 2452; 2650; 4021; 6973; 7660; 7807; 10255; 10712; 10737; 11191

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	11	1294; 1822; 3040; 3109; 5467; 7153; 7477; 8400; 8488; 8545; 10061
FriOI	GRGCY!C	15	620; 788; 3484; 3940; 4539; 5435; 5480; 6491; 7077; 7350; 7490; 7568; 9579; 10753; 11463
FseI	GGCCGG!CC	1	2460
FspI	TGC!GCA	4	3356; 3711; 3745; 10490
FspAI	RTGC!GCAY	0	
FspBI	C!TAG	32	592; 634; 826; 1582; 2653; 2848; 3200; 3581; 3721; 3820; 4033; 4750; 4849; 4978; 5183; 5278; 5539; 5665; 6154; 6286; 6739; 6847; 7078; 7678; 7898; 9043; 9237; 9655; 10211; 11226; 11560; 11813
FspEI	CCNNNNNNNNNNN!	437	56; 71; 98; 114; 128; 129; 156; 182; 220; 252; 291; 307; 333; 373; 450; 451; 482; 501; 520; 593; 614; 651; 716; 738; 763; 781; 820; 874; 888; 914; 969; 996; 1020; 1086; 1104; 1180; 1258; 1272; 1294; 1324; 1340; 1359; 1378; 1400; 1432; 1450; 1536; 1560; 1587; 1634; 1686; 1711; 1737; 1852; 1876; 1931; 1948; 1966; 2003; 2025; 2044; 2060; 2082; 2098; 2114; 2128; 2148; 2181; 2213; 2235; 2284; 2301; 2319; 2348; 2388; 2404; 2418; 2442; 2470; 2497; 2537; 2552; 2577; 2595; 2638; 2694; 2712; 2742; 2790; 2808; 2828; 2843; 2886; 2913; 2967; 2985; 3015; 3035; 3052; 3066; 3099; 3127; 3144; 3160; 3180; 3223; 3241; 3255; 3276; 3291; 3354; 3378; 3403; 3417; 3432; 3447; 3471; 3486; 3503; 3528; 3545; 3565; 3584; 3609; 3625; 3641; 3672; 3694; 3733; 3750; 3794; 3844; 3887; 3918; 3939; 3957; 3984; 4050; 4088; 4119; 4140; 4180; 4198; 4233; 4261; 4290; 4311; 4340; 4375; 4410; 4431; 4445; 4464; 4494; 4521; 4537; 4551; 4567; 4581; 4603; 4617; 4631; 4645; 4671; 4696; 4716; 4732; 4774; 4793; 4818; 4854; 4872; 4887; 4913; 4929; 4944; 4974; 5008; 5045; 5059; 5085; 5105; 5121; 5139; 5185; 5205; 5224; 5241; 5265; 5280; 5317; 5337; 5368; 5382; 5400; 5422; 5439; 5497; 5525; 5560; 5583; 5619; 5646; 5677; 5697; 5720; 5754; 5798; 5826; 5850; 5873; 5910; 5944; 5970; 5991; 6010; 6030; 6072; 6093; 6108; 6156; 6179; 6214; 6237; 6273; 6289; 6304; 6324; 6345; 6359; 6409; 6427; 6450; 6475; 6492; 6516; 6540; 6559; 6579; 6600; 6628; 6670; 6697; 6744; 6775; 6795; 6813; 6855; 6874; 6918; 6934; 6979; 7008; 7023; 7071; 7089; 7140; 7155; 7169; 7183; 7215; 7239; 7263; 7279; 7327; 7343; 7357; 7375; 7396; 7411; 7425; 7441; 7507; 7521; 7546; 7590; 7614; 7637; 7668; 7690; 7707; 7722; 7752; 7788; 7831; 7845; 7863; 7900; 7915; 7932; 7953; 7969; 8023; 8052; 8076; 8091; 8151; 8223; 8255; 8289; 8307; 8325; 8340; 8375; 8400; 8430; 8447; 8461; 8494; 8508; 8526; 8550; 8564; 8595; 8628; 8655; 8670; 8689; 8725; 8772; 8791; 8806; 8829; 8851; 8866; 8886; 8905; 8935; 8961; 9003; 9048; 9071; 9110; 9124; 9265; 9360; 9384; 9407; 9430; 9448; 9470; 9491; 9510; 9529; 9558; 9579; 9593; 9619; 9707; 9733; 9782; 9823; 9841; 9880; 9896; 9934; 9991; 10006; 10063; 10083; 10097; 10114; 10128; 10165; 10180; 10223; 10306; 10373; 10404; 10424; 10439; 10484; 10498; 10564; 10578; 10597; 10613; 10654; 10674; 10721; 10771; 10787; 10807; 10832; 10852; 10875; 10902; 10920; 10946; 10986; 11012; 11036; 11092; 11106; 11134; 11177; 11198; 11233; 11277; 11365; 11389; 11411; 11431; 11447; 11468; 11482; 11501; 11585; 11605; 11633; 11648; 11682; 11724; 11751; 11766; 11811; 11835; 11849; 11871; 11897; 11917; 11941; 11967; 12015; 12034; 12053; 12079; 12114; 12159; 12189; 12203; 12254; 12268; 12293; 12309; 12330; 12359

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FspEI	!NNNNNNNNNNNNNNNGG	367	8; 35; 59; 144; 166; 197; 252; 295; 347; 375; 400; 435; 463; 509; 529; 552; 586; 628; 656; 697; 729; 749; 767; 800; 818; 851; 897; 928; 983; 1012; 1045; 1099; 1143; 1167; 1206; 1237; 1279; 1301; 1327; 1367; 1393; 1414; 1447; 1468; 1504; 1528; 1550; 1573; 1600; 1627; 1645; 1663; 1701; 1729; 1747; 1778; 1805; 1843; 1861; 1885; 1942; 1966; 1991; 2017; 2057; 2104; 2137; 2155; 2192; 2217; 2263; 2282; 2312; 2344; 2380; 2407; 2429; 2464; 2485; 2542; 2563; 2591; 2620; 2650; 2671; 2692; 2714; 2773; 2791; 2839; 2866; 2906; 2927; 2953; 2983; 3002; 3073; 3091; 3112; 3133; 3160; 3235; 3277; 3310; 3364; 3454; 3481; 3502; 3523; 3614; 3634; 3661; 3707; 3745; 3769; 3820; 3845; 3866; 3899; 3943; 3977; 4001; 4024; 4069; 4102; 4129; 4154; 4176; 4238; 4274; 4321; 4367; 4393; 4420; 4439; 4471; 4489; 4510; 4528; 4585; 4630; 4654; 4693; 4728; 4756; 4796; 4816; 4835; 4874; 4892; 4918; 4936; 4967; 4994; 5041; 5068; 5089; 5158; 5215; 5257; 5323; 5398; 5446; 5478; 5514; 5538; 5580; 5602; 5623; 5643; 5699; 5773; 5806; 5827; 5854; 5902; 5929; 5965; 6004; 6040; 6089; 6109; 6146; 6167; 6196; 6232; 6272; 6305; 6340; 6362; 6388; 6415; 6469; 6505; 6532; 6553; 6584; 6629; 6647; 6672; 6697; 6718; 6740; 6781; 6808; 6833; 6856; 6880; 6898; 6922; 6941; 6960; 6982; 7024; 7049; 7090; 7165; 7202; 7254; 7275; 7309; 7343; 7361; 7436; 7457; 7480; 7499; 7522; 7555; 7576; 7594; 7612; 7630; 7651; 7702; 7728; 7750; 7777; 7798; 7822; 7873; 7942; 7969; 7989; 8019; 8041; 8074; 8092; 8111; 8140; 8158; 8176; 8202; 8249; 8267; 8285; 8305; 8335; 8362; 8404; 8425; 8449; 8491; 8510; 8539; 8575; 8612; 8635; 8654; 8677; 8705; 8732; 8771; 8797; 8816; 8888; 8914; 8962; 8987; 9005; 9059; 9159; 9228; 9258; 9336; 9385; 9407; 9435; 9471; 9516; 9545; 9581; 9600; 9628; 9648; 9711; 9734; 9842; 9874; 9892; 9921; 9964; 9993; 10104; 10133; 10176; 10197; 10225; 10258; 10278; 10303; 10330; 10355; 10377; 10405; 10431; 10452; 10503; 10524; 10542; 10590; 10626; 10682; 10707; 10731; 10760; 10783; 10807; 10833; 10855; 10874; 10899; 10939; 10975; 11040; 11125; 11149; 11178; 11212; 11233; 11253; 11298; 11325; 11344; 11377; 11429; 11460; 11487; 11539; 11637; 11708; 11753; 11814; 11879; 11913; 11939; 11957; 11993; 12063; 12086; 12108; 12132; 12165; 12213; 12248; 12266; 12323
Fsp4HI	GC!NGC	154	729; 1216; 1219; 1721; 1942; 2059; 2165; 2219; 2426; 2448; 2474; 2554; 2561; 2599; 2650; 2675; 2681; 2753; 2756; 2909; 2929; 2948; 2951; 2983; 2986; 2989; 3218; 3260; 3275; 3301; 3304; 3320; 3353; 3385; 3401; 3413; 3416; 3440; 3443; 3455; 3605; 3625; 3647; 3650; 3697; 3742; 3752; 3848; 3851; 3955; 4001; 4043; 4058; 4131; 4245; 4376; 4379; 4397; 4595; 4649; 4655; 4747; 4961; 4970; 5123; 5321; 5423; 5614; 5639; 5652; 5684; 5698; 5785; 5798; 5873; 5885; 5911; 6008; 6092; 6101; 6117; 6350; 6359; 6420; 6539; 6584; 6752; 6782; 6839; 6941; 6944; 6979; 7214; 7307; 7405; 7441; 7444; 7499; 7577; 7583; 7595; 7598; 7615; 7685; 7700; 7703; 7727; 7736; 7829; 7844; 7847; 7871; 7880; 7937; 8015; 8060; 8072; 8075; 8150; 8221; 8224; 8478; 8529; 8673; 8790; 8971; 9035; 9165; 9684; 9706; 9720; 10158; 10297; 10349; 10360; 10450; 10455; 10492; 10533; 10620; 10626; 10862; 10958; 10999; 11013; 11127; 11466; 11481; 11692; 11898; 11901; 11966; 12109; 12264
GdiII	C!GGCCR	5	3260; 4455; 7847; 9032; 10294
GdiII	Y!GGCCG	10	2454; 3734; 4455; 4505; 6321; 7359; 9032; 10294; 10859; 10886
GlaI	GC!GC	43	596; 650; 2002; 2123; 2532; 2716; 3112; 3356; 3388; 3711; 3745; 4046; 4061; 5209; 5796; 6381; 6930; 7328; 7773; 8268; 8298; 8802; 9009; 9653; 9661; 9687; 9709; 9718; 9731; 9762; 10381; 10389; 10453; 10490; 10756; 11016; 11192; 11278; 11681; 11790; 11964; 12064; 12131

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
GluI	GC!NGC	154	729; 1216; 1219; 1721; 1942; 2059; 2165; 2219; 2426; 2448; 2474; 2554; 2561; 2599; 2650; 2675; 2681; 2753; 2756; 2909; 2929; 2948; 2951; 2983; 2986; 2989; 3218; 3260; 3275; 3301; 3304; 3320; 3353; 3385; 3401; 3413; 3416; 3440; 3443; 3455; 3605; 3625; 3647; 3650; 3697; 3742; 3752; 3848; 3851; 3955; 4001; 4043; 4058; 4131; 4245; 4376; 4379; 4397; 4595; 4649; 4655; 4747; 4961; 4970; 5123; 5321; 5423; 5614; 5639; 5652; 5684; 5698; 5785; 5798; 5873; 5885; 5911; 6008; 6092; 6101; 6117; 6350; 6359; 6420; 6539; 6584; 6752; 6782; 6839; 6941; 6944; 6979; 7214; 7307; 7405; 7441; 7444; 7499; 7577; 7583; 7595; 7598; 7615; 7685; 7700; 7703; 7727; 7736; 7829; 7844; 7847; 7871; 7880; 7937; 8015; 8060; 8072; 8075; 8150; 8221; 8224; 8478; 8529; 8673; 8790; 8971; 9035; 9165; 9684; 9706; 9720; 10158; 10297; 10349; 10360; 10450; 10455; 10492; 10533; 10620; 10626; 10862; 10958; 10999; 11013; 11127; 11466; 11481; 11692; 11898; 11901; 11966; 12109; 12264
GsaI	CCCAG!C	11	2058; 2118; 2715; 2787; 3489; 4707; 5820; 8716; 9935; 10007; 12006
GsaI	GCTGG!G	14	836; 1719; 2861; 3020; 3101; 3961; 4385; 5824; 6412; 6554; 6758; 8273; 8754; 10896
GsuI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	11	1894; 2027; 2455; 3211; 3412; 4792; 5492; 5638; 6049; 7630; 11228
GsuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	6	2127; 5370; 6529; 7993; 8647; 11171
HaeI	WGG!CCW	34	1345; 1522; 2075; 2173; 2210; 2581; 2698; 2794; 2872; 3340; 3472; 4087; 4126; 4256; 4603; 4718; 4858; 5071; 5239; 5546; 5791; 6142; 6229; 6331; 6571; 6799; 7057; 8758; 8989; 10209; 10470; 11832; 12284; 12295
HaeII	RGCGC!Y	16	598; 2125; 2534; 3390; 5211; 5798; 6383; 6932; 7330; 7775; 8270; 9011; 9655; 9663; 10391; 12066
HaeIII	GG!CC	93	84; 277; 757; 767; 1345; 1522; 1546; 2075; 2173; 2210; 2456; 2460; 2483; 2576; 2581; 2698; 2710; 2794; 2872; 2971; 3001; 3021; 3118; 3130; 3166; 3262; 3340; 3472; 3482; 3514; 3736; 4087; 4126; 4256; 4396; 4450; 4457; 4507; 4516; 4603; 4718; 4858; 5071; 5107; 5239; 5546; 5791; 5845; 6058; 6142; 6229; 6290; 6323; 6331; 6413; 6571; 6799; 6910; 7057; 7075; 7361; 7630; 7817; 7849; 7892; 8038; 8062; 8480; 8723; 8758; 8792; 8815; 8837; 8947; 8989; 9034; 9354; 9496; 10151; 10157; 10166; 10209; 10296; 10470; 10861; 10888; 11397; 11454; 11487; 11832; 12266; 12284; 12295
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	7	1906; 4089; 5091; 5211; 8339; 9063; 10584
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNRTC	8	1872; 1896; 4055; 5057; 5177; 8305; 9029; 10550
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	8	1905; 1929; 4088; 5090; 5210; 8338; 9062; 10583
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNRTC	8	1874; 1898; 4057; 5059; 5179; 8307; 9031; 10552
HapII	C!CGG	35	601; 2457; 2564; 2729; 3011; 3026; 4454; 4508; 4659; 4900; 6687; 7362; 8217; 8276; 8282; 8294; 8320; 8554; 8903; 9606; 10293; 10370; 10392; 10420; 10551; 10641; 10708; 10889; 11164; 11172; 11264; 11738; 11928; 11954; 12101
HgaI	GACGCNNNNN!	4	526; 730; 11098; 11177
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	8	5379; 5876; 7718; 8297; 8895; 9721; 11616; 12194
HhaI	GCG!C	43	597; 651; 2003; 2124; 2533; 2717; 3113; 3357; 3389; 3712; 3746; 4047; 4062; 5210; 5797; 6382; 6931; 7329; 7774; 8269; 8299; 8803; 9010; 9654; 9662; 9688; 9710; 9719; 9732; 9763; 10382; 10390; 10454; 10491; 10757; 11017; 11193; 11279; 11682; 11791; 11965; 12065; 12132
HinI	GR!CGYC	11	122; 175; 258; 444; 722; 7327; 7772; 8906; 10388; 11090; 11169
HinII	CATG!	60	304; 364; 645; 714; 735; 858; 879; 945; 975; 981; 1015; 1171; 1207; 2001; 2046; 2097; 2151; 2266; 3090; 3339; 3400; 3454; 3776; 4572; 4698; 4803; 4833; 4863; 5430; 5595; 6123; 6213; 6418; 6532; 6633; 7287; 7512; 7897; 8334; 8361; 8367; 8379; 8457; 8523; 8603; 8807; 8814; 9818; 9958; 10030; 10121; 10262; 10607; 10793; 10824; 10850; 11206; 11590; 12310; 12361
Hin4I	GAYNNNNNVTCNNNNNNNNNNNN!	11	1905; 1929; 2238; 4088; 5090; 5210; 6398; 8004; 8338; 9062; 10583
Hin4I	!NNNNNNNNNGABNNNNNRTC	11	1292; 1873; 1897; 4056; 5058; 5178; 5465; 8306; 9030; 10551; 10581
Hin4I	GABNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	11	1324; 1905; 1929; 4088; 5090; 5210; 5497; 8338; 9062; 10583; 10613
Hin4I	!NNNNNNNNNGAYNNNNNVTC	11	1873; 1897; 2206; 4056; 5058; 5178; 6366; 7972; 8306; 9030; 10551

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Hin6I	G!CGC	43	595; 649; 2001; 2122; 2531; 2715; 3111; 3355; 3387; 3710; 3744; 4045; 4060; 5208; 5795; 6380; 6929; 7327; 7772; 8267; 8297; 8801; 9008; 9652; 9660; 9686; 9708; 9717; 9730; 9761; 10380; 10388; 10452; 10489; 10755; 11015; 11191; 11277; 11680; 11789; 11963; 12063; 12130
HinP1I	G!CGC	43	595; 649; 2001; 2122; 2531; 2715; 3111; 3355; 3387; 3710; 3744; 4045; 4060; 5208; 5795; 6380; 6929; 7327; 7772; 8267; 8297; 8801; 9008; 9652; 9660; 9686; 9708; 9717; 9730; 9761; 10380; 10388; 10452; 10489; 10755; 11015; 11191; 11277; 11680; 11789; 11963; 12063; 12130
HincII	GTY!RAC	3	1928; 7231; 9151
HindII	GTY!RAC	3	1928; 7231; 9151
HindIII	A!AGCTT	4	622; 839; 2228; 3865
HinfI	G!ANTC	40	410; 604; 735; 952; 1255; 1683; 1888; 1906; 2193; 2254; 2725; 3528; 3702; 3793; 4307; 4638; 4776; 5079; 5566; 5717; 5950; 6107; 6127; 6555; 7651; 7987; 8459; 8609; 8936; 9039; 9431; 9453; 9863; 10873; 11007; 11059; 11117; 11154; 11936; 12332
HpaI	GTT!AAC	1	9151
HpaII	C!CGG	35	601; 2457; 2564; 2729; 3011; 3026; 4454; 4508; 4659; 4900; 6687; 7362; 8217; 8276; 8282; 8294; 8320; 8554; 8903; 9606; 10293; 10370; 10392; 10420; 10551; 10641; 10708; 10889; 11164; 11172; 11264; 11738; 11928; 11954; 12101
HphI	GGTGANNNNNNNN!	18	376; 693; 942; 1692; 2424; 3103; 3945; 4864; 6184; 6225; 6928; 7011; 8121; 8346; 8715; 9025; 11459; 11575
HphI	!NNNNNNNTCACC	14	996; 1692; 2058; 2364; 2819; 2955; 3051; 4683; 5856; 6426; 8309; 8604; 9505; 10566
Hpy8I	GTN!NAC	28	201; 539; 577; 717; 1892; 1928; 2316; 2777; 3778; 3902; 4021; 4610; 4700; 6126; 6474; 7231; 7530; 7714; 8391; 8411; 8706; 8910; 8919; 9151; 9435; 9452; 9507; 11994
Hpy99I	CGWCG!	14	724; 4114; 6078; 7271; 8473; 8953; 8968; 10478; 10506; 10800; 10815; 11092; 11477; 12210
Hpy166II	GTN!NAC	28	201; 539; 577; 717; 1892; 1928; 2316; 2777; 3778; 3902; 4021; 4610; 4700; 6126; 6474; 7231; 7530; 7714; 8391; 8411; 8706; 8910; 8919; 9151; 9435; 9452; 9507; 11994
Hpy188I	TCN!GA	41	585; 609; 798; 862; 1242; 2105; 2502; 2546; 2738; 3144; 3553; 3758; 4071; 4762; 4992; 5066; 5078; 5555; 5565; 5645; 6516; 7171; 7262; 7345; 7418; 7992; 8043; 8171; 8198; 8247; 8418; 9562; 10171; 10355; 10699; 11052; 11153; 11632; 11766; 12119; 12197
Hpy188III	TC!NNGA	62	613; 739; 978; 1033; 1259; 1311; 1557; 1687; 1744; 1762; 2006; 2020; 2179; 3190; 3200; 3210; 3369; 3676; 3766; 3820; 3856; 4006; 4117; 4160; 4311; 4348; 4421; 4435; 4635; 5262; 5484; 5574; 5725; 5926; 6247; 6984; 7029; 7105; 7984; 8254; 8312; 8895; 9043; 9815; 9867; 10180; 10233; 10406; 10722; 10731; 10814; 10870; 10914; 11004; 11037; 11106; 11587; 11661; 11744; 11842; 11940; 12074
HpyAV	CCTTCNNNNNN!	14	1291; 1584; 1945; 2473; 4491; 7423; 8088; 8252; 8499; 8547; 8592; 11033; 11140; 11819
HpyAV	!NNNNNGAAGG	27	1422; 1455; 1593; 1786; 2437; 2991; 3753; 4551; 4716; 5707; 6154; 6175; 6477; 6513; 6930; 7032; 8106; 8166; 8419; 8791; 9621; 10516; 11245; 11261; 11444; 11761; 12071
HpyCH4III	ACN!GT	32	76; 198; 269; 543; 581; 930; 963; 1567; 1932; 3063; 3289; 4758; 4825; 5039; 5222; 5245; 5305; 5559; 6243; 6658; 7035; 7548; 8103; 8388; 9479; 10768; 10884; 10992; 11315; 11806; 12276; 12347
HpyCH4IV	A!CGT	28	122; 134; 175; 258; 339; 444; 1210; 1535; 2570; 2993; 4112; 4265; 5526; 5941; 6899; 7101; 7400; 8687; 8915; 8963; 9448; 9460; 9503; 9613; 10504; 10691; 11472; 11605
HpyCH4V	TG!CA	85	693; 1137; 1293; 1357; 2082; 2151; 2160; 2338; 2368; 2469; 2488; 2556; 2598; 2649; 2677; 2755; 2988; 3349; 3384; 3400; 3415; 3424; 3442; 3454; 3501; 3543; 3624; 3696; 3799; 3991; 4000; 4078; 4083; 4378; 4413; 4700; 4738; 5050; 5122; 5152; 5736; 5755; 5760; 5875; 5961; 6042; 6103; 6349; 6453; 6541; 6575; 6744; 6751; 6838; 6889; 6943; 6970; 7298; 7353; 7597; 7702; 7714; 7789; 7967; 8026; 8074; 8411; 8733; 8849; 9137; 9164; 9232; 9949; 9958; 10021; 10030; 10145; 10221; 10280; 10439; 10614; 10628; 11698; 11994; 12361

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
HpyF3I	C!TNAG	49	606; 1075; 1180; 1239; 1640; 1776; 1908; 2021; 2519; 2534; 3141; 3173; 3211; 3323; 3566; 3587; 3660; 3700; 3755; 3764; 3802; 4024; 4199; 4312; 4433; 4598; 5356; 5378; 5411; 5450; 5562; 5891; 5899; 6137; 6869; 7261; 7484; 7556; 7920; 7949; 7991; 8040; 8588; 9868; 10170; 11051; 11500; 11623; 12032
HpyF10VI	GCNNNNN!NNGC	107	90; 212; 244; 283; 376; 400; 699; 838; 1134; 1367; 1990; 2119; 2157; 2170; 2227; 2293; 2453; 2466; 2524; 2598; 2674; 2905; 2956; 2988; 3013; 3119; 3163; 3268; 3309; 3346; 3361; 3393; 3409; 3421; 3460; 3469; 3592; 3655; 3760; 3997; 4042; 4084; 4153; 4204; 4241; 4253; 4282; 4513; 4600; 4654; 4933; 4966; 5056; 5188; 5326; 5414; 5638; 5680; 5797; 5881; 5953; 5983; 6097; 6337; 6355; 6419; 6547; 6589; 6781; 6937; 7081; 7213; 7504; 7582; 7614; 7711; 7732; 7780; 7809; 7876; 7898; 7945; 8023; 8068; 8247; 8305; 8367; 8798; 9615; 9645; 9672; 9714; 9955; 10027; 10078; 10157; 10379; 10463; 10486; 10625; 10748; 10831; 11098; 11285; 11489; 11688; 12260
Hsp92I	GR!CGYC	11	122; 175; 258; 444; 722; 7327; 7772; 8906; 10388; 11090; 11169
Hsp92II	CATG!	60	304; 364; 645; 714; 735; 858; 879; 945; 975; 981; 1015; 1171; 1207; 2001; 2046; 2097; 2151; 2266; 3090; 3339; 3400; 3454; 3776; 4572; 4698; 4803; 4833; 4863; 5430; 5595; 6123; 6213; 6418; 6532; 6633; 7287; 7512; 7897; 8334; 8361; 8367; 8379; 8457; 8523; 8603; 8807; 8814; 9818; 9958; 10030; 10121; 10262; 10607; 10793; 10824; 10850; 11206; 11590; 12310; 12361
HspAI	G!CGC	43	595; 649; 2001; 2122; 2531; 2715; 3111; 3355; 3387; 3710; 3744; 4045; 4060; 5208; 5795; 6380; 6929; 7327; 7772; 8267; 8297; 8801; 9008; 9652; 9660; 9686; 9708; 9717; 9730; 9761; 10380; 10388; 10452; 10489; 10755; 11015; 11191; 11277; 11680; 11789; 11963; 12063; 12130
KasI	G!GCGCC	3	7326; 7771; 10387
KfII	GG!GWCCC	2	1070; 4173
KpnI	GGTAC!C	1	6566
Kpn2I	T!CCGGA	0	
KspI	CCGC!GG	0	
Ksp22I	T!GATCA	1	6881
KspAI	GTT!AAC	1	9151
Kzo9I	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
LguI	GCTCTTCN!	0	
LguI	!NNNNGAAGAGC	4	1193; 6275; 10732; 10942
LpnI	RGC!GCV	16	596; 2123; 2532; 3388; 5209; 5796; 6381; 6930; 7328; 7773; 8268; 9009; 9653; 9661; 10389; 12064
LpnPI	CCDGNNNNNNNNN!	201	102; 295; 614; 738; 764; 916; 1087; 1258; 1280; 1324; 1340; 1359; 1378; 1438; 1635; 2003; 2033; 2063; 2082; 2128; 2157; 2182; 2224; 2290; 2332; 2348; 2404; 2443; 2470; 2541; 2563; 2577; 2595; 2647; 2698; 2725; 2742; 2797; 2843; 2980; 3024; 3039; 3127; 3160; 3223; 3296; 3403; 3499; 3584; 3621; 3641; 3694; 3745; 3893; 3985; 4051; 4088; 4119; 4140; 4181; 4198; 4240; 4261; 4311; 4453; 4467; 4498; 4521; 4537; 4552; 4567; 4631; 4672; 4696; 4717; 4732; 4783; 4798; 4913; 5068; 5085; 5105; 5122; 5185; 5224; 5323; 5368; 5390; 5408; 5423; 5497; 5621; 5707; 5755; 5805; 5830; 5860; 5881; 5911; 5944; 6031; 6082; 6108; 6163; 6191; 6214; 6285; 6316; 6359; 6477; 6559; 6580; 6600; 6700; 6775; 6799; 6855; 6875; 6925; 6980; 7142; 7169; 7239; 7331; 7363; 7396; 7442; 7507; 7547; 7638; 7722; 7753; 7793; 7900; 7915; 7969; 8023; 8062; 8077; 8101; 8152; 8224; 8289; 8307; 8333; 8461; 8518; 8567; 8600; 8662; 8677; 8726; 8806; 8830; 8854; 8916; 9003; 9125; 9430; 9619; 9842; 9880; 9896; 9936; 9991; 10008; 10108; 10193; 10306; 10383; 10405; 10428; 10564; 10578; 10597; 10654; 10721; 10771; 10787; 10844; 10902; 11111; 11177; 11201; 11277; 11366; 11469; 11502; 11733; 11751; 11897; 11917; 11941; 11967; 12016; 12114; 12159; 12189; 12268; 12293; 12330

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
LpnPI	!NNNNNNNNNNNNNNCHGG	181	75; 268; 552; 586; 745; 807; 1012; 1052; 1143; 1174; 1279; 1343; 1397; 1468; 1528; 1600; 1672; 1701; 1729; 1747; 1805; 1858; 1991; 2017; 2104; 2137; 2155; 2197; 2263; 2282; 2312; 2419; 2442; 2474; 2542; 2563; 2620; 2671; 2714; 2773; 2843; 2953; 2996; 3083; 3112; 3133; 3175; 3376; 3481; 3523; 3614; 3661; 3718; 3751; 3820; 3866; 3943; 3977; 4001; 4024; 4069; 4102; 4145; 4186; 4238; 4367; 4393; 4420; 4439; 4471; 4493; 4525; 4630; 4693; 4756; 4850; 4885; 4951; 4994; 5041; 5068; 5089; 5158; 5323; 5456; 5528; 5594; 5656; 5773; 5806; 5854; 5911; 5972; 6004; 6089; 6124; 6232; 6313; 6388; 6415; 6520; 6553; 6584; 6629; 6672; 6740; 6856; 6898; 7090; 7202; 7347; 7369; 7436; 7457; 7480; 7594; 7702; 7735; 7777; 7798; 7873; 7942; 7969; 7996; 8035; 8074; 8140; 8170; 8202; 8255; 8279; 8305; 8491; 8539; 8635; 8736; 8779; 8888; 8914; 8987; 9471; 9591; 9648; 9711; 9909; 9921; 9981; 9993; 10225; 10270; 10313; 10355; 10377; 10405; 10452; 10514; 10536; 10626; 10693; 10716; 10760; 10855; 10874; 10899; 11048; 11149; 11192; 11249; 11339; 11442; 11469; 11487; 11723; 11760; 11913; 11939; 12079; 12097; 12132; 12213; 12266
Lsp1109I	GCAGCNNNNNNNN!	61	1953; 2070; 2485; 2572; 2610; 2661; 2689; 2767; 2920; 2959; 3000; 3283; 3312; 3331; 3361; 3396; 3412; 3427; 3454; 3636; 3658; 3708; 3859; 4012; 4142; 4390; 4758; 4969; 5134; 5332; 5434; 5625; 5709; 5922; 6019; 6103; 6361; 6595; 6763; 6850; 6955; 6990; 7318; 7452; 7591; 7609; 7626; 7714; 7747; 7882; 8086; 8161; 8232; 8540; 8982; 9176; 10461; 10503; 11024; 11477; 11977
Lsp1109I	!NNNNNNNNNNNNNGCTGC	46	1202; 1707; 2151; 2205; 2412; 2540; 2661; 2739; 2915; 2969; 3204; 3339; 3399; 3426; 3591; 3728; 3941; 4029; 4231; 4362; 4635; 5638; 5784; 5859; 6087; 6345; 6406; 6525; 6927; 7200; 7391; 7485; 7581; 7671; 7713; 7815; 7923; 8001; 8058; 8659; 9670; 10335; 10519; 10612; 11678; 11884
LweI	GCATCNNNNN!	13	827; 1643; 3131; 4165; 4685; 4877; 8567; 9204; 9967; 10039; 10687; 10751; 11026
LweI	!NNNNNNNNNNNGATGC	20	357; 680; 1643; 2069; 2205; 2274; 3084; 3159; 3225; 3683; 4284; 4902; 5735; 8153; 8720; 8888; 10346; 10601; 10817; 12209
MabI	A!CCWGGT	3	3146; 8048; 9977
MaeI	C!TAG	32	592; 634; 826; 1582; 2653; 2848; 3200; 3581; 3721; 3820; 4033; 4750; 4849; 4978; 5183; 5278; 5539; 5665; 6154; 6286; 6739; 6847; 7078; 7678; 7898; 9043; 9237; 9655; 10211; 11226; 11560; 11813
MaeII	A!CGT	28	122; 134; 175; 258; 339; 444; 1210; 1535; 2570; 2993; 4112; 4265; 5526; 5941; 6899; 7101; 7400; 8687; 8915; 8963; 9448; 9460; 9503; 9613; 10504; 10691; 11472; 11605
MaeIII	!GTNAC	36	61; 148; 497; 963; 2370; 2614; 2961; 3063; 4028; 4215; 4315; 4665; 4729; 5158; 5992; 6172; 6237; 6255; 6313; 6432; 6916; 7005; 7014; 7378; 7479; 8610; 8806; 9176; 9677; 9689; 10508; 10814; 11504; 11770; 11886; 11949
MalI	GA!TC	38	587; 611; 748; 1375; 1477; 1804; 2065; 2269; 2333; 3188; 3226; 3911; 4073; 5404; 5669; 6883; 7982; 8215; 8316; 8845; 8871; 9047; 10227; 10231; 10250; 10561; 10639; 10720; 10729; 10807; 11183; 11199; 11558; 11570; 11648; 11656; 11667; 11742
MaqI	CRTTGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	144; 197; 466; 540
MaqI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCAAYG	4	157; 240; 426; 3131
MauBI	CG!CGCGCG	0	
MbiI	CCG!CTC	2	9812; 11001
MbiI	GAG!CGG	4	744; 9031; 9648; 11055
MboI	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
MboII	GAAGANNNNNNNN!	34	672; 696; 918; 945; 1057; 1122; 1210; 1617; 1680; 1857; 1897; 2929; 3384; 3648; 4153; 5308; 6076; 6292; 6382; 6868; 7060; 7171; 7249; 8043; 8095; 8170; 8200; 8635; 8748; 9644; 9872; 10749; 10959; 11578
MboII	!NNNNNNNTCTTC	10	1224; 1569; 2375; 3069; 4565; 7110; 11039; 11206; 11406; 11649
McaTI	GCGC!GC	0	
MfeI	C!AATTG	1	9138
MfII	R!GATCY	19	585; 609; 746; 1373; 1475; 2267; 2331; 3224; 3909; 4071; 8213; 8869; 10559; 10805; 11197; 11556; 11568; 11654; 11665



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MhII	GDGCH!C	35	620; 788; 993; 1622; 1973; 2520; 2772; 3484; 3588; 3940; 4539; 4702; 5310; 5435; 5480; 6491; 6504; 7077; 7097; 7350; 7490; 7568; 7716; 8264; 8386; 8413; 8446; 9579; 10334; 10427; 10501; 10691; 10753; 11463; 11996
MIsI	TGG!CCA	12	2075; 2210; 2872; 3340; 4256; 4718; 5239; 5546; 5791; 6799; 8989; 10470
MluI	A!CGCGT	0	
MluNI	TGG!CCA	12	2075; 2210; 2872; 3340; 4256; 4718; 5239; 5546; 5791; 6799; 8989; 10470
MlyI	GAGTCNNNNN!	10	1897; 3711; 4647; 5088; 5959; 6116; 7660; 8618; 9440; 9872
MlyI	!NNNNNGACTC	12	404; 598; 946; 1900; 2187; 4301; 6121; 7981; 9033; 9447; 11053; 11930
Mly113I	GG!CGCC	3	7327; 7772; 10388
MmeI	TCCRACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	2411; 4574; 5396; 9481
MmeI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTYGGA	6	1880; 2480; 4269; 5441; 11913; 12097
MnII	CCTCNNNNNNN!	57	779; 1397; 1564; 1708; 1734; 2022; 2111; 2213; 2232; 2316; 2549; 2701; 2910; 2983; 3067; 3150; 3238; 3429; 3468; 3483; 3607; 3669; 4144; 4337; 4428; 4442; 4461; 4642; 4938; 5342; 5379; 5823; 6091; 6302; 6342; 6625; 6801; 6823; 6931; 7158; 7828; 7929; 7950; 8049; 8492; 8561; 8671; 8686; 8769; 8902; 9107; 10171; 10989; 11195; 11509; 11879; 12203
MnII	!NNNNNGAGG	71	541; 747; 822; 1053; 1175; 1512; 1671; 1869; 1896; 2080; 2430; 2715; 2847; 2877; 2929; 3168; 3249; 3285; 3318; 3547; 3762; 4137; 4417; 4521; 4848; 4947; 5226; 5406; 5467; 5588; 5721; 5976; 6024; 6048; 6209; 6654; 6684; 6717; 7047; 7074; 7530; 7584; 7635; 7659; 7736; 7758; 7986; 8027; 8184; 8373; 8412; 8433; 8466; 8583; 8692; 8748; 8937; 8970; 9013; 9067; 9532; 9863; 10141; 10184; 10199; 10239; 10303; 10439; 10796; 11226; 12129
Mph1103I	ATGCA!T	3	9960; 10032; 12363
MreI	CG!CCGGCG	0	
MroI	T!CCGGA	0	
MroNI	G!CCGGC	4	2456; 9605; 10888; 11171
MroXI	GAANN!NN TTC	2	1432; 2507
MscI	TGG!CCA	12	2075; 2210; 2872; 3340; 4256; 4718; 5239; 5546; 5791; 6799; 8989; 10470
MseI	T!TAA	23	7; 1841; 2138; 3869; 4387; 6653; 6700; 8348; 8573; 9089; 9150; 9271; 9292; 9303; 9315; 9326; 9343; 9441; 9712; 11531; 11545; 11550; 11602
MslII	CAYNN!NNRTG	12	365; 970; 2832; 4567; 4693; 5743; 5755; 6628; 7171; 8332; 8362; 10825
MspI	C!CGG	35	601; 2457; 2564; 2729; 3011; 3026; 4454; 4508; 4659; 4900; 6687; 7362; 8217; 8276; 8282; 8294; 8320; 8554; 8903; 9606; 10293; 10370; 10392; 10420; 10551; 10641; 10708; 10889; 11164; 11172; 11264; 11738; 11928; 11954; 12101
Msp20I	TGG!CCA	12	2075; 2210; 2872; 3340; 4256; 4718; 5239; 5546; 5791; 6799; 8989; 10470
MspA1I	CMG!CKG	30	1275; 2296; 2787; 2928; 3322; 3352; 3649; 3699; 4235; 4244; 4381; 4644; 5165; 5616; 5651; 5686; 5787; 5820; 6306; 6352; 6754; 6946; 7617; 7828; 7882; 8782; 9886; 10494; 11723; 11968
MspCI	C!TTAAG	3	1840; 3868; 9270

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspJI	CNNRNNNNNNNNNN!	656	36; 50; 71; 97; 113; 127; 147; 167; 219; 236; 251; 290; 306; 319; 332; 352; 373; 407; 424; 449; 481; 500; 523; 548; 574; 596; 613; 627; 640; 654; 670; 723; 737; 751; 764; 784; 809; 822; 838; 867; 888; 907; 925; 954; 968; 984; 1004; 1019; 1039; 1079; 1098; 1111; 1135; 1150; 1170; 1186; 1201; 1216; 1234; 1251; 1271; 1288; 1306; 1323; 1339; 1353; 1370; 1383; 1400; 1417; 1432; 1449; 1471; 1495; 1516; 1535; 1548; 1567; 1593; 1627; 1652; 1669; 1685; 1699; 1715; 1728; 1741; 1756; 1774; 1788; 1802; 1818; 1832; 1852; 1869; 1885; 1920; 1965; 1984; 2002; 2018; 2032; 2055; 2074; 2088; 2104; 2126; 2141; 2156; 2173; 2191; 2218; 2237; 2256; 2270; 2288; 2304; 2331; 2347; 2399; 2417; 2442; 2469; 2482; 2497; 2513; 2531; 2546; 2562; 2576; 2589; 2614; 2633; 2646; 2665; 2681; 2697; 2711; 2724; 2741; 2754; 2774; 2795; 2813; 2827; 2842; 2860; 2878; 2913; 2927; 2947; 2967; 2980; 3004; 3023; 3038; 3051; 3070; 3099; 3126; 3139; 3153; 3174; 3202; 3222; 3241; 3257; 3275; 3290; 3325; 3346; 3368; 3381; 3402; 3416; 3440; 3458; 3478; 3491; 3504; 3528; 3550; 3564; 3578; 3592; 3610; 3624; 3640; 3665; 3679; 3693; 3712; 3725; 3744; 3757; 3776; 3814; 3832; 3847; 3866; 3880; 3893; 3917; 3938; 3962; 3983; 4004; 4018; 4036; 4049; 4075; 4096; 4113; 4129; 4147; 4160; 4179; 4197; 4211; 4232; 4260; 4278; 4294; 4310; 4323; 4342; 4360; 4374; 4394; 4413; 4426; 4445; 4459; 4480; 4497; 4520; 4536; 4550; 4566; 4581; 4603; 4617; 4630; 4645; 4670; 4695; 4715; 4731; 4762; 4782; 4797; 4812; 4830; 4853; 4872; 4886; 4912; 4935; 4962; 4976; 4990; 5003; 5016; 5029; 5044; 5057; 5077; 5095; 5114; 5150; 5184; 5204; 5217; 5240; 5264; 5283; 5304; 5317; 5337; 5350; 5367; 5384; 5399; 5412; 5430; 5446; 5462; 5483; 5496; 5525; 5551; 5564; 5586; 5600; 5613; 5629; 5656; 5671; 5692; 5706; 5720; 5735; 5749; 5773; 5788; 5804; 5819; 5833; 5849; 5875; 5903; 5919; 5938; 5960; 5990; 6010; 6023; 6039; 6055; 6072; 6094; 6107; 6132; 6149; 6162; 6178; 6191; 6204; 6222; 6236; 6259; 6272; 6289; 6307; 6323; 6336; 6349; 6374; 6395; 6408; 6421; 6442; 6455; 6475; 6491; 6504; 6517; 6539; 6558; 6571; 6584; 6599; 6623; 6642; 6656; 6670; 6692; 6711; 6730; 6743; 6757; 6774; 6788; 6807; 6821; 6840; 6854; 6867; 6881; 6912; 6925; 6947; 6963; 6979; 6994; 7007; 7022; 7039; 7073; 7089; 7103; 7117; 7140; 7154; 7168; 7182; 7214; 7229; 7246; 7263; 7278; 7292; 7307; 7329; 7342; 7356; 7374; 7395; 7411; 7429; 7442; 7459; 7472; 7496; 7514; 7532; 7545; 7568; 7581; 7602; 7621; 7636; 7649; 7668; 7684; 7700; 7721; 7751; 7769; 7792; 7823; 7844; 7865; 7886; 7899; 7914; 7932; 7956; 7969; 7986; 8003; 8022; 8052; 8075; 8094; 8150; 8165; 8182; 8197; 8218; 8244; 8258; 8271; 8288; 8306; 8319; 8332; 8352; 8370; 8388; 8418; 8436; 8451; 8466; 8484; 8517; 8532; 8556; 8575; 8599; 8612; 8628; 8646; 8660; 8676; 8689; 8703; 8724; 8737; 8758; 8777; 8791; 8805; 8823; 8836; 8853; 8866; 8880; 8893; 8907; 8928; 8941; 8960; 8979; 9002; 9023; 9048; 9061; 9076; 9095; 9112; 9125; 9166; 9180; 9193; 9211; 9249; 9264; 9282; 9323; 9347; 9367; 9385; 9406; 9429; 9461; 9476; 9498; 9516; 9529; 9550; 9567; 9580; 9593; 9609; 9622; 9652; 9667; 9692; 9710; 9723; 9738; 9762; 9776; 9800; 9825; 9841; 9879; 9895; 9934; 9948; 9962; 9990; 10006; 10020; 10034; 10063; 10076; 10097; 10106; 10128; 10158; 10174; 10192; 10222; 10245; 10269; 10293; 10312; 10340; 10366; 10382; 10395; 10418; 10432; 10452; 10465; 10479; 10498; 10512; 10525; 10541; 10556; 10569; 10585; 10600; 10616; 10641; 10660; 10676; 10689; 10702; 10720; 10734; 10748; 10764; 10786; 10802; 10821; 10843; 10859; 10882; 10901; 10915; 10931; 10945; 10965; 10981; 10994; 11016; 11049; 11063; 11083; 11096; 11110; 11164; 11177; 11200; 11213; 11232; 11249; 11276; 11312; 11345; 11364; 11389; 11410; 11437; 11450; 11467; 11481; 11496; 11512; 11572; 11597; 11613; 11635; 11648; 11662; 11693; 11707; 11732; 11750; 11765; 11778; 11797; 11810; 11825; 11854; 11873; 11891; 11916; 11931; 11950; 11966; 11985; 12003; 12019; 12033; 12052; 12079; 12102; 12124; 12143; 12158; 12171; 12188; 12208; 12235; 12248; 12267; 12292; 12315; 12329; 12342; 12359

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspJI	!NNNNNNNNNNNNNYNG	526	8; 35; 59; 76; 97; 123; 145; 168; 197; 221; 269; 281; 310; 330; 347; 377; 400; 437; 465; 492; 511; 531; 553; 574; 593; 612; 634; 651; 683; 704; 723; 745; 767; 807; 829; 846; 889; 928; 958; 978; 998; 1017; 1045; 1062; 1083; 1135; 1154; 1175; 1192; 1226; 1245; 1274; 1297; 1322; 1340; 1357; 1393; 1411; 1429; 1459; 1477; 1494; 1515; 1533; 1550; 1568; 1601; 1627; 1645; 1672; 1702; 1729; 1747; 1783; 1806; 1828; 1853; 1882; 1924; 1944; 1964; 1984; 2001; 2018; 2036; 2055; 2072; 2089; 2115; 2134; 2155; 2174; 2192; 2217; 2249; 2283; 2305; 2346; 2377; 2395; 2416; 2443; 2471; 2496; 2514; 2536; 2557; 2592; 2620; 2639; 2671; 2692; 2714; 2746; 2770; 2788; 2808; 2825; 2844; 2866; 2887; 2919; 2941; 2965; 2990; 3008; 3026; 3066; 3084; 3101; 3119; 3148; 3175; 3196; 3215; 3232; 3250; 3269; 3297; 3318; 3340; 3365; 3383; 3407; 3437; 3454; 3472; 3496; 3517; 3537; 3557; 3574; 3594; 3614; 3647; 3667; 3687; 3707; 3724; 3742; 3759; 3782; 3806; 3840; 3866; 3893; 3921; 3944; 3967; 3990; 4011; 4030; 4055; 4078; 4102; 4145; 4163; 4181; 4208; 4227; 4252; 4275; 4297; 4317; 4334; 4368; 4394; 4420; 4439; 4461; 4479; 4499; 4520; 4540; 4563; 4585; 4604; 4621; 4644; 4669; 4690; 4715; 4736; 4756; 4786; 4804; 4828; 4846; 4870; 4892; 4918; 4936; 4964; 4991; 5009; 5027; 5050; 5068; 5089; 5135; 5158; 5191; 5210; 5243; 5264; 5291; 5320; 5341; 5363; 5381; 5398; 5432; 5457; 5478; 5499; 5519; 5538; 5560; 5578; 5595; 5623; 5641; 5662; 5680; 5711; 5728; 5747; 5767; 5787; 5807; 5833; 5854; 5872; 5893; 5911; 5930; 5965; 5986; 6004; 6025; 6055; 6081; 6099; 6124; 6154; 6176; 6196; 6232; 6258; 6281; 6305; 6323; 6340; 6363; 6383; 6401; 6424; 6450; 6485; 6515; 6532; 6553; 6573; 6602; 6620; 6644; 6662; 6704; 6725; 6742; 6764; 6781; 6800; 6818; 6848; 6892; 6912; 6933; 6953; 6970; 7000; 7030; 7056; 7086; 7107; 7124; 7142; 7165; 7203; 7220; 7246; 7264; 7281; 7304; 7323; 7343; 7369; 7387; 7415; 7437; 7458; 7480; 7511; 7543; 7576; 7595; 7612; 7636; 7664; 7695; 7714; 7736; 7755; 7778; 7799; 7818; 7846; 7873; 7907; 7936; 7954; 7976; 7996; 8027; 8050; 8074; 8112; 8141; 8165; 8182; 8202; 8224; 8245; 8262; 8279; 8298; 8317; 8335; 8362; 8392; 8416; 8434; 8458; 8477; 8499; 8530; 8549; 8573; 8606; 8635; 8677; 8699; 8732; 8752; 8779; 8797; 8814; 8832; 8860; 8881; 8902; 8926; 8948; 8971; 8988; 9014; 9040; 9069; 9098; 9140; 9223; 9258; 9285; 9308; 9337; 9381; 9403; 9435; 9471; 9488; 9509; 9546; 9566; 9583; 9600; 9635; 9653; 9671; 9688; 9712; 9734; 9761; 9789; 9815; 9853; 9874; 9891; 9909; 9932; 9953; 9981; 10004; 10025; 10043; 10064; 10081; 10104; 10128; 10148; 10166; 10188; 10219; 10241; 10267; 10286; 10303; 10331; 10350; 10369; 10387; 10405; 10426; 10448; 10472; 10505; 10525; 10543; 10564; 10590; 10617; 10634; 10651; 10668; 10694; 10716; 10738; 10756; 10776; 10795; 10817; 10855; 10875; 10899; 10919; 10939; 10966; 10990; 11023; 11042; 11070; 11092; 11121; 11149; 11174; 11193; 11212; 11233; 11250; 11267; 11298; 11325; 11345; 11368; 11388; 11425; 11442; 11461; 11487; 11507; 11546; 11573; 11592; 11610; 11647; 11665; 11706; 11724; 11750; 11767; 11799; 11828; 11856; 11877; 11900; 11919; 11940; 11958; 11975; 11993; 12019; 12040; 12060; 12080; 12098; 12119; 12145; 12162; 12181; 12200; 12229; 12248; 12266; 12285; 12303; 12321; 12344
MspR9I	CC!NGG	78	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2565; 2578; 2635; 2686; 2730; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4660; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6688; 6763; 6913; 7363; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8277; 8283; 8506; 8555; 8650; 8665; 8794; 8903; 9924; 9979; 9996; 10392; 10552; 10775; 11165; 11354; 11457; 11929; 12147; 12160; 12281
MssI	GTTT!AAC	0	
MunI	C!AATTG	1	9138
MvaI	CC!WGG	65	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2578; 2635; 2686; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6763; 6913; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8506; 8650; 8665; 8794; 9924; 9979; 9996; 10775; 11354; 11457; 12147; 12160; 12281
Mva1269I	GAATGCN!	2	6753; 9139
Mva1269I	G!CATTC	1	9232

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MvnI	CG!CG	17	60; 4047; 8308; 9037; 9312; 9688; 9708; 9732; 9763; 10454; 10755; 11193; 11277; 11340; 11409; 11682; 12263
MvrI	CGAT!CG	0	
MwoI	GCNNNNN!NNGC	107	90; 212; 244; 283; 376; 400; 699; 838; 1134; 1367; 1990; 2119; 2157; 2170; 2227; 2293; 2453; 2466; 2524; 2598; 2674; 2905; 2956; 2988; 3013; 3119; 3163; 3268; 3309; 3346; 3361; 3393; 3409; 3421; 3460; 3469; 3592; 3655; 3760; 3997; 4042; 4084; 4153; 4204; 4241; 4253; 4282; 4513; 4600; 4654; 4933; 4966; 5056; 5188; 5326; 5414; 5638; 5680; 5797; 5881; 5953; 5983; 6097; 6337; 6355; 6419; 6547; 6589; 6781; 6937; 7081; 7213; 7504; 7582; 7614; 7711; 7732; 7780; 7809; 7876; 7898; 7945; 8023; 8068; 8247; 8305; 8367; 8798; 9615; 9645; 9672; 9714; 9955; 10027; 10078; 10157; 10379; 10463; 10486; 10625; 10748; 10831; 11098; 11285; 11489; 11688; 12260
NaeI	GCC!GGC	4	2458; 9607; 10890; 11173
NarI	GG!CGCC	3	7327; 7772; 10388
NciI	CC!SGG	13	2565; 2730; 4660; 6688; 7363; 8277; 8283; 8555; 8903; 10392; 10552; 11165; 11929
NcoI	C!CATGG	12	360; 641; 710; 875; 1167; 3086; 5426; 6209; 6414; 8330; 10117; 10820
NdeI	CA!TATG	1	234
NdeII	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
NgoAVIII	GACNNNNNTGANNNNNNNNNNNN!	3	280; 2762; 7031
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNTCANNNNNGTC	1	8450
NgoAVIII	TCANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	1	8486
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNGACNNNNNTGA	3	244; 2726; 6995
NgoMIV	G!CCGGC	4	2456; 9605; 10888; 11171
NheI	G!CTAGC	4	591; 2652; 5538; 7897
NlaII	CATG!	60	304; 364; 645; 714; 735; 858; 879; 945; 975; 981; 1015; 1171; 1207; 2001; 2046; 2097; 2151; 2266; 3090; 3339; 3400; 3454; 3776; 4572; 4698; 4803; 4833; 4863; 5430; 5595; 6123; 6213; 6418; 6532; 6633; 7287; 7512; 7897; 8334; 8361; 8367; 8379; 8457; 8523; 8603; 8807; 8814; 9818; 9958; 10030; 10121; 10262; 10607; 10793; 10824; 10850; 11206; 11590; 12310; 12361
NlaIV	GGN!NCC	51	467; 748; 1071; 1072; 1320; 1619; 1696; 2010; 2133; 2461; 3483; 4174; 4175; 4517; 4712; 5030; 5090; 5432; 5662; 6447; 6564; 6760; 6852; 7075; 7328; 7342; 7532; 7541; 7575; 7773; 8008; 8274; 8280; 8292; 8304; 8385; 8445; 8836; 9543; 9564; 9576; 9767; 9928; 10000; 10389; 10424; 11272; 11351; 11396; 12239; 12278
NlaCI	CATCACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	1659; 2313; 4713; 9220; 9535; 11127
NlaCI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGATG	8	347; 1633; 3074; 6449; 6982; 8710; 8996; 12199
Nli3877I	CYCGR!G	11	617; 1263; 3858; 4008; 4425; 4449; 4522; 4662; 5496; 5517; 5805
NmeAIII	GCCGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	3762; 5341; 10177; 10613
NmeAIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCGGC	2	8726; 10142
NmeDI	RCCGGYNNNNNNNN!	7	2468; 3037; 8331; 9617; 10719; 10900; 11183
NmeDI	!NNNNNNNNNNNNRCCGGY	7	2443; 3012; 8306; 9592; 10694; 10875; 11158
NmuCI	!GTSAC	23	963; 2370; 2614; 2961; 3063; 4028; 4215; 4315; 4665; 4729; 6172; 6237; 6313; 6432; 6916; 7005; 7014; 7479; 8610; 8806; 9677; 10508; 10814
NotI	GC!GGCCGC	1	9032
NruI	TCG!CGA	0	
NsbI	TGC!GCA	4	3356; 3711; 3745; 10490
NsiI	ATGCA!T	3	9960; 10032; 12363
NspI	RCATG!Y	16	858; 975; 2046; 2097; 2151; 3400; 3454; 3776; 4803; 7287; 8361; 8807; 9958; 10030; 10793; 12310
NspV	TT!CGAA	3	627; 8081; 11070
OliI	CACNN!NNGTG	3	2832; 5755; 8332
PabI	GTA!C	27	220; 245; 300; 333; 384; 541; 719; 884; 1272; 1530; 1782; 1949; 2800; 3813; 3904; 5101; 5220; 5248; 5852; 6402; 6565; 7338; 8231; 8375; 8525; 8777; 10695
PacI	TTAAT!TAA	0	
PaeI	GCATG!C	6	2046; 2151; 3400; 9958; 10030; 10793
PaeR7I	C!TCGAG	2	613; 3854
PagI	T!CATGA	3	977; 9814; 11586

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PaIAI	GG!CGCGCC	0	
PasI	CC!CWGGG	7	3972; 4168; 5608; 6912; 7625; 11353; 11456
PauI	G!CGCGC	0	
PceI	AGG!CCT	6	1345; 3472; 4603; 6571; 8758; 10209
PciI	A!CATGT	2	4799; 12306
PciSI	GCTCTTCN!	0	
PciSI	!NNNNGAAGAGC	4	1193; 6275; 10732; 10942
PcsI	WCGNNNN!NNNCGW	8	8175; 8972; 10682; 10759; 11002; 11076; 11469; 11987
PctI	GAATGCN!	2	6753; 9139
PctI	G!CATTC	1	9232
PdiI	GCC!GGC	4	2458; 9607; 10890; 11173
PdmI	GAANN!NNTTC	2	1432; 2507
PfeI	G!AWTC	18	735; 1255; 1683; 2254; 2725; 3528; 3793; 4776; 5566; 5717; 6555; 8459; 8936; 10873; 11007; 11117; 11154; 12332
Pfl23II	C!GTACG	0	
PfIFI	GACN!NNGTC	3	3148; 4825; 10506
PfIMI	CCANNNN!NTGG	5	1251; 2231; 2790; 6534; 8928
PfoI	T!CCNGGA	5	2633; 4484; 4769; 8663; 11163
PhoI	GG!CC	93	84; 277; 757; 767; 1345; 1522; 1546; 2075; 2173; 2210; 2456; 2460; 2483; 2576; 2581; 2698; 2710; 2794; 2872; 2971; 3001; 3021; 3118; 3130; 3166; 3262; 3340; 3472; 3482; 3514; 3736; 4087; 4126; 4256; 4396; 4450; 4457; 4507; 4516; 4603; 4718; 4858; 5071; 5107; 5239; 5546; 5791; 5845; 6058; 6142; 6229; 6290; 6323; 6331; 6413; 6571; 6799; 6910; 7057; 7075; 7361; 7630; 7817; 7849; 7892; 8038; 8062; 8480; 8723; 8758; 8792; 8815; 8837; 8947; 8989; 9034; 9354; 9496; 10151; 10157; 10166; 10209; 10296; 10470; 10861; 10888; 11397; 11454; 11487; 11832; 12266; 12284; 12295
PinAI	A!CCGGT	1	8319
PlaDI	CATCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	4093; 6950; 10769
PlaDI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGATG	6	1019; 3213; 6798; 7311; 10334; 10589
PleI	GAGTCNNNN!	10	1896; 3710; 4646; 5087; 5958; 6115; 7659; 8617; 9439; 9871
PleI	!NNNNNGACTC	12	404; 598; 946; 1900; 2187; 4301; 6121; 7981; 9033; 9447; 11053; 11930
Ple19I	CGAT!CG	0	
PmaCI	CAC!GTG	2	2994; 7401
PmeI	GTTT!AAAC	0	
PmII	CAC!GTG	2	2994; 7401
PpiI	GAACNNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	1	9470
PpiI	!NNNNNNNNGAGNNNNNGTTC	1	11600
PpiI	GAGNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	1	11632
PpiI	!NNNNNNNGAACNNNNNCTC	1	9438
Ppsi	GAGTCNNNN!	10	1896; 3710; 4646; 5087; 5958; 6115; 7659; 8617; 9439; 9871
Ppsi	!NNNNNGACTC	12	404; 598; 946; 1900; 2187; 4301; 6121; 7981; 9033; 9447; 11053; 11930
Ppu10I	A!TGCAT	3	9956; 10028; 12359
Ppu21I	YAC!GTR	6	340; 1536; 2994; 7401; 9504; 10692
PpuMI	RG!GWCCY	8	1070; 4173; 4437; 4845; 5661; 6163; 6735; 7539
Psci	A!CATGT	2	4799; 12306
PshAI	GACNN!NNGTC	2	4026; 8962
PshBI	AT!TAAT	1	7
PsiI	TTA!TAA	2	9171; 9376
Psp03I	GGWC!C	25	1073; 1167; 1387; 1863; 2020; 2691; 3681; 3781; 4176; 4440; 4533; 4848; 5664; 5931; 6166; 6738; 7398; 7533; 7542; 8276; 8282; 8294; 8922; 10907; 11352
Psp5II	RG!GWCCY	8	1070; 4173; 4437; 4845; 5661; 6163; 6735; 7539
Psp6I	!CCWGG	65	88; 281; 758; 1621; 2030; 2168; 2210; 2276; 2576; 2633; 2684; 2966; 3113; 3125; 3146; 3389; 3627; 3680; 3731; 3879; 3971; 4037; 4167; 4251; 4439; 4484; 4523; 4538; 4713; 4769; 5054; 5091; 5102; 5108; 5171; 5607; 5867; 6017; 6026; 6545; 6566; 6761; 6911; 7382; 7493; 7624; 7886; 7901; 7955; 8009; 8048; 8087; 8504; 8648; 8663; 8792; 9922; 9977; 9994; 10773; 11352; 11455; 12145; 12158; 12279
Psp1406I	AA!CGTT	1	5941
Psp124BI	GAGCT!C	5	620; 3940; 6491; 7490; 7568
PspCI	CAC!GTG	2	2994; 7401
PspEI	G!GTNACC	7	5992; 6172; 6255; 6432; 6916; 7005; 7378

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PspGI	!CCWGG	65	88; 281; 758; 1621; 2030; 2168; 2210; 2276; 2576; 2633; 2684; 2966; 3113; 3125; 3146; 3389; 3627; 3680; 3731; 3879; 3971; 4037; 4167; 4251; 4439; 4484; 4523; 4538; 4713; 4769; 5054; 5091; 5102; 5108; 5171; 5607; 5867; 6017; 6026; 6545; 6566; 6761; 6911; 7382; 7493; 7624; 7886; 7901; 7955; 8009; 8048; 8087; 8504; 8648; 8663; 8792; 9922; 9977; 9994; 10773; 11352; 11455; 12145; 12158; 12279
PspLI	C!GTACG	0	
PspN4I	GGN!NCC	51	467; 748; 1071; 1072; 1320; 1619; 1696; 2010; 2133; 2461; 3483; 4174; 4175; 4517; 4712; 5030; 5090; 5432; 5662; 6447; 6564; 6760; 6852; 7075; 7328; 7342; 7532; 7541; 7575; 7773; 8008; 8274; 8280; 8292; 8304; 8385; 8445; 8836; 9543; 9564; 9576; 9767; 9928; 10000; 10389; 10424; 11272; 11351; 11396; 12239; 12278
PspOMI	G!GGCCC	2	3480; 7073
PspOMII	CGCCARNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	125; 6809; 8234; 10118; 11117
PspOMII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNYTGGGCG	2	2839; 10520
PspPI	G!GNCC	61	83; 276; 756; 766; 1070; 1164; 1384; 1545; 1860; 2017; 2459; 2481; 2574; 2688; 2709; 2970; 3000; 3019; 3117; 3129; 3481; 3678; 3778; 4173; 4437; 4448; 4515; 4530; 4845; 5106; 5661; 5844; 5928; 6163; 6289; 6411; 6735; 6909; 7074; 7395; 7530; 7539; 7628; 7815; 7890; 8036; 8061; 8273; 8279; 8291; 8479; 8722; 8814; 8835; 8919; 9495; 10904; 11349; 11395; 11453; 11486
PspPPI	RG!GWCCY	8	1070; 4173; 4437; 4845; 5661; 6163; 6735; 7539
PspPRI	CCYCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	12	3160; 3504; 3679; 4452; 5626; 6482; 7147; 7939; 8059; 9941; 10013; 11519
PspPRI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTGRGG	12	1166; 3084; 3159; 3309; 3867; 3944; 5069; 5397; 7977; 8574; 9854; 11049
PspXI	VC!TCGAGB	0	
PsrI	GAACNNNNNNNTACNNNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGTANNNNNNGTTC	0	
PsrI	GTANNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGAACNNNNNNNTAC	0	
PssI	RGGNC!CY	19	759; 1073; 2484; 2973; 3484; 4176; 4440; 4518; 4848; 5664; 6166; 6292; 6738; 6912; 7077; 7542; 7818; 8039; 11489
PstI	CTGCA!G	20	2340; 2558; 2679; 2757; 2990; 3417; 3444; 3626; 4080; 4380; 5124; 5757; 5877; 6105; 6351; 6945; 6972; 7599; 7704; 8076
PstNI	CAGNNN!CTG	16	2494; 2550; 3309; 3390; 3421; 3460; 4075; 4440; 4618; 5082; 5953; 6408; 7110; 7956; 11489; 11897
PsuI	R!GATCY	19	585; 609; 746; 1373; 1475; 2267; 2331; 3224; 3909; 4071; 8213; 8869; 10559; 10805; 11197; 11556; 11568; 11654; 11665
PsyI	GACN!NNGTC	3	3148; 4825; 10506
PteI	G!CGCGC	0	
PvuI	CGAT!CG	0	
PvuII	CAG!CTG	21	1275; 2296; 2787; 2928; 3322; 3352; 3699; 4244; 4381; 4644; 5165; 5616; 5651; 5820; 6306; 6352; 6754; 7617; 7882; 9886; 10494
RcaI	T!CATGA	3	977; 9814; 11586
RceI	CATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	10903
RceI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGATG	0	
RgaI	GCGAT!CGC	0	
RigI	GGCCGG!CC	1	2460
RleAI	CCCACANNNNNNNNNNNNNNN!	2	5049; 9117
RleAI	!NNNNNNNNNNNTGTGGG	1	1488
RpaBI	CCCGCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	5933; 6529
RpaBI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGCGGG	1	3457
RpaB5I	CGRGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	2112; 4363
RpaB5I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCCYCG	0	
RruI	TCG!CGA	0	
RsaI	GT!AC	27	219; 244; 299; 332; 383; 540; 718; 883; 1271; 1529; 1781; 1948; 2799; 3812; 3903; 5100; 5219; 5247; 5851; 6401; 6564; 7337; 8230; 8374; 8524; 8776; 10694
RsaNI	G!TAC	27	218; 243; 298; 331; 382; 539; 717; 882; 1270; 1528; 1780; 1947; 2798; 3811; 3902; 5099; 5218; 5246; 5850; 6400; 6563; 7336; 8229; 8373; 8523; 8775; 10693
RseI	CAYNN!NNRTG	12	365; 970; 2832; 4567; 4693; 5743; 5755; 6628; 7171; 8332; 8362; 10825

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
RsrII	CG!GWCCG	1	10904
Rsr2I	CG!GWCCG	1	10904
SacI	GAGCT!C	5	620; 3940; 6491; 7490; 7568
SacII	CCGC!GG	0	
SalI	G!TCGAC	1	7229
SapI	GCTCTTCN!	0	
SapI	!NNNNGAAGAGC	4	1193; 6275; 10732; 10942
SaqAI	T!TAA	23	7; 1841; 2138; 3869; 4387; 6653; 6700; 8348; 8573; 9089; 9150; 9271; 9292; 9303; 9315; 9326; 9343; 9441; 9712; 11531; 11545; 11550; 11602
SatI	GC!NGC	154	729; 1216; 1219; 1721; 1942; 2059; 2165; 2219; 2426; 2448; 2474; 2554; 2561; 2599; 2650; 2675; 2681; 2753; 2756; 2909; 2929; 2948; 2951; 2983; 2986; 2989; 3218; 3260; 3275; 3301; 3304; 3320; 3353; 3385; 3401; 3413; 3416; 3440; 3443; 3455; 3605; 3625; 3647; 3650; 3697; 3742; 3752; 3848; 3851; 3955; 4001; 4043; 4058; 4131; 4245; 4376; 4379; 4397; 4595; 4649; 4655; 4747; 4961; 4970; 5123; 5321; 5423; 5614; 5639; 5652; 5684; 5698; 5785; 5798; 5873; 5885; 5911; 6008; 6092; 6101; 6117; 6350; 6359; 6420; 6539; 6584; 6752; 6782; 6839; 6941; 6944; 6979; 7214; 7307; 7405; 7441; 7444; 7499; 7577; 7583; 7595; 7598; 7615; 7685; 7700; 7703; 7727; 7736; 7829; 7844; 7847; 7871; 7880; 7937; 8015; 8060; 8072; 8075; 8150; 8221; 8224; 8478; 8529; 8673; 8790; 8971; 9035; 9165; 9684; 9706; 9720; 10158; 10297; 10349; 10360; 10450; 10455; 10492; 10533; 10620; 10626; 10862; 10958; 10999; 11013; 11127; 11466; 11481; 11692; 11898; 11901; 11966; 12109; 12264
Sau96I	G!GNCC	61	83; 276; 756; 766; 1070; 1164; 1384; 1545; 1860; 2017; 2459; 2481; 2574; 2688; 2709; 2970; 3000; 3019; 3117; 3129; 3481; 3678; 3778; 4173; 4437; 4448; 4515; 4530; 4845; 5106; 5661; 5844; 5928; 6163; 6289; 6411; 6735; 6909; 7074; 7395; 7530; 7539; 7628; 7815; 7890; 8036; 8061; 8273; 8279; 8291; 8479; 8722; 8814; 8835; 8919; 9495; 10904; 11349; 11395; 11453; 11486
Sau3AI	!GATC	38	585; 609; 746; 1373; 1475; 1802; 2063; 2267; 2331; 3186; 3224; 3909; 4071; 5402; 5667; 6881; 7980; 8213; 8314; 8843; 8869; 9045; 10225; 10229; 10248; 10559; 10637; 10718; 10727; 10805; 11181; 11197; 11556; 11568; 11646; 11654; 11665; 11740
SbfI	CCTGCA!GG	0	
ScaI	AGT!ACT	1	5851
SchI	GAGTCNNNNN!	10	1897; 3711; 4647; 5088; 5959; 6116; 7660; 8618; 9440; 9872
SchI	!NNNNNGACTC	12	404; 598; 946; 1900; 2187; 4301; 6121; 7981; 9033; 9447; 11053; 11930
SciI	CTC!GAG	2	615; 3856
ScrFI	CC!NGG	78	90; 283; 760; 1623; 2032; 2170; 2212; 2278; 2565; 2578; 2635; 2686; 2730; 2968; 3115; 3127; 3148; 3391; 3629; 3682; 3733; 3881; 3973; 4039; 4169; 4253; 4441; 4486; 4525; 4540; 4660; 4715; 4771; 5056; 5093; 5104; 5110; 5173; 5609; 5869; 6019; 6028; 6547; 6568; 6688; 6763; 6913; 7363; 7384; 7495; 7626; 7888; 7903; 7957; 8011; 8050; 8089; 8277; 8283; 8506; 8555; 8650; 8665; 8794; 8903; 9924; 9979; 9996; 10392; 10552; 10775; 11165; 11354; 11457; 11929; 12147; 12160; 12281
SdaI	CCTGCA!GG	0	
SdeAI	CAGRAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	24	1155; 1425; 1485; 1816; 2353; 2941; 3783; 4551; 4746; 5320; 6130; 6205; 6273; 6429; 6789; 7345; 7443; 7929; 8115; 8760; 9966; 10038; 10207; 12149
SdeAI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTYCTG	9	2444; 3188; 4289; 4748; 5903; 7099; 7934; 10543; 11028
SdeOSI	GACNNNNRTGANNNNNNNNNNNNN!	3	279; 2761; 7030
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNTCAYNNNNNGTC	0	
SdeOSI	TCAYNNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	0	
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNGACNNNNRTGA	3	245; 2727; 6996
SduI	GDGCH!C	35	620; 788; 993; 1622; 1973; 2520; 2772; 3484; 3588; 3940; 4539; 4702; 5310; 5435; 5480; 6491; 6504; 7077; 7097; 7350; 7490; 7568; 7716; 8264; 8386; 8413; 8446; 9579; 10334; 10427; 10501; 10691; 10753; 11463; 11996
SelI	!CGCG	17	58; 4045; 8306; 9035; 9310; 9686; 9706; 9730; 9761; 10452; 10753; 11191; 11275; 11338; 11407; 11680; 12261

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SetI	ASST!	215	125; 137; 178; 261; 308; 342; 447; 552; 568; 620; 626; 843; 1040; 1124; 1213; 1277; 1283; 1389; 1427; 1529; 1538; 1544; 1682; 1738; 1814; 2036; 2052; 2103; 2232; 2282; 2298; 2321; 2393; 2420; 2552; 2573; 2594; 2654; 2760; 2789; 2807; 2817; 2827; 2832; 2849; 2880; 2913; 2930; 2984; 2996; 3018; 3085; 3142; 3149; 3209; 3324; 3354; 3414; 3508; 3567; 3593; 3619; 3633; 3701; 3722; 3743; 3783; 3833; 3855; 3869; 3882; 3940; 3956; 3996; 4005; 4017; 4030; 4115; 4205; 4209; 4246; 4268; 4377; 4383; 4442; 4483; 4494; 4544; 4556; 4634; 4646; 4688; 4716; 4751; 4847; 4854; 5010; 5114; 5167; 5237; 5346; 5357; 5493; 5529; 5544; 5618; 5653; 5666; 5702; 5822; 5834; 5944; 6071; 6155; 6168; 6287; 6308; 6354; 6410; 6447; 6491; 6524; 6617; 6716; 6737; 6756; 6833; 6875; 6902; 6923; 6983; 7001; 7104; 7140; 7150; 7311; 7385; 7403; 7436; 7448; 7490; 7568; 7610; 7619; 7686; 7751; 7769; 7875; 7884; 7938; 7950; 7955; 7965; 7973; 8051; 8073; 8186; 8207; 8252; 8345; 8372; 8468; 8518; 8539; 8690; 8696; 8825; 8843; 8855; 8894; 8918; 8962; 8966; 8981; 9024; 9078; 9099; 9108; 9120; 9169; 9336; 9451; 9463; 9506; 9543; 9593; 9616; 9740; 9888; 9983; 10176; 10289; 10417; 10496; 10507; 10579; 10650; 10694; 10954; 11100; 11144; 11475; 11506; 11565; 11608; 11751; 11772; 11871; 12008; 12023; 12042; 12054; 12098; 12144; 12195
SexAI	A!CCWGGT	3	3146; 8048; 9977
SfaAI	GCGAT!CGC	0	
SfaNI	GCATC!NNNN!	13	827; 1643; 3131; 4165; 4685; 4877; 8567; 9204; 9967; 10039; 10687; 10751; 11026
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	20	357; 680; 1643; 2069; 2205; 2274; 3084; 3159; 3225; 3683; 4284; 4902; 5735; 8153; 8720; 8888; 10346; 10601; 10817; 12209
SfcI	C!TRYAG	25	2336; 2554; 2675; 2753; 2912; 2986; 3413; 3440; 3622; 3832; 4076; 4376; 5120; 5753; 5873; 6101; 6347; 6941; 6968; 7595; 7700; 8072; 9723; 11850; 12041
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	2	4513; 10163
SfoI	GGC!GCC	3	7328; 7773; 10389
Sfr274I	C!TCGAG	2	613; 3854
Sfr303I	CCGC!GG	0	
SfuI	TT!CGAA	3	627; 8081; 11070



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SgeI	CNNGNNNNNNNN!	518	6; 36; 71; 97; 123; 223; 236; 252; 290; 307; 336; 373; 407; 426; 491; 548; 579; 604; 625; 646; 723; 737; 751; 771; 834; 867; 888; 915; 954; 969; 984; 1004; 1024; 1039; 1079; 1098; 1111; 1170; 1201; 1216; 1257; 1271; 1306; 1323; 1339; 1353; 1370; 1383; 1419; 1432; 1449; 1495; 1536; 1555; 1569; 1594; 1627; 1669; 1686; 1699; 1728; 1743; 1756; 1774; 1809; 1832; 1869; 1885; 1966; 1984; 2002; 2018; 2032; 2055; 2081; 2098; 2127; 2141; 2156; 2173; 2191; 2218; 2243; 2256; 2275; 2289; 2309; 2331; 2347; 2403; 2417; 2442; 2469; 2482; 2497; 2536; 2552; 2569; 2583; 2646; 2665; 2681; 2697; 2712; 2741; 2755; 2796; 2814; 2842; 2860; 2878; 2913; 2947; 2967; 2980; 3004; 3023; 3038; 3052; 3099; 3126; 3139; 3159; 3174; 3202; 3222; 3241; 3258; 3276; 3295; 3325; 3348; 3381; 3402; 3417; 3463; 3480; 3498; 3528; 3550; 3565; 3583; 3604; 3620; 3633; 3688; 3733; 3750; 3778; 3832; 3847; 3866; 3892; 3919; 3963; 3984; 4004; 4018; 4045; 4058; 4087; 4108; 4129; 4172; 4189; 4207; 4234; 4260; 4278; 4294; 4310; 4323; 4343; 4360; 4394; 4420; 4433; 4447; 4466; 4480; 4497; 4520; 4536; 4551; 4566; 4581; 4603; 4617; 4630; 4647; 4670; 4695; 4716; 4731; 4762; 4782; 4797; 4812; 4830; 4854; 4872; 4896; 4912; 4944; 4962; 4978; 5017; 5035; 5057; 5084; 5104; 5121; 5184; 5217; 5241; 5269; 5283; 5317; 5350; 5367; 5389; 5407; 5422; 5439; 5483; 5496; 5525; 5551; 5564; 5586; 5600; 5620; 5667; 5683; 5706; 5720; 5737; 5754; 5773; 5800; 5813; 5829; 5859; 5880; 5910; 5938; 5970; 5991; 6012; 6030; 6081; 6107; 6132; 6151; 6166; 6190; 6213; 6237; 6259; 6273; 6289; 6307; 6323; 6340; 6354; 6409; 6427; 6442; 6455; 6476; 6492; 6515; 6541; 6558; 6571; 6584; 6599; 6628; 6642; 6656; 6670; 6699; 6730; 6744; 6767; 6790; 6807; 6821; 6840; 6854; 6874; 6918; 6959; 6979; 6996; 7041; 7082; 7117; 7141; 7155; 7168; 7191; 7229; 7246; 7282; 7296; 7311; 7330; 7357; 7374; 7395; 7411; 7441; 7463; 7477; 7506; 7521; 7546; 7581; 7602; 7621; 7637; 7650; 7668; 7690; 7721; 7752; 7771; 7792; 7825; 7844; 7899; 7914; 7938; 7968; 7996; 8022; 8061; 8076; 8100; 8151; 8167; 8191; 8207; 8223; 8244; 8266; 8282; 8295; 8312; 8332; 8352; 8370; 8388; 8418; 8442; 8460; 8475; 8517; 8532; 8556; 8575; 8599; 8612; 8640; 8661; 8676; 8703; 8725; 8758; 8778; 8791; 8805; 8823; 8836; 8853; 8866; 8886; 8907; 8928; 8941; 8979; 9002; 9023; 9048; 9095; 9124; 9166; 9249; 9323; 9407; 9429; 9461; 9498; 9516; 9535; 9550; 9592; 9609; 9626; 9661; 9675; 9692; 9714; 9738; 9762; 9827; 9841; 9879; 9895; 9935; 9948; 9967; 9990; 10007; 10020; 10039; 10069; 10090; 10107; 10130; 10165; 10192; 10223; 10245; 10271; 10293; 10312; 10340; 10376; 10395; 10418; 10432; 10452; 10465; 10479; 10498; 10512; 10531; 10563; 10577; 10590; 10616; 10647; 10660; 10677; 10694; 10708; 10725; 10743; 10758; 10786; 10802; 10821; 10843; 10859; 10882; 10901; 10926; 10945; 10965; 10992; 11016; 11049; 11068; 11096; 11110; 11176; 11200; 11215; 11238; 11259; 11276; 11324; 11351; 11365; 11394; 11418; 11451; 11468; 11488; 11501; 11514; 11572; 11599; 11618; 11648; 11673; 11693; 11707; 11732; 11750; 11787; 11825; 11854; 11882; 11896; 11916; 11931; 11952; 11966; 11985; 12003; 12019; 12059; 12079; 12106; 12124; 12145; 12158; 12171; 12188; 12212; 12235; 12267; 12292; 12319; 12341

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SgeI	!NNNNNNNNNNNNNCNNG	439	10; 45; 71; 97; 197; 226; 264; 281; 310; 347; 381; 400; 465; 522; 553; 578; 599; 620; 697; 718; 737; 808; 841; 862; 889; 928; 958; 978; 998; 1019; 1053; 1072; 1144; 1175; 1231; 1253; 1280; 1297; 1327; 1344; 1363; 1393; 1411; 1429; 1469; 1510; 1529; 1568; 1601; 1643; 1660; 1702; 1730; 1748; 1783; 1806; 1843; 1940; 1958; 1976; 2001; 2018; 2036; 2055; 2072; 2101; 2130; 2147; 2165; 2192; 2217; 2249; 2283; 2305; 2377; 2416; 2443; 2471; 2510; 2536; 2557; 2620; 2639; 2671; 2698; 2715; 2770; 2788; 2816; 2834; 2852; 2887; 2921; 2941; 2978; 2997; 3026; 3073; 3100; 3119; 3148; 3176; 3196; 3215; 3232; 3250; 3269; 3299; 3322; 3355; 3376; 3395; 3437; 3454; 3472; 3502; 3524; 3548; 3567; 3594; 3614; 3662; 3707; 3724; 3752; 3806; 3840; 3866; 3893; 3937; 3958; 3978; 4002; 4019; 4061; 4082; 4103; 4146; 4163; 4181; 4208; 4234; 4252; 4284; 4306; 4323; 4368; 4394; 4421; 4440; 4471; 4494; 4511; 4540; 4563; 4591; 4621; 4644; 4669; 4690; 4736; 4756; 4786; 4804; 4828; 4846; 4870; 4918; 4936; 4964; 4991; 5009; 5031; 5058; 5078; 5095; 5158; 5191; 5215; 5243; 5264; 5291; 5324; 5341; 5363; 5381; 5413; 5457; 5478; 5499; 5525; 5560; 5578; 5595; 5641; 5666; 5687; 5711; 5728; 5747; 5774; 5803; 5833; 5854; 5884; 5912; 5944; 5965; 5986; 6004; 6055; 6081; 6106; 6125; 6164; 6187; 6211; 6233; 6258; 6281; 6314; 6332; 6383; 6401; 6424; 6450; 6489; 6515; 6532; 6553; 6573; 6602; 6630; 6673; 6704; 6725; 6748; 6772; 6795; 6814; 6833; 6857; 6892; 6933; 6953; 6970; 7015; 7056; 7091; 7115; 7142; 7165; 7203; 7220; 7256; 7277; 7304; 7331; 7348; 7369; 7387; 7415; 7437; 7458; 7480; 7520; 7555; 7576; 7595; 7612; 7642; 7664; 7695; 7726; 7745; 7766; 7799; 7818; 7873; 7912; 7942; 7970; 7996; 8035; 8074; 8125; 8165; 8192; 8218; 8240; 8262; 8280; 8298; 8317; 8344; 8362; 8392; 8416; 8434; 8458; 8491; 8530; 8549; 8573; 8614; 8635; 8677; 8699; 8732; 8752; 8779; 8797; 8818; 8840; 8860; 8881; 8902; 8926; 8953; 8976; 8997; 9022; 9069; 9098; 9140; 9223; 9297; 9381; 9403; 9435; 9472; 9490; 9509; 9566; 9583; 9600; 9635; 9653; 9673; 9693; 9712; 9736; 9801; 9853; 9909; 9941; 9964; 9981; 10013; 10043; 10064; 10081; 10104; 10139; 10166; 10197; 10219; 10245; 10267; 10286; 10314; 10350; 10369; 10392; 10413; 10431; 10448; 10472; 10505; 10537; 10564; 10590; 10621; 10651; 10668; 10694; 10717; 10738; 10760; 10780; 10800; 10817; 10856; 10875; 10900; 10919; 10939; 10966; 10990; 11023; 11042; 11070; 11092; 11150; 11174; 11193; 11212; 11233; 11250; 11298; 11325; 11345; 11368; 11392; 11425; 11442; 11462; 11488; 11546; 11573; 11592; 11622; 11647; 11667; 11706; 11724; 11761; 11799; 11828; 11856; 11877; 11905; 11926; 11959; 11977; 12033; 12053; 12080; 12098; 12119; 12145; 12162; 12186; 12209; 12241; 12266; 12293; 12315; 12344
SgfI	GCGAT!CGC	0	
SgrAI	CR!CCGGYG	0	
SgrBI	CCGC!GG	0	
SgrDI	CG!TCGACC	0	
SgsI	GG!CGCGCC	0	
SimI	GG!GTC	7	27; 8273; 8279; 8291; 9535; 11322; 12115
SimI	!GACCC	24	106; 804; 898; 1070; 1088; 1263; 2622; 2738; 4173; 4217; 4614; 4992; 5517; 5894; 6077; 6174; 6858; 6963; 7409; 7530; 7539; 10816; 11384; 11632
SinI	G!GWCC	25	1070; 1164; 1384; 1860; 2017; 2688; 3678; 3778; 4173; 4437; 4530; 4845; 5661; 5928; 6163; 6735; 7395; 7530; 7539; 8273; 8279; 8291; 8919; 10904; 11349
SlaI	C!TCGAG	2	613; 3854
SmaI	CCC!GGG	1	4660
SmiI	ATTT!AAAT	0	
SmiMI	CAYNN!NNRTG	12	365; 970; 2832; 4567; 4693; 5743; 5755; 6628; 7171; 8332; 8362; 10825
SmlI	C!TYRAG	19	613; 619; 1555; 1840; 2692; 3854; 3868; 4633; 5723; 6982; 7027; 7757; 8854; 8893; 9270; 10779; 11661; 11938; 12200
SmoI	C!TYRAG	19	613; 619; 1555; 1840; 2692; 3854; 3868; 4633; 5723; 6982; 7027; 7757; 8854; 8893; 9270; 10779; 11661; 11938; 12200
SmuI	CCC GCNNNN!	15	93; 119; 286; 2532; 3127; 5915; 6511; 6817; 8787; 8889; 9710; 10065; 10086; 11282; 11414
SmuI	!NNNNNNGCGGG	11	3471; 4040; 5651; 6939; 7457; 8824; 9641; 10511; 11048; 11186; 11333
SnaBI	TAC!GTA	1	340

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SpeI	A!CTAGT	0	
SphI	GCATG!C	6	2046; 2151; 3400; 9958; 10030; 10793
SrfI	GCCC!GGGC	1	4660
Sse9I	!AATT	22	18; 629; 694; 995; 1351; 1494; 1514; 2025; 2603; 3671; 5060; 5765; 7221; 9138; 9202; 9280; 9306; 9317; 9964; 10036; 10128; 11546
Sse8387I	CCTGCA!GG	0	
Sse8647I	AG!GWCCT	4	4437; 4845; 6163; 6735
SseBI	AGG!CCT	6	1345; 3472; 4603; 6571; 8758; 10209
SsiI	C!CGC	56	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 729; 2525; 2681; 3120; 3242; 3275; 4233; 4397; 4595; 4961; 5180; 5684; 5785; 5908; 6504; 6782; 6810; 7577; 7583; 7826; 8306; 8642; 8780; 8882; 9035; 9703; 9706; 9720; 9810; 10058; 10070; 10079; 10091; 10101; 10112; 10158; 10297; 10360; 10862; 10907; 10973; 10999; 11124; 11127; 11275; 11407; 11714; 11858; 12354
SsiI	G!CGG	47	370; 403; 528; 744; 1173; 1221; 2447; 3259; 3478; 3649; 3931; 4047; 4651; 5638; 5658; 6116; 6946; 7114; 7279; 7464; 7645; 7846; 8059; 8477; 8789; 8831; 9031; 9648; 9675; 9763; 9873; 10454; 10518; 10619; 10622; 10902; 10957; 11055; 11193; 11340; 11480; 11723; 11968; 12089; 12108; 12235; 12263
SspI	AAT!ATT	2	9296; 9849
SspDI	G!GCGCC	3	7326; 7771; 10387
SspD5I	GGTGANNNNNNNN!	18	376; 693; 942; 1692; 2424; 3103; 3945; 4864; 6184; 6225; 6928; 7011; 8121; 8346; 8715; 9025; 11459; 11575
SspD5I	!NNNNNNNNNTCACC	14	995; 1691; 2057; 2363; 2818; 2954; 3050; 4682; 5855; 6425; 8308; 8603; 9504; 10565
SstI	GAGCT!C	5	620; 3940; 6491; 7490; 7568
SstII	CCGC!GG	0	
SstE37I	CGAAGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	6881; 8108; 8648
SstE37I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCTTCG	0	
Sth132I	CCCGNNNN!	36	92; 118; 285; 999; 1266; 1554; 2412; 2531; 3126; 4428; 4525; 4665; 5052; 5520; 5715; 5914; 6510; 6816; 7839; 8319; 8570; 8786; 8888; 8909; 9587; 9709; 10064; 10085; 10398; 10801; 10940; 11011; 11281; 11413; 11643; 12081
Sth132I	!NNNNNNNNCCGGG	40	15; 407; 470; 2556; 2721; 3470; 3997; 4039; 4328; 4438; 4651; 5485; 5650; 5794; 6679; 6938; 7063; 7261; 7282; 7354; 7456; 8268; 8546; 8619; 8823; 9588; 9640; 9741; 10468; 10510; 10543; 11047; 11156; 11185; 11332; 11436; 11467; 11920; 11964; 12172
Sth302II	CC!GG	35	602; 2458; 2565; 2730; 3012; 3027; 4455; 4509; 4660; 4901; 6688; 7363; 8218; 8277; 8283; 8295; 8321; 8555; 8904; 9607; 10294; 10371; 10393; 10421; 10552; 10642; 10709; 10890; 11165; 11173; 11265; 11739; 11929; 11955; 12102
StrI	C!TCGAG	2	613; 3854
StsI	GGATGNNNNNNNNNN!	17	928; 962; 1676; 1778; 2195; 2228; 2264; 2453; 2651; 4022; 6974; 7661; 7808; 10256; 10713; 10738; 11192
StsI	!NNNNNNNNNNNNNNCATCC	11	1293; 1821; 3039; 3108; 5466; 7152; 7476; 8399; 8487; 8544; 10060
StuI	AGG!CCT	6	1345; 3472; 4603; 6571; 8758; 10209
StyI	C!CWWGG	34	360; 641; 710; 875; 1167; 1442; 1523; 1673; 2801; 3086; 3263; 3467; 3720; 4841; 4848; 4931; 5228; 5426; 5978; 6209; 6224; 6414; 6437; 6731; 6846; 6905; 6995; 7178; 7637; 8330; 10117; 10210; 10820; 11225
StyD4I	!CCNGG	78	88; 281; 758; 1621; 2030; 2168; 2210; 2276; 2563; 2576; 2633; 2684; 2728; 2966; 3113; 3125; 3146; 3389; 3627; 3680; 3731; 3879; 3971; 4037; 4167; 4251; 4439; 4484; 4523; 4538; 4658; 4713; 4769; 5054; 5091; 5102; 5108; 5171; 5607; 5867; 6017; 6026; 6545; 6566; 6686; 6761; 6911; 7361; 7382; 7493; 7624; 7886; 7901; 7955; 8009; 8048; 8087; 8275; 8281; 8504; 8553; 8648; 8663; 8792; 8901; 9922; 9977; 9994; 10390; 10550; 10773; 11163; 11352; 11455; 11927; 12145; 12158; 12279
SwaI	ATTT!AAAT	0	
TaaI	ACN!GT	32	76; 198; 269; 543; 581; 930; 963; 1567; 1932; 3063; 3289; 4758; 4825; 5039; 5222; 5245; 5305; 5559; 6243; 6658; 7035; 7548; 8103; 8388; 9479; 10768; 10884; 10992; 11315; 11806; 12276; 12347
TaiI	ACGT!	28	125; 137; 178; 261; 342; 447; 1213; 1538; 2573; 2996; 4115; 4268; 5529; 5944; 6902; 7104; 7403; 8690; 8918; 8966; 9451; 9463; 9506; 9616; 10507; 10694; 11475; 11608

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
TaqI	T!CGA	25	614; 627; 1032; 2852; 2934; 3855; 6617; 7230; 7589; 8081; 8253; 8471; 8498; 8966; 9537; 10228; 10501; 10657; 10681; 10717; 10879; 11070; 11115; 11370; 12208
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	4	4547; 9408; 10425; 11093
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	11337
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	7	2980; 4181; 4717; 5755; 6031; 7331; 8461
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	8	172; 3079; 5869; 6160; 6904; 7515; 10292; 10884
TasI	!AATT	22	18; 629; 694; 995; 1351; 1494; 1514; 2025; 2603; 3671; 5060; 5765; 7221; 9138; 9202; 9280; 9306; 9317; 9964; 10036; 10128; 11546
TatI	W!GTACW	15	217; 297; 330; 381; 881; 1269; 1779; 1946; 3810; 5217; 5245; 5849; 6399; 8228; 8372
TauI	GCSG!C	37	731; 2450; 2683; 3262; 3277; 3652; 4399; 4597; 4654; 4963; 5641; 5686; 5787; 6119; 6784; 7579; 7585; 7849; 8062; 8480; 8792; 9037; 9708; 9722; 10160; 10299; 10362; 10457; 10622; 10625; 10864; 10960; 11001; 11129; 11483; 12111; 12266
TfiI	G!AWTC	18	735; 1255; 1683; 2254; 2725; 3528; 3793; 4776; 5566; 5717; 6555; 8459; 8936; 10873; 11007; 11117; 11154; 12332
TliI	C!TCGAG	2	613; 3854
TruII	T!TAA	23	7; 1841; 2138; 3869; 4387; 6653; 6700; 8348; 8573; 9089; 9150; 9271; 9292; 9303; 9315; 9326; 9343; 9441; 9712; 11531; 11545; 11550; 11602
Tru9I	T!TAA	23	7; 1841; 2138; 3869; 4387; 6653; 6700; 8348; 8573; 9089; 9150; 9271; 9292; 9303; 9315; 9326; 9343; 9441; 9712; 11531; 11545; 11550; 11602
TscAI	CASTGNN!	45	1031; 1184; 1372; 1916; 2076; 2133; 2307; 2363; 2520; 2589; 2625; 2669; 3051; 3072; 3294; 3668; 3712; 3732; 3753; 3806; 4085; 4220; 4670; 4830; 5205; 5317; 5762; 5882; 6102; 6246; 6318; 6460; 6471; 6594; 6977; 7040; 7721; 7796; 7810; 8033; 9234; 10517; 11627; 11898; 11911
TseI	G!CWGC	123	1215; 1218; 1720; 1941; 2058; 2164; 2218; 2425; 2473; 2553; 2560; 2598; 2649; 2674; 2677; 2752; 2755; 2908; 2928; 2947; 2950; 2982; 2985; 2988; 3217; 3271; 3300; 3303; 3319; 3352; 3384; 3400; 3412; 3415; 3439; 3442; 3454; 3604; 3624; 3646; 3696; 3741; 3751; 3847; 3850; 3954; 4000; 4042; 4057; 4130; 4244; 4375; 4378; 4648; 4654; 4746; 4957; 4969; 5122; 5320; 5422; 5613; 5651; 5697; 5797; 5872; 5884; 5910; 6007; 6091; 6100; 6349; 6358; 6419; 6538; 6583; 6751; 6838; 6940; 6943; 6978; 7213; 7306; 7404; 7440; 7443; 7498; 7579; 7594; 7597; 7614; 7684; 7699; 7702; 7726; 7735; 7828; 7843; 7870; 7879; 7936; 8014; 8071; 8074; 8149; 8220; 8223; 8528; 8672; 8970; 9164; 9683; 10348; 10449; 10491; 10532; 10625; 11012; 11465; 11691; 11897; 11900; 11965
TsoI	TARCCANNNNNNNNNNN!	7	651; 5151; 6273; 6918; 7915; 9360; 9707
TsoI	!NNNNNNNNNTGGYTA	7	813; 1757; 1811; 7367; 8497; 9165; 10917
Tsp45I	!GTSAC	23	963; 2370; 2614; 2961; 3063; 4028; 4215; 4315; 4665; 4729; 6172; 6237; 6313; 6432; 6916; 7005; 7014; 7479; 8610; 8806; 9677; 10508; 10814
Tsp509I	!AATT	22	18; 629; 694; 995; 1351; 1494; 1514; 2025; 2603; 3671; 5060; 5765; 7221; 9138; 9202; 9280; 9306; 9317; 9964; 10036; 10128; 11546
TspDTI	ATGAANNNNNNNNNNN!	15	1118; 1409; 1612; 1898; 2267; 2456; 4385; 6173; 6383; 7525; 8014; 8380; 9146; 10447; 11151
TspDTI	!NNNNNNNNNTTCAT	7	26; 7155; 8508; 8529; 10865; 11321; 11528
TspEI	!AATT	22	18; 629; 694; 995; 1351; 1494; 1514; 2025; 2603; 3671; 5060; 5765; 7221; 9138; 9202; 9280; 9306; 9317; 9964; 10036; 10128; 11546
TspGWI	ACGGANNNNNNNNNNN!	5	927; 2410; 4684; 4966; 11263
TspGWI	!NNNNNNNNNTCCGT	2	3521; 6783
TspMI	C!CCGGG	1	4658
TspRI	CASTGNN!	45	1031; 1184; 1372; 1916; 2076; 2133; 2307; 2363; 2520; 2589; 2625; 2669; 3051; 3072; 3294; 3668; 3712; 3732; 3753; 3806; 4085; 4220; 4670; 4830; 5205; 5317; 5762; 5882; 6102; 6246; 6318; 6460; 6471; 6594; 6977; 7040; 7721; 7796; 7810; 8033; 9234; 10517; 11627; 11898; 11911
TstI	CACNNNNNTCCNNNNNNNNNNNN!	1	5850
TstI	!NNNNNNNGGANNNNNNGTG	1	5816
TstI	GGANNNNNNGTGNNNNNNNNNNNNN!	1	5848
TstI	!NNNNNNNCCACNNNNNTCC	1	5818
Tth111I	GACN!NNGTC	3	3148; 4825; 10506

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	13	2486; 2921; 3421; 4347; 4593; 5155; 5604; 6016; 6282; 6406; 7942; 8560; 11715
Tth111II	!NNNNNNNNNTGYTTG	6	4084; 4806; 5643; 10823; 11683; 11722
UnbI	!GGNCC	61	82; 275; 755; 765; 1069; 1163; 1383; 1544; 1859; 2016; 2458; 2480; 2573; 2687; 2708; 2969; 2999; 3018; 3116; 3128; 3480; 3677; 3777; 4172; 4436; 4447; 4514; 4529; 4844; 5105; 5660; 5843; 5927; 6162; 6288; 6410; 6734; 6908; 7073; 7394; 7529; 7538; 7627; 7814; 7889; 8035; 8060; 8272; 8278; 8290; 8478; 8721; 8813; 8834; 8918; 9494; 10903; 11348; 11394; 11452; 11485
Van9II	CCANNNN!NTGG	5	1251; 2231; 2790; 6534; 8928
Vha464I	C!TTAAG	3	1840; 3868; 9270
VneI	G!TGCAC	4	4698; 7712; 8409; 11992
VpaK11AI	!GGWCC	25	1069; 1163; 1383; 1859; 2016; 2687; 3677; 3777; 4172; 4436; 4529; 4844; 5660; 5927; 6162; 6734; 7394; 7529; 7538; 8272; 8278; 8290; 8918; 10903; 11348
VpaK11BI	G!GWCC	25	1070; 1164; 1384; 1860; 2017; 2688; 3678; 3778; 4173; 4437; 4530; 4845; 5661; 5928; 6163; 6735; 7395; 7530; 7539; 8273; 8279; 8291; 8919; 10904; 11349
Vspl	AT!TAAT	1	7
XagI	CCTNN!NNNAGG	8	1441; 1585; 2434; 2554; 4852; 5668; 6031; 8053
XapI	R!AATTY	7	629; 1351; 2025; 5765; 9202; 9306; 9317
XbaI	T!CTAGA	3	3199; 3819; 9042
XceI	RCATG!Y	16	858; 975; 2046; 2097; 2151; 3400; 3454; 3776; 4803; 7287; 8361; 8807; 9958; 10030; 10793; 12310
XcmI	CCANNNNN!NNNNTGG	8	1378; 2784; 3144; 3246; 4113; 4711; 7380; 7713
XhoI	C!TCGAG	2	613; 3854
XhoII	R!GATCY	19	585; 609; 746; 1373; 1475; 2267; 2331; 3224; 3909; 4071; 8213; 8869; 10559; 10805; 11197; 11556; 11568; 11654; 11665
XmaI	C!CCGGG	1	4658
XmaJI	C!CTAGG	5	3720; 4848; 6846; 10210; 11225
XmiI	GT!MKAC	4	1891; 6473; 7230; 8909
XmnI	GAANN!NNTTC	2	1432; 2507
XspI	C!TAG	32	592; 634; 826; 1582; 2653; 2848; 3200; 3581; 3721; 3820; 4033; 4750; 4849; 4978; 5183; 5278; 5539; 5665; 6154; 6286; 6739; 6847; 7078; 7678; 7898; 9043; 9237; 9655; 10211; 11226; 11560; 11813
ZraI	GAC!GTC	4	123; 176; 259; 445
ZrmI	AGT!ACT	1	5851
Zsp2I	ATGCA!T	3	9960; 10032; 12363