

pTagRFP-integrin vector

Table of restriction sites

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AanI	TTA!TAA	3	3500; 4686; 4891
AarI	CACCTGCNNNN!	0	
AarI	!NNNNNNNNGCAGGTG	0	
AasI	GACNNNN!NNGTC	3	4974; 5930; 7719
AatI	AGG!CCT	1	5724
AatII	GACGT!C	4	125; 178; 261; 447
AbsI	CC!TCGAGG	0	
AccI	GT!MKAC	4	596; 2463; 3791; 4418
AccII	CG!CG	20	60; 627; 653; 698; 790; 3802; 4552; 4827; 5203; 5223; 5247; 5278; 5969; 6270; 6708; 6792; 6855; 6924; 7197; 7778
AccIII	T!CCGGA	0	
Acc16I	TGC!GCA	1	6005
Acc36I	ACCTGCNNNN!	3	2089; 6171; 6621
Acc36I	!NNNNNNNNGCAGGT	4	855; 1632; 2240; 5790
Acc65I	G!GTACC	2	601; 3796
AccB1I	G!GYRCC	10	465; 601; 899; 2611; 3796; 3892; 3952; 5056; 5902; 5937
AccB7I	CCANNNN!NTGG	3	1635; 1912; 4437
AccBSI	CCG!CTC	2	5327; 6516
AccBSI	GAG!CGG	4	3258; 4546; 5163; 6570
AceIII	CAGCTCNNNNNNN!	2	2111; 4859
AceIII	!NNNNNNNNNNGAGCTG	3	552; 3031; 3838
AciI	C!CGC	42	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 622; 625; 651; 661; 696; 894; 3800; 4151; 4289; 4391; 4550; 5218; 5221; 5235; 5325; 5573; 5585; 5594; 5606; 5616; 5627; 5673; 5812; 5875; 6377; 6422; 6488; 6514; 6639; 6642; 6790; 6922; 7229; 7373; 7869
AciI	G!CGG	33	370; 403; 528; 627; 653; 2328; 3258; 3279; 3802; 3986; 4298; 4340; 4546; 5163; 5190; 5278; 5388; 5969; 6033; 6134; 6137; 6417; 6472; 6570; 6708; 6855; 6995; 7238; 7483; 7604; 7623; 7750; 7778
AclI	AA!CGTT	0	
AclWI	GGATCNNNN!	12	1265; 1613; 3290; 3768; 3819; 5771; 6082; 6328; 6720; 7079; 7177; 7263
AclWI	!NNNNNGATCC	8	580; 946; 3806; 4373; 6147; 6691; 7078; 7175
AcoI	Y!GGCCR	7	3685; 4496; 4547; 5809; 5983; 6374; 6401
AcsI	R!AATY	9	913; 961; 1013; 2341; 2836; 3780; 4717; 4821; 4832
AcuI	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNN!	5	3026; 3481; 4348; 6049; 6481
AcuI	!NNNNNNNNNNNNNCTCAG	4	1652; 3076; 3155; 7279
AcvI	CAC!GTG	0	
AcyI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 4415; 5903; 6605; 6684
AdeI	CACNNN!GTG	2	4488; 5019
AfaI	GT!AC	19	219; 244; 299; 332; 383; 540; 603; 733; 1036; 1208; 2050; 2159; 3394; 3658; 3798; 3883; 4033; 4285; 6209
AfeI	AGC!GCT	0	
AfiI	CCNNNNN!NNGG	28	49; 714; 845; 977; 1635; 1795; 1912; 2763; 3949; 4062; 4228; 4294; 4437; 4915; 5241; 5633; 5884; 6428; 6709; 6741; 6873; 6908; 6958; 6990; 7343; 7622; 7788; 7806
AfiiI	C!TTAAG	1	4785
AfiiiI	A!CRYGT	2	1481; 7821
AgeI	A!CCGGT	1	3819
AgsI	TTS!AA	20	705; 913; 1093; 1395; 1767; 1830; 1851; 1876; 1922; 2044; 2285; 3342; 3721; 3915; 4365; 5314; 5358; 5368; 5781; 7357
AhdI	GACNNN!NNGTC	0	
AhlI	A!CTAGT	0	
AjiI	CAC!GTC	0	
AjiI	GAC!GTG	1	714

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AjnI	!CCWGG	24	88; 281; 843; 1221; 1754; 2091; 2164; 2180; 2732; 3556; 4013; 4061; 4157; 4172; 4301; 5437; 5492; 5509; 6288; 6867; 6970; 7660; 7673; 7794
AjuI	GAANNNNNNNTTGGNNNNNNNNNN!	1	3031
AjuI	!NNNNNNCCAANNNNNNNTTC	0	
AjuI	CCAANNNNNNNTTCNNNNNNNNNN!	0	
AjuI	!NNNNNNNGAANNNNNNNTTGG	1	2999
AleI	CACNN!NNGTG	1	3832
AlfI	GCANNNNNTGCGNNNNNNNNNN!	5	1535; 1904; 3097; 5477; 5549
AlfI	!NNNNNNNNNGCANNNNNTGCG	5	1501; 1870; 3063; 5443; 5515
AloI	GAACNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	3	1503; 4239; 4985
AloI	!NNNNNNNGGANNNNNNGTTC	0	
AloI	GGANNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	0	
AloI	!NNNNNNNGAACNNNNNTCC	3	1471; 4207; 4953
AluI	AG!CT	41	566; 820; 1198; 1229; 1248; 1345; 1361; 1543; 1666; 1692; 1735; 1910; 1978; 1996; 2101; 2404; 2517; 2623; 2628; 2785; 2858; 2920; 3045; 3717; 3769; 3775; 3852; 3879; 4025; 4332; 4682; 4849; 5106; 5401; 5689; 6009; 6467; 7264; 7521; 7567; 7657
AluBI	AG!CT	41	566; 820; 1198; 1229; 1248; 1345; 1361; 1543; 1666; 1692; 1735; 1910; 1978; 1996; 2101; 2404; 2517; 2623; 2628; 2785; 2858; 2920; 3045; 3717; 3769; 3775; 3852; 3879; 4025; 4332; 4682; 4849; 5106; 5401; 5689; 6009; 6467; 7264; 7521; 7567; 7657
AlwI	GGATCNNNN!	12	1265; 1613; 3290; 3768; 3819; 5771; 6082; 6328; 6720; 7079; 7177; 7263
AlwI	!NNNNNGATCC	8	580; 946; 3806; 4373; 6147; 6691; 7078; 7175
Alw21I	GWGCW!C	11	822; 1593; 2235; 2630; 2807; 2987; 3771; 3922; 6016; 6206; 7511
Alw26I	GTCTCN!	4	434; 1650; 1658; 2946
Alw26I	!NNNNNGAGAC	9	1667; 2342; 2995; 3412; 4459; 5327; 5745; 6764; 6892
Alw44I	G!TGCAC	3	2803; 3918; 7507
AlwNI	CAGNN!CTG	4	2407; 4505; 7004; 7412
Ama87I	C!YCGRG	5	672; 742; 2943; 3764; 3807
Aor13HI	T!CCGGA	0	
Aor51HI	AGC!GCT	0	
ApaI	GGGCC!C	1	3808
ApaBI	GCANNNN!TGC	4	1784; 5471; 5543; 7005
ApaLI	G!TGCAC	3	2803; 3918; 7507
ApeKI	G!CWGC	25	636; 1438; 1519; 1543; 1783; 1888; 2404; 2920; 3714; 4037; 4181; 4479; 4679; 5198; 5863; 5964; 6006; 6047; 6140; 6527; 6980; 7206; 7412; 7415; 7480
ApoI	R!AATTY	9	913; 961; 1013; 2341; 2836; 3780; 4717; 4821; 4832
ApyPI	ATCGACNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6418
ApyPI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGAT	3	6212; 6865; 7703
AquII	GCCGNACNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6302
AquII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCGGC	2	3663; 4013
AquIII	GAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	2961; 5731
AquIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTC	0	
AquIV	GRGGAAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
AquIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTCCYC	1	6473
ArsI	GACNNNNNTTYGNNNNNNNNNN!	1	1177
ArsI	!NNNNNCRANNNNNNNGTC	0	
ArsI	CRAANNNNNGTCNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNNGACNNNNNTTYG	1	1145
AscI	GG!CGGCC	0	
AseI	AT!TAAT	2	7; 1556
Asi256I	G!ATC	38	586; 952; 1130; 1258; 1606; 1747; 1838; 1990; 2539; 2550; 2905; 2953; 3183; 3204; 3283; 3600; 3761; 3812; 4203; 4353; 4379; 4561; 5741; 5745; 5764; 6075; 6153; 6234; 6243; 6321; 6697; 6713; 7072; 7084; 7162; 7170; 7181; 7256
AsiGI	A!CCGGT	1	3819
AsiSI	GCGAT!CGC	0	
AspI	GACN!NNGTC	2	2500; 6021
Asp700I	GAANN!NNTTC	0	
Asp718I	G!GTACC	2	601; 3796
AspA2I	C!CTAGG	2	5725; 6740

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AspEI	GACNNN!NNGTC	0	
AspLEI	GCG!C	24	641; 700; 790; 3576; 5169; 5177; 5203; 5225; 5234; 5247; 5278; 5897; 5905; 5969; 6006; 6272; 6532; 6708; 6794; 7197; 7306; 7480; 7580; 7647
AspS9I	G!GNCC	26	83; 276; 646; 739; 867; 1219; 1752; 2009; 2252; 3019; 3058; 3154; 3261; 3681; 3805; 3988; 4231; 4323; 4344; 4428; 5010; 6419; 6864; 6910; 6968; 7001
AssI	AGT!ACT	3	733; 1208; 2159
AsuII	TT!CGAA	2	3778; 6585
AsuC2I	CC!SGG	10	798; 3246; 3758; 3808; 3809; 4412; 5907; 6067; 6680; 7444
AsuHPI	GGTGANNNNNNNN!	10	376; 1411; 1810; 2503; 3265; 3609; 3748; 4224; 6974; 7090
AsuHPI	!NNNNNNNTCACC	5	3516; 3546; 4113; 5020; 6081
AsuNHI	G!CTAGC	0	
AvaI	C!YCGRG	5	672; 742; 2943; 3764; 3807
AvaII	G!GWCC	12	646; 867; 1219; 1752; 2252; 3058; 3154; 3261; 3681; 4428; 6419; 6864
AviII	TGC!GCA	1	6005
AvrII	C!CTAGG	2	5725; 6740
AxyI	CC!TNAGG	3	4097; 5383; 7015
BaeI	ACNNNGTAYCNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNGRTACNNNGT	1	2816
BaeI	GRTACNNNGTNNNNNNNNNNNN!	1	2849
BaeI	!NNNNNNNNNACNNNGTAYC	0	
BaeGI	GKGC!C	11	785; 1029; 2807; 3808; 3895; 3922; 3955; 4532; 5849; 5942; 7511
BalI	TGG!CCA	2	4498; 5985
BamHI	G!GATCC	1	3811
BanI	G!GYRCC	10	465; 601; 899; 2611; 3796; 3892; 3952; 5056; 5902; 5937
BanII	GRGCY!C	7	822; 2630; 3771; 3808; 5094; 6268; 6978
BanIII	AT!CGAT	1	5743
BarI	GAAGNNNNNTACNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGTANNNNNCTTC	0	
BarI	GTANNNNNCTTCNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGAAGNNNNNTAC	0	
BasI	CCANNN!NTGG	3	1635; 1912; 4437
BauI	C!ACGAG	3	4483; 6621; 7648
BauI	C!TCGTG	3	811; 4333; 6495
BbeI	GGCG!C	1	5906
Bbr7I	GAAGACNNNNNN!	2	2506; 4144
Bbr7I	!NNNNNNNNNNNGTCTTC	3	780; 873; 2777
BbrPI	CAC!GTG	0	
BbsI	GAAGACNN!	2	2501; 4139
BbsI	!NNNNNGTCTTC	3	785; 878; 2782
BbuI	GCATG!C	4	1902; 5473; 5545; 6308
BbvI	GCAGNNNNNNNN!	10	1450; 3726; 4049; 4491; 4691; 5976; 6018; 6539; 6992; 7492
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	14	623; 1506; 1530; 1770; 1875; 2391; 2907; 4168; 5185; 5850; 6034; 6127; 7193; 7399
Bbv12I	GWGCW!C	11	822; 1593; 2235; 2630; 2807; 2987; 3771; 3922; 6016; 6206; 7511
BbvCI	CC!TCAGC	0	
BbvCI	GC!TGAGG	0	
BccI	CCATCNNNN!	9	980; 1869; 3095; 3272; 4230; 5033; 5597; 6123; 6625
BccI	!NNNNNGATGG	15	606; 1090; 1144; 1396; 1465; 1509; 1612; 1753; 2140; 2814; 3145; 3657; 5001; 5781; 6209
BceAI	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	649; 4050; 4194; 4245; 4311; 6329; 6816
BceAI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	751; 5044; 5862; 7321
Bcefl	ACGGCNNNNNNNNNN!	7	649; 4050; 4194; 4245; 4311; 6329; 6816
Bcefl	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	752; 5045; 5863; 7322
BcgI	CGANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNGCANNNNNNTCG	0	
BcgI	GCANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNCGANNNNNNTGC	0	
BciVI	GTATCCNNNNNN!	3	5332; 6122; 7623
BciVI	!NNNNNGGATAC	1	2817
BclI	T!GATCA	3	2538; 2952; 3599
BcnI	CC!SGG	10	798; 3246; 3758; 3808; 3809; 4412; 5907; 6067; 6680; 7444

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BcuI	A!CTAGT	0	
BdaI	TGANNNNNNNTCANNNNNNNNNNNN!	1	7756
BdaI	!NNNNNNNNNNNTGANNNNNNNTCA	1	7722
BfaI	C!TAG	12	592; 709; 2054; 3616; 4517; 4558; 4752; 5170; 5726; 6741; 7075; 7328
BfiI	ACTGGGNNNNN!	3	2988; 4534; 5852
BfiI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2878; 5604
BfmI	C!TRYAG	10	1538; 1657; 2244; 2528; 2647; 2921; 3785; 5238; 7365; 7556
BfoI	RGCGC!Y	5	3577; 5170; 5178; 5906; 7581
BfrI	C!TTAAG	1	4785
BfuI	GTATCCNNNNN!	3	5332; 6122; 7623
BfuI	!NNNNNGGATAC	1	2817
BfuAI	ACCTGCNNNN!	3	2089; 6171; 6621
BfuAI	!NNNNNNNNNGCAGGT	4	855; 1632; 2240; 5790
BfuCI	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
BglI	GCCNNNN!NGGC	5	90; 212; 283; 4307; 5678
BglII	A!GATCT	3	1746; 2549; 3203
BisI	GC!NGC	46	625; 628; 637; 654; 696; 1439; 1520; 1544; 1784; 1889; 2405; 2921; 3715; 3987; 4038; 4182; 4299; 4480; 4550; 4680; 5199; 5221; 5235; 5673; 5812; 5864; 5875; 5965; 5970; 6007; 6048; 6135; 6141; 6377; 6473; 6514; 6528; 6642; 6981; 6996; 7207; 7413; 7416; 7481; 7624; 7779
BlnI	C!CTAGG	2	5725; 6740
BlpI	GC!TNAGC	1	2624
BlsI	GCN!GC	46	626; 629; 638; 655; 697; 1440; 1521; 1545; 1785; 1890; 2406; 2922; 3716; 3988; 4039; 4183; 4300; 4481; 4551; 4681; 5200; 5222; 5236; 5674; 5813; 5865; 5876; 5966; 5971; 6008; 6049; 6136; 6142; 6378; 6474; 6515; 6529; 6643; 6982; 6997; 7208; 7414; 7417; 7482; 7625; 7780
BmcAI	AGT!ACT	3	733; 1208; 2159
Bme18I	G!GWCC	12	646; 867; 1219; 1752; 2252; 3058; 3154; 3261; 3681; 4428; 6419; 6864
Bme1390I	CC!NGG	34	90; 283; 798; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3246; 3558; 3758; 3808; 3809; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 4412; 5439; 5494; 5511; 5907; 6067; 6290; 6680; 6869; 6972; 7444; 7662; 7675; 7796
BmeRI	GACNNN!NNGTC	0	
BmeT110I	C!YCGRG	5	672; 742; 2943; 3764; 3807
BmgBI	CAC!GTC	0	
BmgBI	GAC!GTG	1	714
BmgT120I	GG!NCC	26	84; 277; 647; 740; 868; 1220; 1753; 2010; 2253; 3020; 3059; 3155; 3262; 3682; 3806; 3989; 4232; 4324; 4345; 4429; 5011; 6420; 6865; 6911; 6969; 7002
BmiI	GGN!NCC	29	467; 603; 648; 741; 901; 1932; 2254; 2613; 3262; 3682; 3798; 3806; 3813; 3894; 3954; 4345; 5058; 5079; 5091; 5282; 5443; 5515; 5904; 5939; 6787; 6866; 6911; 7754; 7793
BmrI	ACTGGGNNNNN!	3	2988; 4534; 5852
BmrI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2878; 5604
BmrFI	CC!NGG	34	90; 283; 798; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3246; 3558; 3758; 3808; 3809; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 4412; 5439; 5494; 5511; 5907; 6067; 6290; 6680; 6869; 6972; 7444; 7662; 7675; 7796
BmsI	GCATCNNNNN!	9	997; 1313; 4076; 4719; 5482; 5554; 6202; 6266; 6541
BmsI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 909; 1134; 2288; 4229; 4268; 4397; 5861; 6116; 6332; 7724
BmtI	GCTAG!C	0	
BmuI	ACTGGGNNNNN!	3	2988; 4534; 5852
BmuI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2878; 5604
BoxI	GACNN!NNGTC	1	4471
BpiI	GAAGACN!	2	2501; 4139
BpiI	!NNNNNNGTCTTC	3	785; 878; 2782
BplI	GAGNNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	4	1612; 2371; 5692; 6591
BplI	!NNNNNNNNNGAGNNNNNNCTC	4	1580; 2339; 5660; 6559
BpmI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6743
BpmI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	2	4156; 6686

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Bpu10I	CC!TNAGC	1	2688
Bpu10I	GC!TNAGG	0	
Bpu14I	TT!CGAA	2	3778; 6585
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	2624
BpuAI	GAAGACNN!	2	2501; 4139
BpuAI	!NNNNNNGTCTTC	3	785; 878; 2782
BpuEI	CTTGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	7197; 7736
BpuEI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCAAG	6	2191; 3677; 3755; 4387; 6279; 7438
BpuMI	CC!SGG	10	798; 3246; 3758; 3808; 3809; 4412; 5907; 6067; 6680; 7444
BpvUI	CGAT!CG	0	
BsaI	GGTCTCN!	1	1650
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	4459; 6892
Bsa29I	AT!CGAT	1	5743
BsaAI	YAC!GTR	4	340; 3396; 5019; 6207
BsaBI	GATNN!NNATC	3	2537; 4565; 5762
BsaHI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 4415; 5903; 6605; 6684
BsaJI	C!CNNGG	33	360; 605; 625; 642; 651; 743; 767; 844; 944; 2164; 2748; 3557; 3800; 3807; 3830; 3926; 4061; 4062; 4157; 5437; 5509; 5632; 5667; 5676; 5725; 6066; 6335; 6740; 6867; 6868; 6970; 6971; 7661
BsaMI	GAATGCN!	1	4654
BsaMI	G!CATTC	2	3563; 4747
BsaWI	W!CCGGW	5	3819; 5934; 6778; 7468; 7615
BsaXI	ACNNNNNCTCCNNNNNNNNNN!	2	1501; 4983
BsaXI	!NNNNNNNGGAGNNNNNGT	2	851; 977
BsaXI	GGAGNNNNNGTNNNNNNNNNN!	2	881; 1007
BsaXI	!NNNNNNNNNACNNNNNCTCC	2	1471; 4953
BsbI	CAACACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	4295
BsbI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTGTTG	2	4904; 6811
Bsc4I	CCNNNNN!NNGG	28	49; 714; 845; 977; 1635; 1795; 1912; 2763; 3949; 4062; 4228; 4294; 4437; 4915; 5241; 5633; 5884; 6428; 6709; 6741; 6873; 6908; 6958; 6990; 7343; 7622; 7788; 7806
BscAI	GCATCNNNN!	9	996; 1312; 4075; 4718; 5481; 5553; 6201; 6265; 6540
BscAI	!NNNNNNGATGC	11	360; 912; 1137; 2291; 4232; 4271; 4400; 5864; 6119; 6335; 7727
Bse1I	ACTGGN!	9	886; 1509; 2983; 3638; 4442; 4529; 5847; 6048; 7294
Bse1I	C!CAGT	9	295; 2017; 2439; 2884; 3022; 4932; 5610; 7406; 7419
Bse8I	GATNN!NNATC	3	2537; 4565; 5762
Bse21I	CC!TNAGG	3	4097; 5383; 7015
Bse118I	R!CCGGY	6	896; 3819; 5120; 6222; 6403; 6686
BseAI	T!CCGGA	0	
BseBI	CC!WGG	24	90; 283; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3558; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 5439; 5494; 5511; 6290; 6869; 6972; 7662; 7675; 7796
BseCI	AT!CGAT	1	5743
BseDI	C!CNNGG	33	360; 605; 625; 642; 651; 743; 767; 844; 944; 2164; 2748; 3557; 3800; 3807; 3830; 3926; 4061; 4062; 4157; 5437; 5509; 5632; 5667; 5676; 5725; 6066; 6335; 6740; 6867; 6868; 6970; 6971; 7661
Bse3DI	GCAATGNN!	2	3086; 6136
Bse3DI	!CATTGC	0	
BseGI	GGATGNN!	10	806; 954; 1764; 2337; 2568; 3668; 5763; 6220; 6245; 6699
BseGI	!CATCC	5	3922; 4010; 4067; 4222; 5589
BseJI	GATNN!NNATC	3	2537; 4565; 5762
BseLI	CCNNNNN!NNGG	28	49; 714; 845; 977; 1635; 1795; 1912; 2763; 3949; 4062; 4228; 4294; 4437; 4915; 5241; 5633; 5884; 6428; 6709; 6741; 6873; 6908; 6958; 6990; 7343; 7622; 7788; 7806
BseMI	GCAATGNN!	2	3086; 6136
BseMI	!CATTGC	0	
BseMII	CTCAGNNNNNNNNNN!	6	1661; 2608; 3306; 3346; 3761; 7029
BseMII	!NNNNNNNNCTGAG	11	1040; 2615; 2990; 3037; 3407; 4088; 5374; 5676; 6557; 7129; 7538
BseNI	ACTGGN!	9	886; 1509; 2983; 3638; 4442; 4529; 5847; 6048; 7294
BseNI	C!CAGT	9	295; 2017; 2439; 2884; 3022; 4932; 5610; 7406; 7419
BsePI	G!CGCGC	0	
BseRI	GAGGAGNNNNNNNNNN!	2	2951; 5721

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BseRI	!NNNNNNNNCTCCTC	0	
BseSI	GKGC!C	11	785; 1029; 2807; 3808; 3895; 3922; 3955; 4532; 5849; 5942; 7511
BseXI	GCAGC!NNNNNNNN!	10	1450; 3726; 4049; 4491; 4691; 5976; 6018; 6539; 6992; 7492
BseXI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	14	623; 1506; 1530; 1770; 1875; 2391; 2907; 4168; 5185; 5850; 6034; 6127; 7193; 7399
BseX3I	C!GGCCG	2	4547; 5809
BseYI	C!CCAGC	5	784; 839; 5446; 5518; 7517
BseYI	G!CTGGG	2	4259; 6407
BsgI	GTGCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
BsgI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGCAC	2	1322; 3150
Bsh1236I	CG!CG	20	60; 627; 653; 698; 790; 3802; 4552; 4827; 5203; 5223; 5247; 5278; 5969; 6270; 6708; 6792; 6855; 6924; 7197; 7778
Bsh1285I	CGRY!CG	4	3824; 4550; 5812; 7487
BshFI	GG!CC	36	84; 277; 656; 740; 1021; 2011; 3021; 3099; 3687; 3806; 3989; 4232; 4267; 4301; 4324; 4346; 4456; 4498; 4549; 4869; 5011; 5666; 5672; 5681; 5724; 5811; 5985; 6376; 6403; 6912; 6969; 7002; 7347; 7781; 7799; 7810
BshNI	G!GYRCC	10	465; 601; 899; 2611; 3796; 3892; 3952; 5056; 5902; 5937
BshTI	A!CCGGT	1	3819
BshVI	AT!CGAT	1	5743
BsiEI	CGRY!CG	4	3824; 4550; 5812; 7487
BsiHKAI	GWGCW!C	11	822; 1593; 2235; 2630; 2807; 2987; 3771; 3922; 6016; 6206; 7511
BsiHKCI	C!YCGRG	5	672; 742; 2943; 3764; 3807
BsiSI	C!CGG	24	798; 897; 3245; 3684; 3757; 3808; 3820; 4412; 5121; 5808; 5885; 5907; 5935; 6066; 6156; 6223; 6404; 6679; 6687; 6779; 7253; 7443; 7469; 7616
BsiWI	C!GTACG	0	
BsII	CCNNNNN!NNGG	28	49; 714; 845; 977; 1635; 1795; 1912; 2763; 3949; 4062; 4228; 4294; 4437; 4915; 5241; 5633; 5884; 6428; 6709; 6741; 6873; 6908; 6958; 6990; 7343; 7622; 7788; 7806
BsIFI	GGGACNNNNNNNNNN!	9	175; 326; 494; 689; 2306; 3274; 6054; 6586; 6695
BsIFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	8	632; 954; 1843; 2238; 5419; 5491; 5555; 6850
BsmI	GAATGCN!	1	4654
BsmI	G!CATT	2	3563; 4747
BsmAI	GTCTCN!	4	434; 1650; 1658; 2946
BsmAI	!NNNNNGAGAC	9	1667; 2342; 2995; 3412; 4459; 5327; 5745; 6764; 6892
BsmBI	CGTCTCN!	0	
BsmBI	!NNNNNGAGACG	0	
BsmFI	GGGACNNNNNNNNNN!	9	175; 326; 494; 689; 2306; 3274; 6054; 6586; 6695
BsmFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	8	632; 954; 1843; 2238; 5419; 5491; 5555; 6850
BsnI	GG!CC	36	84; 277; 656; 740; 1021; 2011; 3021; 3099; 3687; 3806; 3989; 4232; 4267; 4301; 4324; 4346; 4456; 4498; 4549; 4869; 5011; 5666; 5672; 5681; 5724; 5811; 5985; 6376; 6403; 6912; 6969; 7002; 7347; 7781; 7799; 7810
Bso31I	GGTCTCN!	1	1650
Bso31I	!NNNNNGAGACC	2	4459; 6892
BsoBI	C!YCGRG	5	672; 742; 2943; 3764; 3807
Bsp13I	T!CCGGA	0	
Bsp19I	C!CATGG	4	360; 3830; 5632; 6335
Bsp24I	GACNNNNNTGGNNNNNNNNNN!	2	289; 6706
Bsp24I	!NNNNNNCCANNNNNGTC	2	7127; 7305
Bsp24I	CCANNNNNGTCNNNNNNNNNN!	2	7159; 7337
Bsp24I	!NNNNNNNGACNNNNNTGG	2	257; 6674
Bsp68I	TCG!CGA	0	
Bsp119I	TT!CGAA	2	3778; 6585
Bsp120I	G!GGCCC	1	3804
Bsp143I	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
Bsp1286I	GDGCH!C	22	785; 822; 1029; 1593; 2235; 2630; 2807; 2987; 3771; 3808; 3895; 3922; 3955; 4532; 5094; 5849; 5942; 6016; 6206; 6268; 6978; 7511
Bsp1407I	T!GTACA	2	3656; 3881
Bsp1720I	GC!TNAGC	1	2624

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BspACI	C!CGC	42	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 622; 625; 651; 661; 696; 894; 3800; 4151; 4289; 4391; 4550; 5218; 5221; 5235; 5325; 5573; 5585; 5594; 5606; 5616; 5627; 5673; 5812; 5875; 6377; 6422; 6488; 6514; 6639; 6642; 6790; 6922; 7229; 7373; 7869
BspACI	G!CGG	33	370; 403; 528; 627; 653; 2328; 3258; 3279; 3802; 3986; 4298; 4340; 4546; 5163; 5190; 5278; 5388; 5969; 6033; 6134; 6137; 6417; 6472; 6570; 6708; 6855; 6995; 7238; 7483; 7604; 7623; 7750; 7778
BspCNI	CTCAGNNNNNNNN!	6	1660; 2607; 3305; 3345; 3760; 7028
BspCNI	!NNNNNNNCTGAG	11	1041; 2616; 2991; 3038; 3408; 4089; 5375; 5677; 6558; 7130; 7539
BspDI	AT!CGAT	1	5743
BspD6I	GACTCNNNN!	6	418; 685; 4562; 4976; 6582; 7459
BspD6I	!NNNNNNGAGTC	4	2932; 4111; 4939; 5371
BspEI	T!CCGGA	0	
BspFNI	CG!CG	20	60; 627; 653; 698; 790; 3802; 4552; 4827; 5203; 5223; 5247; 5278; 5969; 6270; 6708; 6792; 6855; 6924; 7197; 7778
BspHI	T!CATGA	3	3726; 5329; 7101
BspLI	GGN!NCC	29	467; 603; 648; 741; 901; 1932; 2254; 2613; 3262; 3682; 3798; 3806; 3813; 3894; 3954; 4345; 5058; 5079; 5091; 5282; 5443; 5515; 5904; 5939; 6787; 6866; 6911; 7754; 7793
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	2089; 6171; 6621
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	4	855; 1632; 2240; 5790
BspOI	GCTAG!C	0	
BspPI	GGATCNNNN!	12	1265; 1613; 3290; 3768; 3819; 5771; 6082; 6328; 6720; 7079; 7177; 7263
BspPI	!NNNNNGATCC	8	580; 946; 3806; 4373; 6147; 6691; 7078; 7175
BspQI	GCTCTCN!	0	
BspQI	!NNNNGAAGAGC	3	3842; 6247; 6457
BspTI	C!TTAAG	1	4785
BspT104I	TT!CGAA	2	3778; 6585
BspT107I	G!GYRCC	10	465; 601; 899; 2611; 3796; 3892; 3952; 5056; 5902; 5937
BspTNI	GGTCTCN!	1	1650
BspTNI	!NNNNNGAGACC	2	4459; 6892
BsrI	ACTGGN!	9	886; 1509; 2983; 3638; 4442; 4529; 5847; 6048; 7294
BsrI	C!CAGT	9	295; 2017; 2439; 2884; 3022; 4932; 5610; 7406; 7419
BsrBI	CCG!CTC	2	5327; 6516
BsrBI	GAG!CGG	4	3258; 4546; 5163; 6570
BsrDI	GCAATGNN!	2	3086; 6136
BsrDI	!CATTGC	0	
BsrFI	R!CCGGY	6	896; 3819; 5120; 6222; 6403; 6686
BsrGI	T!GTACA	2	3656; 3881
BsrSI	ACTGGN!	9	886; 1509; 2983; 3638; 4442; 4529; 5847; 6048; 7294
BsrSI	C!CAGT	9	295; 2017; 2439; 2884; 3022; 4932; 5610; 7406; 7419
BssAI	R!CCGGY	6	896; 3819; 5120; 6222; 6403; 6686
BssECI	C!CNNGG	33	360; 605; 625; 642; 651; 743; 767; 844; 944; 2164; 2748; 3557; 3800; 3807; 3830; 3926; 4061; 4062; 4157; 5437; 5509; 5632; 5667; 5676; 5725; 6066; 6335; 6740; 6867; 6868; 6970; 6971; 7661
BssHII	G!CGCGC	0	
BssKI	!CCNGG	34	88; 281; 796; 843; 1221; 1754; 2091; 2164; 2180; 2732; 3244; 3556; 3756; 3806; 3807; 4013; 4061; 4157; 4172; 4301; 4410; 5437; 5492; 5509; 5905; 6065; 6288; 6678; 6867; 6970; 7442; 7660; 7673; 7794
BssMI	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
BssNI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 4415; 5903; 6605; 6684
BssNAI	GTA!TAC	0	
BssSI	C!ACGAG	3	4483; 6621; 7648
BssSI	C!TCGTG	3	811; 4333; 6495
BssTII	C!CWWGG	8	360; 944; 2748; 3830; 5632; 5725; 6335; 6740
Bst6I	CTCTCN!	1	1603
Bst6I	!NNNNGAAGAG	4	3842; 5370; 6247; 6457
Bst98I	C!TTAAG	1	4785
Bst1107I	GTA!TAC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstACI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 4415; 5903; 6605; 6684
BstAFI	C!TTAAG	1	4785
BstAPI	GCANNNN!NTGC	4	1783; 5470; 5542; 7004
BstAUI	T!GTACA	2	3656; 3881
BstBI	TT!CGAA	2	3778; 6585
Bst2BI	C!ACGAG	3	4483; 6621; 7648
Bst2BI	C!TCGTG	3	811; 4333; 6495
BstBAI	YAC!GTR	4	340; 3396; 5019; 6207
Bst4CI	ACN!GT	24	76; 198; 269; 543; 581; 601; 721; 1110; 1718; 2028; 2237; 2488; 3240; 3410; 3796; 3897; 4994; 6283; 6399; 6507; 6830; 7321; 7791; 7862
BstC8I	GCN!NGC	36	86; 279; 904; 1510; 1900; 2422; 2450; 2651; 3572; 3804; 3940; 4144; 5122; 5165; 5179; 5452; 5471; 5524; 5543; 5797; 5983; 6202; 6268; 6274; 6302; 6306; 6351; 6405; 6688; 6875; 6922; 6978; 7000; 7211; 7771; 7808
BstDEI	C!TNAG	22	1049; 1647; 2594; 2624; 2688; 2781; 2999; 3046; 3275; 3292; 3332; 3416; 3747; 3839; 4097; 4394; 5383; 5685; 6566; 7015; 7138; 7547
BstDSI	C!CRYGG	8	360; 625; 651; 767; 3800; 3830; 5632; 6335
BstEII	G!GTNACC	1	3540
BstENI	CCTNN!NNNAGG	0	
BstF5I	GGATGNN!	10	806; 954; 1764; 2337; 2568; 3668; 5763; 6220; 6245; 6699
BstF5I	!CATCC	5	3922; 4010; 4067; 4222; 5589
BstFNI	CG!CG	20	60; 627; 653; 698; 790; 3802; 4552; 4827; 5203; 5223; 5247; 5278; 5969; 6270; 6708; 6792; 6855; 6924; 7197; 7778
BstH2I	RGCGC!Y	5	3577; 5170; 5178; 5906; 7581
BstHHI	GCG!C	24	641; 700; 790; 3576; 5169; 5177; 5203; 5225; 5234; 5247; 5278; 5897; 5905; 5969; 6006; 6272; 6532; 6708; 6794; 7197; 7306; 7480; 7580; 7647
BstKTI	GAT!C	38	588; 954; 1132; 1260; 1608; 1749; 1840; 1992; 2541; 2552; 2907; 2955; 3185; 3206; 3285; 3602; 3763; 3814; 4205; 4355; 4381; 4563; 5743; 5747; 5766; 6077; 6155; 6236; 6245; 6323; 6699; 6715; 7074; 7086; 7164; 7172; 7183; 7258
BstMAI	GTCTCN!	4	434; 1650; 1658; 2946
BstMAI	!NNNNNGAGAC	9	1667; 2342; 2995; 3412; 4459; 5327; 5745; 6764; 6892
BstMBI	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
BstMCI	CGRY!CG	4	3824; 4550; 5812; 7487
BstMWI	GCNNNNN!NNGC	36	90; 212; 244; 283; 376; 400; 633; 826; 1245; 1619; 1783; 2620; 2917; 3255; 3616; 3876; 4307; 5130; 5160; 5187; 5229; 5470; 5542; 5593; 5672; 5894; 5978; 6001; 6140; 6263; 6346; 6613; 6800; 7004; 7203; 7775
BstNI	CC!WGG	24	90; 283; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3558; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 5439; 5494; 5511; 6290; 6869; 6972; 7662; 7675; 7796
BstNSI	RCATG!Y	8	1085; 1485; 1902; 3870; 5473; 5545; 6308; 7825
BstOI	CC!WGG	24	90; 283; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3558; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 5439; 5494; 5511; 6290; 6869; 6972; 7662; 7675; 7796
BstPI	G!GTNACC	1	3540
BstPAI	GACNN!NNGTC	1	4471
BstSCI	!CCNGG	34	88; 281; 796; 843; 1221; 1754; 2091; 2164; 2180; 2732; 3244; 3556; 3756; 3806; 3807; 4013; 4061; 4157; 4172; 4301; 4410; 5437; 5492; 5509; 5905; 6065; 6288; 6678; 6867; 6970; 7442; 7660; 7673; 7794
BstSFI	C!TRYAG	10	1538; 1657; 2244; 2528; 2647; 2921; 3785; 5238; 7365; 7556
BstSLI	GKGCM!C	11	785; 1029; 2807; 3808; 3895; 3922; 3955; 4532; 5849; 5942; 7511
BstSNI	TAC!GTA	2	340; 3396
BstUI	CG!CG	20	60; 627; 653; 698; 790; 3802; 4552; 4827; 5203; 5223; 5247; 5278; 5969; 6270; 6708; 6792; 6855; 6924; 7197; 7778
Bst2UI	CC!WGG	24	90; 283; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3558; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 5439; 5494; 5511; 6290; 6869; 6972; 7662; 7675; 7796
BstV1I	GCAGCNNNNNNNN!	10	1450; 3726; 4049; 4491; 4691; 5976; 6018; 6539; 6992; 7492
BstV1I	!NNNNNNNNNNNNGCTGC	14	623; 1506; 1530; 1770; 1875; 2391; 2907; 4168; 5185; 5850; 6034; 6127; 7193; 7399

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstV2I	GAAGACNN!	2	2501; 4139
BstV2I	!NNNNNNGTCTTC	3	785; 878; 2782
BstXI	CCANNNNN!NTGG	0	
BstX2I	R!GATCY	15	585; 1746; 2549; 3203; 3282; 3760; 3811; 4378; 6074; 6320; 6712; 7071; 7083; 7169; 7180
BstYI	R!GATCY	15	585; 1746; 2549; 3203; 3282; 3760; 3811; 4378; 6074; 6320; 6712; 7071; 7083; 7169; 7180
BstZI	C!GGCCG	2	4547; 5809
BstZ17I	GTA!TAC	0	
BsuI	GTATCCNNNNNN!	3	5332; 6122; 7623
BsuI	!NNNNNNGGATAC	1	2817
Bsu15I	AT!CGAT	1	5743
Bsu36I	CC!TNAGG	3	4097; 5383; 7015
BsuRI	GG!CC	36	84; 277; 656; 740; 1021; 2011; 3021; 3099; 3687; 3806; 3989; 4232; 4267; 4301; 4324; 4346; 4456; 4498; 4549; 4869; 5011; 5666; 5672; 5681; 5724; 5811; 5985; 6376; 6403; 6912; 6969; 7002; 7347; 7781; 7799; 7810
BsuTUI	AT!CGAT	1	5743
BtgI	C!CRYGG	8	360; 625; 651; 767; 3800; 3830; 5632; 6335
BtgZI	GCGATGNNNNNNNNNN!	3	625; 5020; 6355
BtgZI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCATCGC	3	334; 6174; 6518
BthCI	GCNG!C	46	627; 630; 639; 656; 698; 1441; 1522; 1546; 1786; 1891; 2407; 2923; 3717; 3989; 4040; 4184; 4301; 4482; 4552; 4682; 5201; 5223; 5237; 5675; 5814; 5866; 5877; 5967; 5972; 6009; 6050; 6137; 6143; 6379; 6475; 6516; 6530; 6644; 6983; 6998; 7209; 7415; 7418; 7483; 7626; 7781
BtrI	CAC!GTC	0	
BtrI	GAC!GTG	1	714
BtsI	GCAGTGNN!	3	1731; 1888; 2308
BtsI	!CACTGC	3	2086; 2644; 4742
BtsCI	GGATGNN!	10	806; 954; 1764; 2337; 2568; 3668; 5763; 6220; 6245; 6699
BtsCI	!CATCC	5	3922; 4010; 4067; 4222; 5589
BtuMI	TCG!CGA	0	
BveI	ACCTGCNNNN!	3	2089; 6171; 6621
BveI	!NNNNNNNNGCAGGT	4	855; 1632; 2240; 5790
Cac8I	GCN!NGC	36	86; 279; 904; 1510; 1900; 2422; 2450; 2651; 3572; 3804; 3940; 4144; 5122; 5165; 5179; 5452; 5471; 5524; 5543; 5797; 5983; 6202; 6268; 6274; 6302; 6306; 6351; 6405; 6688; 6875; 6922; 6978; 7000; 7211; 7771; 7808
CaiI	CAGNNN!CTG	4	2407; 4505; 7004; 7412
CciI	T!CATGA	3	3726; 5329; 7101
CciNI	GC!GGCCGC	1	4547
CdiI	CATC!G	7	352; 2634; 2664; 6192; 6197; 6395; 6536
CdiI	C!GATG	3	611; 5006; 6341
CdpI	GCGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	7775
CdpI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCGC	3	486; 5564; 5606
CelII	GC!TNAGC	1	2624
CfoI	GCG!C	24	641; 700; 790; 3576; 5169; 5177; 5203; 5225; 5234; 5247; 5278; 5897; 5905; 5969; 6006; 6272; 6532; 6708; 6794; 7197; 7306; 7480; 7580; 7647
CfrI	Y!GGCCR	7	3685; 4496; 4547; 5809; 5983; 6374; 6401
Cfr9I	C!CCGGG	1	3807
Cfr10I	R!CCGGY	6	896; 3819; 5120; 6222; 6403; 6686
Cfr13I	G!GNCC	26	83; 276; 646; 739; 867; 1219; 1752; 2009; 2252; 3019; 3058; 3154; 3261; 3681; 3805; 3988; 4231; 4323; 4344; 4428; 5010; 6419; 6864; 6910; 6968; 7001
Cfr42I	CCGC!GG	3	628; 654; 3803
ChaI	GATC!	38	589; 955; 1133; 1261; 1609; 1750; 1841; 1993; 2542; 2553; 2908; 2956; 3186; 3207; 3286; 3603; 3764; 3815; 4206; 4356; 4382; 4564; 5744; 5748; 5767; 6078; 6156; 6237; 6246; 6324; 6700; 6716; 7075; 7087; 7165; 7173; 7184; 7259
CjeI	CCANNNNNNGTNNNNNNNNNNNNNNNN!	7	997; 3112; 3934; 5720; 7160; 7260; 7338
CjeI	!NNNNNNNNNACNNNNNNNTGG	10	64; 257; 828; 2180; 2501; 5387; 5482; 6674; 7224; 7779
CjeI	ACNNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	10	98; 291; 862; 2214; 2535; 5421; 5516; 6708; 7258; 7813
CjeI	!NNNNNNNNCCANNNNNNGT	7	963; 3078; 3900; 5686; 7126; 7226; 7304
CjePI	CCANNNNNNNNTCNNNNNNNNNNNNNN!	5	969; 1886; 3086; 7160; 7338
CjePI	!NNNNNNNNGANNNNNNNTGG	8	257; 1867; 2541; 3039; 3959; 4304; 6674; 7273

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CjePI	GANNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	8	290; 1900; 2574; 3072; 3992; 4337; 6707; 7306
CjePI	!NNNNNNNCCANNNNNNNTC	5	936; 1853; 3053; 7127; 7305
ClaI	AT!CGAT	1	5743
CpoI	CG!GWCCG	1	6419
CseI	GACGCNNNNN!	3	526; 6613; 6692
CseI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	5	779; 4404; 5236; 7131; 7709
CsiI	A!CCWGGT	1	5492
CspI	CG!GWCCG	1	6419
Csp6I	G!TAC	19	218; 243; 298; 331; 382; 539; 602; 732; 1035; 1207; 2049; 2158; 3393; 3657; 3797; 3882; 4032; 4284; 6208
Csp45I	TT!CGAA	2	3778; 6585
CspAI	A!CCGGT	1	3819
CspCI	CAANNNNNGTGGNNNNNNNNNNNN!	1	411
CspCI	!NNNNNNNNNNNCCACNNNNNTTG	0	
CspCI	CCACNNNNNTTGGNNNNNNNNNNNN!	0	
CspCI	!NNNNNNNNNNNCAANNNNNGTGG	1	376
CstMI	AAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	11	882; 1194; 1953; 2178; 2628; 3014; 3324; 3884; 4475; 5183; 6792
CstMI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTT	2	1469; 1717
CviAII	C!ATG	31	301; 361; 1082; 1124; 1482; 1602; 1899; 2274; 3579; 3727; 3831; 3867; 3873; 3885; 3963; 4029; 4109; 4320; 5330; 5470; 5542; 5633; 5774; 6119; 6305; 6336; 6362; 6718; 7102; 7822; 7873
CviJI	RG!CY	147	42; 84; 93; 277; 566; 616; 636; 656; 740; 761; 820; 843; 906; 1021; 1071; 1198; 1229; 1248; 1345; 1361; 1381; 1519; 1543; 1613; 1666; 1692; 1735; 1847; 1888; 1910; 1916; 1933; 1978; 1996; 2011; 2101; 2404; 2420; 2470; 2517; 2593; 2623; 2628; 2653; 2686; 2767; 2785; 2858; 2882; 2920; 3021; 3045; 3099; 3570; 3637; 3668; 3687; 3717; 3769; 3775; 3806; 3852; 3879; 3942; 3989; 4018; 4025; 4103; 4169; 4181; 4232; 4259; 4267; 4301; 4324; 4332; 4346; 4456; 4492; 4498; 4549; 4572; 4682; 4849; 4869; 5011; 5092; 5106; 5120; 5401; 5442; 5514; 5637; 5666; 5672; 5681; 5689; 5712; 5724; 5730; 5811; 5828; 5836; 5863; 5888; 5972; 5981; 5985; 6009; 6047; 6123; 6140; 6159; 6222; 6266; 6276; 6293; 6376; 6403; 6407; 6444; 6467; 6483; 6663; 6690; 6751; 6873; 6912; 6969; 6976; 6983; 7002; 7013; 7264; 7293; 7336; 7347; 7412; 7491; 7516; 7521; 7567; 7657; 7755; 7781; 7799; 7810
CviKI-1	RG!CY	147	42; 84; 93; 277; 566; 616; 636; 656; 740; 761; 820; 843; 906; 1021; 1071; 1198; 1229; 1248; 1345; 1361; 1381; 1519; 1543; 1613; 1666; 1692; 1735; 1847; 1888; 1910; 1916; 1933; 1978; 1996; 2011; 2101; 2404; 2420; 2470; 2517; 2593; 2623; 2628; 2653; 2686; 2767; 2785; 2858; 2882; 2920; 3021; 3045; 3099; 3570; 3637; 3668; 3687; 3717; 3769; 3775; 3806; 3852; 3879; 3942; 3989; 4018; 4025; 4103; 4169; 4181; 4232; 4259; 4267; 4301; 4324; 4332; 4346; 4456; 4492; 4498; 4549; 4572; 4682; 4849; 4869; 5011; 5092; 5106; 5120; 5401; 5442; 5514; 5637; 5666; 5672; 5681; 5689; 5712; 5724; 5730; 5811; 5828; 5836; 5863; 5888; 5972; 5981; 5985; 6009; 6047; 6123; 6140; 6159; 6222; 6266; 6276; 6293; 6376; 6403; 6407; 6444; 6467; 6483; 6663; 6690; 6751; 6873; 6912; 6969; 6976; 6983; 7002; 7013; 7264; 7293; 7336; 7347; 7412; 7491; 7516; 7521; 7567; 7657; 7755; 7781; 7799; 7810
CviQI	G!TAC	19	218; 243; 298; 331; 382; 539; 602; 732; 1035; 1207; 2049; 2158; 3393; 3657; 3797; 3882; 4032; 4284; 6208
DdeI	C!TNAG	22	1049; 1647; 2594; 2624; 2688; 2781; 2999; 3046; 3275; 3292; 3332; 3416; 3747; 3839; 4097; 4394; 5383; 5685; 6566; 7015; 7138; 7547
DinI	GGC!GCC	1	5904
DpnI	GA!TC	38	587; 953; 1131; 1259; 1607; 1748; 1839; 1991; 2540; 2551; 2906; 2954; 3184; 3205; 3284; 3601; 3762; 3813; 4204; 4354; 4380; 4562; 5742; 5746; 5765; 6076; 6154; 6235; 6244; 6322; 6698; 6714; 7073; 7085; 7163; 7171; 7182; 7257
DpnII	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
DraI	TTT!AAA	5	2063; 3675; 4605; 7047; 7066
DraII	RG!GNCCY	3	867; 2252; 7001
DraIII	CACNNN!GTG	2	4488; 5019

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
DraRI	CAAGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	266; 1468; 2294; 7383
DraRI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCCTG	1	3317
DrdI	GACNNN!NNGTC	3	4974; 5930; 7719
DrdIV	TACGACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	1310
DrdIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGTA	1	476
DriI	GACNNN!NNGTC	0	
DseDI	GACNNN!NNGTC	3	4974; 5930; 7719
EaeI	Y!GGCCR	7	3685; 4496; 4547; 5809; 5983; 6374; 6401
EagI	C!GGCCG	2	4547; 5809
Eam1104I	CTCTCN!	1	1603
Eam1104I	!NNNNGAAGAG	4	3842; 5370; 6247; 6457
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0	
EarI	CTCTCN!	1	1603
EarI	!NNNNGAAGAG	4	3842; 5370; 6247; 6457
EciI	GGCGGANNNNNNNNNNNN!	4	5403; 6432; 7619; 7765
EciI	!NNNNNNNNNTCCGCC	5	496; 611; 5574; 5595; 5616
Ecl136II	GAG!CTC	3	820; 2628; 3769
EclXI	C!GGCCG	2	4547; 5809
Eco24I	GRGCY!C	7	822; 2630; 3771; 3808; 5094; 6268; 6978
Eco31I	GGTCTCN!	1	1650
Eco31I	!NNNNNGAGACC	2	4459; 6892
Eco32I	GAT!ATC	2	1957; 3522
Eco47I	G!GWCC	12	646; 867; 1219; 1752; 2252; 3058; 3154; 3261; 3681; 4428; 6419; 6864
Eco47III	AGC!GCT	0	
Eco52I	C!GGCCG	2	4547; 5809
Eco57I	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	3026; 3481; 4348; 6049; 6481
Eco57I	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	4	1652; 3076; 3155; 7279
Eco72I	CAC!GTG	0	
Eco81I	CC!TNAGG	3	4097; 5383; 7015
Eco88I	C!YCGRG	5	672; 742; 2943; 3764; 3807
Eco91I	G!GTNACC	1	3540
Eco105I	TAC!GTA	2	340; 3396
Eco130I	C!CWWGG	8	360; 944; 2748; 3830; 5632; 5725; 6335; 6740
Eco147I	AGG!CCT	1	5724
EcoHI	!CCSGG	10	796; 3244; 3756; 3806; 3807; 4410; 5905; 6065; 6678; 7442
EcoICRI	GAG!CTC	3	820; 2628; 3769
Eco57MI	CTGRAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	3026; 3481; 4348; 6049; 6481; 6743
Eco57MI	!NNNNNNNNNNNNNNCTYCAG	6	1652; 3076; 3155; 4156; 6686; 7279
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	0	
Eco065I	G!GTNACC	1	3540
Eco0109I	RG!GNCCY	3	867; 2252; 7001
EcoRI	G!AATTC	1	3780
EcoRII	!CCWGG	24	88; 281; 843; 1221; 1754; 2091; 2164; 2180; 2732; 3556; 4013; 4061; 4157; 4172; 4301; 5437; 5492; 5509; 6288; 6867; 6970; 7660; 7673; 7794
EcoRV	GAT!ATC	2	1957; 3522
EcoT14I	C!CWWGG	8	360; 944; 2748; 3830; 5632; 5725; 6335; 6740
EcoT22I	ATGCA!T	3	5475; 5547; 7878
EcoT38I	GRGCY!C	7	822; 2630; 3771; 3808; 5094; 6268; 6978
Eco53kI	GAG!CTC	3	820; 2628; 3769
EgeI	GGC!GCC	1	5904
EheI	GGC!GCC	1	5904
ErhI	C!CWWGG	8	360; 944; 2748; 3830; 5632; 5725; 6335; 6740
EsaBC3I	TC!GA	24	597; 1001; 1894; 1993; 2227; 2464; 2945; 3766; 3779; 3792; 3981; 4008; 4476; 5053; 5744; 6017; 6173; 6197; 6233; 6395; 6586; 6631; 6886; 7724
Esp3I	CGTCTCN!	0	
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0	
FaeI	CATG!	31	304; 364; 1085; 1127; 1485; 1605; 1902; 2277; 3582; 3730; 3834; 3870; 3876; 3888; 3966; 4032; 4112; 4323; 5333; 5473; 5545; 5636; 5777; 6122; 6308; 6339; 6365; 6721; 7105; 7825; 7876

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FaI	YA!TR	98	39; 46; 50; 67; 138; 146; 234; 236; 291; 302; 310; 362; 555; 557; 941; 1083; 1118; 1125; 1313; 1408; 1463; 1469; 1483; 1494; 1524; 1571; 1603; 1732; 1791; 1793; 1823; 1900; 1942; 2004; 2275; 2377; 2396; 2555; 2742; 2957; 3041; 3110; 3131; 3143; 3178; 3427; 3487; 3500; 3580; 3728; 3832; 3868; 3874; 3886; 3964; 4030; 4110; 4128; 4321; 4374; 4424; 4565; 4575; 4641; 4686; 4891; 5319; 5331; 5462; 5471; 5534; 5543; 5567; 5634; 5658; 5775; 5839; 6120; 6145; 6306; 6337; 6363; 6435; 6651; 6719; 6797; 6849; 7010; 7027; 7029; 7031; 7103; 7381; 7570; 7686; 7759; 7823; 7874
FaI	AAGNNNNCTTNNNNNNNNNN!	5	1264; 2176; 2923; 4107; 6243
FaI	!NNNNNNNAAGNNNNCTT	5	1232; 2144; 2891; 4075; 6211
FaI	GGGACNNNNNNNN!	9	175; 326; 494; 689; 2306; 3274; 6054; 6586; 6695
FaI	!NNNNNNNNNNNGTCCC	8	632; 954; 1843; 2238; 5419; 5491; 5555; 6850
FatI	!CATG	31	300; 360; 1081; 1123; 1481; 1601; 1898; 2273; 3578; 3726; 3830; 3866; 3872; 3884; 3962; 4028; 4108; 4319; 5329; 5469; 5541; 5632; 5773; 6118; 6304; 6335; 6361; 6717; 7101; 7821; 7872
FauI	CCCGCNNNN!	13	93; 119; 286; 658; 668; 901; 4296; 4398; 5225; 5580; 5601; 6797; 6929
FauI	!NNNNNGCGGG	10	2321; 3251; 3272; 3795; 4333; 5156; 6026; 6563; 6701; 6848
FauNDI	CA!TATG	2	234; 1791
FbaI	T!GATCA	3	2538; 2952; 3599
FblI	GT!MKAC	4	596; 2463; 3791; 4418
FmuI	GGNC!C	26	86; 279; 649; 742; 870; 1222; 1755; 2012; 2255; 3022; 3061; 3157; 3264; 3684; 3808; 3991; 4234; 4326; 4347; 4431; 5013; 6422; 6867; 6913; 6971; 7004
Fnu4HI	GC!NGC	46	625; 628; 637; 654; 696; 1439; 1520; 1544; 1784; 1889; 2405; 2921; 3715; 3987; 4038; 4182; 4299; 4480; 4550; 4680; 5199; 5221; 5235; 5673; 5812; 5864; 5875; 5965; 5970; 6007; 6048; 6135; 6141; 6377; 6473; 6514; 6528; 6642; 6981; 6996; 7207; 7413; 7416; 7481; 7624; 7779
FokI	GGATGNNNNNNNN!	10	813; 961; 1771; 2344; 2575; 3675; 5770; 6227; 6252; 6706
FokI	!NNNNNNNNNNNNCATCC	5	3909; 3997; 4054; 4209; 5576
FriOI	GRGCY!C	7	822; 2630; 3771; 3808; 5094; 6268; 6978
FseI	GGCCGG!CC	0	
FspI	TGC!GCA	1	6005
FspAI	RTGC!GCAY	0	
FspBI	C!TAG	12	592; 709; 2054; 3616; 4517; 4558; 4752; 5170; 5726; 6741; 7075; 7328
FspEI	CCNNNNNNNNNN!	240	56; 71; 98; 114; 128; 129; 156; 182; 220; 252; 291; 307; 333; 373; 450; 451; 482; 501; 520; 593; 618; 635; 655; 670; 694; 709; 737; 754; 780; 797; 811; 836; 852; 883; 906; 920; 957; 984; 1035; 1051; 1085; 1136; 1235; 1303; 1333; 1445; 1500; 1560; 1607; 1642; 1693; 1743; 1768; 1802; 1873; 1916; 1947; 1973; 2025; 2065; 2094; 2127; 2177; 2194; 2268; 2375; 2441; 2462; 2525; 2584; 2628; 2652; 2686; 2700; 2715; 2737; 2761; 2821; 2866; 2896; 2963; 2981; 3010; 3035; 3074; 3100; 3148; 3170; 3202; 3258; 3277; 3303; 3367; 3465; 3509; 3524; 3540; 3558; 3584; 3602; 3697; 3737; 3770; 3813; 3828; 3843; 3909; 3939; 3956; 3970; 4003; 4017; 4035; 4059; 4074; 4104; 4137; 4164; 4179; 4198; 4234; 4281; 4300; 4315; 4338; 4360; 4383; 4403; 4424; 4444; 4470; 4512; 4528; 4563; 4586; 4625; 4639; 4780; 4875; 4899; 4922; 4945; 4963; 4985; 5006; 5025; 5044; 5073; 5094; 5108; 5134; 5222; 5248; 5297; 5338; 5356; 5395; 5411; 5449; 5506; 5521; 5578; 5598; 5612; 5629; 5643; 5680; 5695; 5738; 5821; 5888; 5919; 5939; 5954; 5999; 6013; 6079; 6093; 6112; 6128; 6169; 6189; 6236; 6286; 6302; 6322; 6347; 6367; 6390; 6417; 6435; 6461; 6501; 6527; 6551; 6607; 6621; 6649; 6692; 6713; 6748; 6792; 6880; 6904; 6926; 6946; 6962; 6983; 6997; 7016; 7100; 7120; 7148; 7163; 7197; 7239; 7266; 7281; 7326; 7350; 7364; 7386; 7412; 7432; 7456; 7482; 7530; 7549; 7568; 7594; 7629; 7674; 7704; 7718; 7769; 7783; 7808; 7824; 7845; 7874

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FspEI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGG	229	8; 35; 59; 144; 166; 197; 252; 295; 347; 375; 400; 435; 463; 509; 529; 552; 584; 612; 638; 658; 700; 722; 743; 783; 830; 850; 882; 911; 931; 963; 981; 1003; 1026; 1045; 1082; 1136; 1154; 1199; 1221; 1240; 1317; 1351; 1370; 1388; 1409; 1428; 1457; 1490; 1514; 1544; 1571; 1595; 1618; 1655; 1682; 1701; 1726; 1745; 1778; 1796; 1817; 1862; 1898; 1937; 1958; 1992; 2021; 2078; 2112; 2132; 2151; 2170; 2200; 2235; 2271; 2293; 2313; 2362; 2402; 2452; 2474; 2503; 2543; 2575; 2594; 2635; 2719; 2749; 2771; 2806; 2921; 2964; 3002; 3041; 3061; 3081; 3137; 3163; 3223; 3243; 3264; 3284; 3302; 3344; 3396; 3502; 3523; 3543; 3579; 3605; 3628; 3649; 3669; 3693; 3719; 3742; 3779; 3805; 3826; 3844; 3871; 3913; 3934; 3958; 4000; 4019; 4048; 4084; 4121; 4144; 4163; 4193; 4214; 4241; 4280; 4306; 4325; 4397; 4423; 4471; 4510; 4531; 4574; 4674; 4743; 4773; 4851; 4900; 4922; 4950; 4986; 5031; 5060; 5096; 5115; 5143; 5163; 5226; 5249; 5357; 5389; 5407; 5436; 5479; 5508; 5619; 5648; 5691; 5712; 5740; 5773; 5793; 5818; 5845; 5870; 5892; 5920; 5946; 5967; 6018; 6039; 6057; 6105; 6141; 6197; 6222; 6246; 6275; 6298; 6322; 6348; 6370; 6389; 6414; 6454; 6490; 6555; 6640; 6664; 6693; 6727; 6748; 6768; 6813; 6840; 6859; 6892; 6944; 6975; 7002; 7054; 7152; 7223; 7268; 7329; 7394; 7428; 7454; 7472; 7508; 7578; 7601; 7623; 7647; 7680; 7728; 7763; 7781; 7838
Fsp4HI	GC!NGC	46	625; 628; 637; 654; 696; 1439; 1520; 1544; 1784; 1889; 2405; 2921; 3715; 3987; 4038; 4182; 4299; 4480; 4550; 4680; 5199; 5221; 5235; 5673; 5812; 5864; 5875; 5965; 5970; 6007; 6048; 6135; 6141; 6377; 6473; 6514; 6528; 6642; 6981; 6996; 7207; 7413; 7416; 7481; 7624; 7779
GdiII	C!GGCCR	3	3685; 4547; 5809
GdiII	Y!GGCCG	4	4547; 5809; 6374; 6401
GlaI	GC!GC	24	640; 699; 789; 3575; 5168; 5176; 5202; 5224; 5233; 5246; 5277; 5896; 5904; 5968; 6005; 6271; 6531; 6707; 6793; 7196; 7305; 7479; 7579; 7646
GluI	GC!NGC	46	625; 628; 637; 654; 696; 1439; 1520; 1544; 1784; 1889; 2405; 2921; 3715; 3987; 4038; 4182; 4299; 4480; 4550; 4680; 5199; 5221; 5235; 5673; 5812; 5864; 5875; 5965; 5970; 6007; 6048; 6135; 6141; 6377; 6473; 6514; 6528; 6642; 6981; 6996; 7207; 7413; 7416; 7481; 7624; 7779
GsaI	CCCAG!C	5	788; 843; 5450; 5522; 7521
GsaI	GCTGG!G	2	4263; 6411
GsuI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNN!	1	6743
GsuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	2	4156; 6686
HaeI	WGG!CCW	9	1021; 3099; 4267; 4498; 5724; 5985; 7347; 7799; 7810
HaeII	RGCG!Y	5	3577; 5170; 5178; 5906; 7581
HaeIII	GG!CC	36	84; 277; 656; 740; 1021; 2011; 3021; 3099; 3687; 3806; 3989; 4232; 4267; 4301; 4324; 4346; 4456; 4498; 4549; 4869; 5011; 5666; 5672; 5681; 5724; 5811; 5985; 6376; 6403; 6912; 6969; 7002; 7347; 7781; 7799; 7810
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	5	1724; 2039; 2340; 4578; 6099
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNRTC	5	1690; 2005; 2306; 4544; 6065
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	5	1723; 2038; 2339; 4577; 6098
HaeIV	!NNNNNNNGAYNNNNNRTC	5	1692; 2007; 2308; 4546; 6067
HapII	C!CGG	24	798; 897; 3245; 3684; 3757; 3808; 3820; 4412; 5121; 5808; 5885; 5907; 5935; 6066; 6156; 6223; 6404; 6679; 6687; 6779; 7253; 7443; 7469; 7616
HgaI	GACGCNNNNN!	3	526; 6613; 6692
HgaI	!NNNNNNNNNGCGTC	5	779; 4404; 5236; 7131; 7709
HhaI	GCG!C	24	641; 700; 790; 3576; 5169; 5177; 5203; 5225; 5234; 5247; 5278; 5897; 5905; 5969; 6006; 6272; 6532; 6708; 6794; 7197; 7306; 7480; 7580; 7647
Hin1I	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 4415; 5903; 6605; 6684
Hin1III	CATG!	31	304; 364; 1085; 1127; 1485; 1605; 1902; 2277; 3582; 3730; 3834; 3870; 3876; 3888; 3966; 4032; 4112; 4323; 5333; 5473; 5545; 5636; 5777; 6122; 6308; 6339; 6365; 6721; 7105; 7825; 7876
Hin4I	GAYNNNNNVTCNNNNNNNNNNNN!	7	621; 1629; 1723; 2038; 2339; 4577; 6098
Hin4I	!NNNNNNNNGABNNNNNRTC	8	851; 1691; 2006; 2307; 2937; 4545; 6066; 6096
Hin4I	GABNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	8	883; 1723; 2038; 2339; 2969; 4577; 6098; 6128
Hin4I	!NNNNNNNNGAYNNNNNVTC	7	589; 1597; 1691; 2006; 2307; 4545; 6066

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Hin6I	G!CGC	24	639; 698; 788; 3574; 5167; 5175; 5201; 5223; 5232; 5245; 5276; 5895; 5903; 5967; 6004; 6270; 6530; 6706; 6792; 7195; 7304; 7478; 7578; 7645
HinP1I	G!CGC	24	639; 698; 788; 3574; 5167; 5175; 5201; 5223; 5232; 5245; 5276; 5895; 5903; 5967; 6004; 6270; 6530; 6706; 6792; 7195; 7304; 7478; 7578; 7645
HincII	GTY!RAC	4	597; 2464; 3792; 4666
HindII	GTY!RAC	4	597; 2464; 3792; 4666
HindIII	A!AGCTT	2	1908; 3773
HinfI	G!ANTC	24	410; 677; 1175; 2335; 2598; 2939; 2946; 2970; 3444; 3504; 3968; 4118; 4445; 4554; 4946; 4968; 5378; 6388; 6522; 6574; 6632; 6669; 7451; 7847
HpaI	GTT!AAC	1	4666
HpaII	C!CGG	24	798; 897; 3245; 3684; 3757; 3808; 3820; 4412; 5121; 5808; 5885; 5907; 5935; 6066; 6156; 6223; 6404; 6679; 6687; 6779; 7253; 7443; 7469; 7616
HphI	GGTGANNNNNNN!	10	376; 1411; 1810; 2503; 3265; 3609; 3748; 4224; 6974; 7090
HphI	!NNNNNNNTCACC	5	3516; 3546; 4113; 5020; 6081
Hpy8I	GTN!NAC	23	201; 539; 577; 597; 717; 1299; 2049; 2444; 2464; 2509; 2805; 3413; 3792; 3900; 3920; 4215; 4419; 4428; 4666; 4950; 4967; 5022; 7509
Hpy99I	CGWCG!	12	601; 635; 2231; 3796; 4477; 5993; 6021; 6315; 6330; 6607; 6992; 7725
Hpy166II	GTN!NAC	23	201; 539; 577; 597; 717; 1299; 2049; 2444; 2464; 2509; 2805; 3413; 3792; 3900; 3920; 4215; 4419; 4428; 4666; 4950; 4967; 5022; 7509
Hpy188I	TCN!GA	28	585; 1257; 1334; 1387; 1531; 1617; 2340; 2576; 2597; 2674; 2817; 2969; 3174; 3443; 3461; 3750; 3927; 4207; 5077; 5686; 5870; 6214; 6567; 6668; 7147; 7281; 7634; 7712
Hpy188III	TC!NNGA	37	674; 1093; 1424; 1670; 1680; 1750; 1960; 2041; 2068; 2943; 2950; 3694; 3727; 3764; 4200; 4365; 4404; 4558; 5330; 5382; 5695; 5748; 5921; 6237; 6246; 6329; 6385; 6429; 6519; 6552; 6621; 7102; 7176; 7259; 7357; 7455; 7589
HpyAV	CCTTCNNNNNN!	8	711; 3145; 4008; 4056; 4101; 6548; 6655; 7334
HpyAV	!NNNNNGAAGG	15	850; 1870; 2602; 2757; 3292; 3733; 3928; 4300; 5136; 6031; 6760; 6776; 6959; 7276; 7586
HpyCH4III	ACN!GT	24	76; 198; 269; 543; 581; 601; 721; 1110; 1718; 2028; 2237; 2488; 3240; 3410; 3796; 3897; 4994; 6283; 6399; 6507; 6830; 7321; 7791; 7862
HpyCH4IV	A!CGT	18	122; 134; 175; 258; 339; 444; 713; 3395; 4196; 4472; 4963; 4975; 5018; 5128; 6019; 6206; 6987; 7120
HpyCH4V	TG!CA	36	922; 1339; 1522; 1573; 1714; 1777; 2301; 2424; 2649; 2707; 2805; 2923; 3167; 3216; 3385; 3787; 3870; 3920; 4242; 4358; 4652; 4679; 4747; 5464; 5473; 5536; 5545; 5660; 5736; 5795; 5954; 6129; 6143; 7213; 7509; 7876
HpyF3I	C!TNAG	22	1049; 1647; 2594; 2624; 2688; 2781; 2999; 3046; 3275; 3292; 3332; 3416; 3747; 3839; 4097; 4394; 5383; 5685; 6566; 7015; 7138; 7547
HpyF10VI	GCNNNNN!NNGC	36	90; 212; 244; 283; 376; 400; 633; 826; 1245; 1619; 1783; 2620; 2917; 3255; 3616; 3876; 4307; 5130; 5160; 5187; 5229; 5470; 5542; 5593; 5672; 5894; 5978; 6001; 6140; 6263; 6346; 6613; 6800; 7004; 7203; 7775
Hsp92I	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 4415; 5903; 6605; 6684
Hsp92II	CATG!	31	304; 364; 1085; 1127; 1485; 1605; 1902; 2277; 3582; 3730; 3834; 3870; 3876; 3888; 3966; 4032; 4112; 4323; 5333; 5473; 5545; 5636; 5777; 6122; 6308; 6339; 6365; 6721; 7105; 7825; 7876
HspAI	G!CGC	24	639; 698; 788; 3574; 5167; 5175; 5201; 5223; 5232; 5245; 5276; 5895; 5903; 5967; 6004; 6270; 6530; 6706; 6792; 7195; 7304; 7478; 7578; 7645
KasI	G!GCGCC	1	5902
KflI	GG!GWCCC	0	
KpnI	GGTAC!C	2	605; 3800
Kpn2I	T!CCGGA	0	
KspI	CCGC!GG	3	628; 654; 3803
Ksp22I	T!GATCA	3	2538; 2952; 3599
KspAI	GTT!AAC	1	4666

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Kzo9I	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
LguI	GCTCTCN!	0	
LguI	!NNNNGAAGAGC	3	3842; 6247; 6457
LpnI	RGCI:GCGY	5	3575; 5168; 5176; 5904; 7579
LpnPI	CCDGNNNNNNNNN!	89	102; 295; 694; 737; 798; 853; 910; 1035; 1085; 1235; 1693; 1768; 1973; 2025; 2094; 2127; 2178; 2194; 2452; 2715; 2746; 2821; 2897; 2963; 3011; 3035; 3258; 3570; 3584; 3602; 3697; 3770; 3821; 3970; 4027; 4075; 4109; 4171; 4186; 4247; 4315; 4339; 4363; 4425; 4512; 4640; 4945; 5134; 5357; 5395; 5411; 5451; 5506; 5523; 5623; 5708; 5821; 5898; 5920; 5943; 6079; 6093; 6112; 6169; 6236; 6286; 6302; 6359; 6417; 6626; 6692; 6716; 6792; 6881; 6984; 7017; 7248; 7266; 7412; 7432; 7456; 7482; 7531; 7629; 7674; 7704; 7783; 7808; 7845
LpnPI	!NNNNNNNNNNNNNCHGG	88	75; 268; 552; 722; 783; 830; 850; 882; 911; 991; 1045; 1141; 1208; 1409; 1490; 1627; 1655; 1735; 1829; 1992; 2021; 2078; 2151; 2235; 2402; 2452; 2503; 2635; 2719; 2753; 2771; 2964; 3230; 3543; 3605; 3645; 3669; 3742; 3793; 4000; 4048; 4144; 4245; 4288; 4397; 4423; 4510; 4986; 5106; 5163; 5226; 5424; 5436; 5496; 5508; 5740; 5785; 5828; 5870; 5892; 5920; 5967; 6029; 6051; 6141; 6208; 6231; 6275; 6370; 6389; 6414; 6563; 6664; 6707; 6764; 6854; 6957; 6984; 7002; 7238; 7275; 7428; 7454; 7594; 7612; 7647; 7728; 7781
Lsp1109I	GCAGCNNNNNNNN!	10	1450; 3726; 4049; 4491; 4691; 5976; 6018; 6539; 6992; 7492
Lsp1109I	!NNNNNNNNNNNGCTGC	14	623; 1506; 1530; 1770; 1875; 2391; 2907; 4168; 5185; 5850; 6034; 6127; 7193; 7399
LweI	GCATCNNNNN!	9	997; 1313; 4076; 4719; 5482; 5554; 6202; 6266; 6541
LweI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 909; 1134; 2288; 4229; 4268; 4397; 5861; 6116; 6332; 7724
MabI	A!CCWGGT	1	5492
MaeI	C!TAG	12	592; 709; 2054; 3616; 4517; 4558; 4752; 5170; 5726; 6741; 7075; 7328
MaeII	A!CGT	18	122; 134; 175; 258; 339; 444; 713; 3395; 4196; 4472; 4963; 4975; 5018; 5128; 6019; 6206; 6987; 7120
MaeIII	!GTNAC	19	61; 148; 497; 751; 877; 2260; 2743; 3540; 3552; 4119; 4691; 5192; 5204; 6023; 6329; 7019; 7285; 7401; 7464
MalI	GA!TC	38	587; 953; 1131; 1259; 1607; 1748; 1839; 1991; 2540; 2551; 2906; 2954; 3184; 3205; 3284; 3601; 3762; 3813; 4204; 4354; 4380; 4562; 5742; 5746; 5765; 6076; 6154; 6235; 6244; 6322; 6698; 6714; 7073; 7085; 7163; 7171; 7182; 7257
MaqI	CRRTGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	144; 197; 466; 540
MaqI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCAAYG	3	157; 240; 426
MauBI	CG!CGCGCG	0	
MbiI	CCG!CTC	2	5327; 6516
MbiI	GAG!CGG	4	3258; 4546; 5163; 6570
MboI	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
MboII	GAAGANNNNNNNN!	16	1488; 1813; 1847; 2506; 2559; 3019; 3354; 3709; 3859; 4144; 4257; 5159; 5387; 6264; 6474; 7093
MboII	!NNNNNNNTCTTC	16	658; 768; 785; 799; 878; 1081; 1590; 1818; 2782; 2956; 3082; 3499; 6554; 6721; 6921; 7164
McaTI	GCGC!GC	0	
MfeI	C!AATTG	4	908; 1778; 3512; 4653
MflI	R!GATCY	15	585; 1746; 2549; 3203; 3282; 3760; 3811; 4378; 6074; 6320; 6712; 7071; 7083; 7169; 7180
MhI	GDGCH!C	22	785; 822; 1029; 1593; 2235; 2630; 2807; 2987; 3771; 3808; 3895; 3922; 3955; 4532; 5094; 5849; 5942; 6016; 6206; 6268; 6978; 7511
MIsI	TGG!CCA	2	4498; 5985
MluI	A!CGCGT	0	
MluNI	TGG!CCA	2	4498; 5985
MlyI	GAGTCNNNNN!	4	2948; 4127; 4955; 5387
MlyI	!NNNNNGACTC	6	404; 671; 4548; 4962; 6568; 7445
Mly113I	GG!CGCC	1	5903
MmeI	TCCRACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	4250; 4996

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MmeI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTYGGA	5	1056; 1365; 2369; 7428; 7612
MnII	CCTCNNNNNNN!	23	615; 652; 667; 698; 880; 1497; 1604; 2582; 3301; 3701; 3734; 4001; 4180; 4195; 4411; 4522; 4622; 5686; 6504; 6710; 7024; 7394; 7718
MnII	!NNNNNNGAGG	32	541; 738; 853; 989; 1165; 1626; 1698; 2301; 2929; 3367; 3510; 3882; 3921; 3942; 3975; 4092; 4201; 4257; 4446; 4479; 4582; 5047; 5378; 5656; 5699; 5714; 5754; 5818; 5954; 6311; 6741; 7644
Mph1103I	ATGCA!T	3	5475; 5547; 7878
MreI	CG!CCGGCG	0	
MroI	T!CCGGA	0	
MroNI	G!CCGGC	3	5120; 6403; 6686
MroXI	GAANN!NNTTC	0	
MscI	TGG!CCA	2	4498; 5985
MseI	T!TAA	31	7; 965; 1556; 1966; 2062; 2120; 2137; 2174; 2435; 2588; 2711; 3200; 3479; 3674; 3857; 4082; 4538; 4604; 4665; 4786; 4807; 4818; 4830; 4841; 4858; 4956; 5227; 7046; 7060; 7065; 7117
MslI	CAYNN!NNRTG	9	365; 3038; 3408; 3583; 3731; 3832; 3871; 4276; 6340
MspI	C!CGG	24	798; 897; 3245; 3684; 3757; 3808; 3820; 4412; 5121; 5808; 5885; 5907; 5935; 6066; 6156; 6223; 6404; 6679; 6687; 6779; 7253; 7443; 7469; 7616
Msp20I	TGG!CCA	2	4498; 5985
MspA1I	CMG!CKG	9	627; 653; 2404; 3802; 4291; 5401; 6009; 7238; 7483
MspCI	C!TTAAG	1	4785
MspJI	CNNRNNNNNNNNN!	390	36; 50; 71; 97; 113; 127; 147; 167; 219; 236; 251; 290; 306; 319; 332; 352; 373; 407; 424; 449; 481; 500; 523; 548; 574; 596; 618; 638; 655; 672; 686; 709; 726; 740; 754; 780; 796; 809; 823; 836; 851; 877; 894; 909; 938; 956; 983; 1013; 1034; 1061; 1078; 1094; 1115; 1136; 1160; 1180; 1205; 1225; 1252; 1268; 1287; 1303; 1320; 1343; 1398; 1419; 1436; 1454; 1494; 1517; 1535; 1562; 1586; 1614; 1628; 1641; 1654; 1672; 1692; 1705; 1727; 1743; 1762; 1802; 1856; 1872; 1885; 1904; 1918; 1947; 1972; 2005; 2019; 2048; 2065; 2080; 2093; 2116; 2148; 2163; 2176; 2193; 2218; 2242; 2262; 2279; 2297; 2333; 2351; 2364; 2420; 2433; 2446; 2461; 2479; 2494; 2524; 2554; 2587; 2606; 2627; 2641; 2662; 2676; 2700; 2714; 2729; 2745; 2761; 2780; 2793; 2820; 2856; 2871; 2886; 2906; 2920; 2955; 2968; 2986; 3000; 3017; 3034; 3058; 3073; 3087; 3113; 3169; 3185; 3219; 3236; 3249; 3262; 3280; 3298; 3322; 3344; 3366; 3384; 3402; 3428; 3454; 3472; 3498; 3523; 3539; 3560; 3583; 3601; 3628; 3646; 3672; 3691; 3704; 3737; 3759; 3776; 3791; 3813; 3828; 3843; 3858; 3879; 3897; 3927; 3945; 3960; 3975; 3993; 4026; 4041; 4069; 4084; 4108; 4121; 4137; 4155; 4169; 4185; 4198; 4212; 4233; 4246; 4267; 4280; 4300; 4314; 4332; 4345; 4362; 4377; 4394; 4414; 4444; 4461; 4481; 4495; 4511; 4528; 4543; 4563; 4576; 4591; 4610; 4627; 4640; 4681; 4695; 4708; 4726; 4764; 4779; 4797; 4838; 4862; 4882; 4900; 4921; 4944; 4976; 4991; 5013; 5031; 5044; 5065; 5082; 5095; 5108; 5124; 5137; 5167; 5182; 5207; 5225; 5238; 5253; 5277; 5291; 5315; 5340; 5356; 5394; 5410; 5449; 5463; 5477; 5505; 5521; 5535; 5549; 5578; 5591; 5612; 5621; 5643; 5673; 5689; 5707; 5737; 5760; 5784; 5808; 5827; 5855; 5881; 5897; 5910; 5933; 5947; 5967; 5980; 5994; 6013; 6027; 6040; 6056; 6071; 6084; 6100; 6115; 6131; 6156; 6175; 6191; 6204; 6217; 6235; 6249; 6263; 6279; 6301; 6317; 6336; 6358; 6374; 6397; 6416; 6430; 6446; 6460; 6480; 6496; 6509; 6531; 6564; 6578; 6598; 6611; 6625; 6679; 6692; 6715; 6728; 6747; 6764; 6791; 6827; 6860; 6879; 6904; 6925; 6952; 6965; 6982; 6996; 7011; 7027; 7087; 7112; 7128; 7150; 7163; 7177; 7208; 7222; 7247; 7265; 7280; 7293; 7312; 7325; 7340; 7369; 7388; 7406; 7431; 7446; 7465; 7481; 7500; 7518; 7534; 7548; 7567; 7594; 7617; 7639; 7658; 7673; 7686; 7703; 7723; 7750; 7763; 7782; 7807; 7830; 7844; 7857; 7874

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspJI	!NNNNNNNNNNNNNNYNG	328	8; 35; 59; 76; 97; 123; 145; 168; 197; 221; 269; 281; 310; 330; 347; 377; 400; 437; 465; 492; 511; 531; 553; 574; 592; 612; 629; 646; 667; 695; 715; 743; 764; 783; 801; 826; 851; 868; 889; 912; 931; 952; 969; 992; 1010; 1027; 1046; 1068; 1099; 1121; 1142; 1164; 1199; 1222; 1240; 1271; 1294; 1317; 1337; 1361; 1403; 1428; 1454; 1491; 1514; 1556; 1588; 1616; 1634; 1655; 1688; 1706; 1726; 1778; 1830; 1859; 1878; 1898; 1946; 1967; 1993; 2022; 2040; 2067; 2100; 2118; 2151; 2168; 2194; 2211; 2236; 2254; 2271; 2291; 2311; 2331; 2362; 2403; 2425; 2445; 2468; 2490; 2513; 2544; 2575; 2603; 2636; 2658; 2675; 2698; 2715; 2735; 2754; 2772; 2794; 2816; 2855; 2894; 2914; 2931; 2953; 2974; 3003; 3026; 3048; 3079; 3109; 3128; 3158; 3178; 3199; 3223; 3241; 3262; 3279; 3301; 3319; 3336; 3353; 3376; 3396; 3427; 3445; 3487; 3524; 3543; 3565; 3593; 3620; 3646; 3665; 3689; 3713; 3734; 3752; 3770; 3787; 3806; 3826; 3844; 3871; 3901; 3925; 3943; 3967; 3986; 4008; 4048; 4069; 4095; 4115; 4144; 4186; 4220; 4241; 4261; 4288; 4306; 4323; 4341; 4369; 4390; 4409; 4435; 4457; 4480; 4503; 4529; 4555; 4584; 4613; 4655; 4738; 4773; 4800; 4823; 4852; 4896; 4918; 4950; 4986; 5003; 5024; 5061; 5081; 5098; 5115; 5150; 5168; 5186; 5203; 5227; 5249; 5276; 5304; 5330; 5368; 5389; 5406; 5424; 5447; 5468; 5496; 5519; 5540; 5558; 5579; 5596; 5619; 5643; 5663; 5681; 5703; 5734; 5756; 5782; 5801; 5818; 5846; 5865; 5884; 5902; 5920; 5941; 5963; 5987; 6020; 6040; 6058; 6079; 6105; 6132; 6149; 6166; 6183; 6209; 6231; 6253; 6271; 6291; 6310; 6332; 6370; 6390; 6414; 6434; 6454; 6481; 6505; 6538; 6557; 6585; 6607; 6636; 6664; 6689; 6708; 6727; 6748; 6765; 6782; 6813; 6840; 6860; 6883; 6903; 6940; 6957; 6976; 7002; 7022; 7061; 7088; 7107; 7125; 7162; 7180; 7221; 7239; 7265; 7282; 7314; 7343; 7371; 7392; 7415; 7434; 7455; 7473; 7490; 7508; 7534; 7555; 7575; 7595; 7613; 7634; 7660; 7677; 7696; 7715; 7744; 7763; 7781; 7800; 7818; 7836; 7859
MspR9I	CC!NGG	34	90; 283; 798; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3246; 3558; 3758; 3808; 3809; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 4412; 5439; 5494; 5511; 5907; 6067; 6290; 6680; 6869; 6972; 7444; 7662; 7675; 7796
MssI	GTTT!AAAC	0	
MunI	C!AATTG	4	908; 1778; 3512; 4653
MvaI	CC!WGG	24	90; 283; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3558; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 5439; 5494; 5511; 6290; 6869; 6972; 7662; 7675; 7796
MvaI269I	GAATGCN!	1	4654
MvaI269I	G!CATTC	2	3563; 4747
MvnI	CG!CG	20	60; 627; 653; 698; 790; 3802; 4552; 4827; 5203; 5223; 5247; 5278; 5969; 6270; 6708; 6792; 6855; 6924; 7197; 7778
MvrI	CGAT!CG	0	
MwoI	GCNNNNN!NNGC	36	90; 212; 244; 283; 376; 400; 633; 826; 1245; 1619; 1783; 2620; 2917; 3255; 3616; 3876; 4307; 5130; 5160; 5187; 5229; 5470; 5542; 5593; 5672; 5894; 5978; 6001; 6140; 6263; 6346; 6613; 6800; 7004; 7203; 7775
NaeI	GCC!GGC	3	5122; 6405; 6688
NarI	GG!CGCC	1	5903
NciI	CC!SGG	10	798; 3246; 3758; 3808; 3809; 4412; 5907; 6067; 6680; 7444
NcoI	C!CATGG	4	360; 3830; 5632; 6335
NdeI	CA!TATG	2	234; 1791
NdeII	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
NgoAVIII	GACNNNNNTGANNNNNNNNNNNN!	4	280; 1709; 2508; 3443
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNTCANNNNNGTC	1	3959
NgoAVIII	TCANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	1	3995
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNGACNNNNNTGA	4	244; 1673; 2472; 3407
NgoMIV	G!CCGGC	3	5120; 6403; 6686
NheI	G!CTAGC	0	
NlaIII	CATG!	31	304; 364; 1085; 1127; 1485; 1605; 1902; 2277; 3582; 3730; 3834; 3870; 3876; 3888; 3966; 4032; 4112; 4323; 5333; 5473; 5545; 5636; 5777; 6122; 6308; 6339; 6365; 6721; 7105; 7825; 7876

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
NlaIV	GGN!NCC	29	467; 603; 648; 741; 901; 1932; 2254; 2613; 3262; 3682; 3798; 3806; 3813; 3894; 3954; 4345; 5058; 5079; 5091; 5282; 5443; 5515; 5904; 5939; 6787; 6866; 6911; 7754; 7793
NlaCI	CATCACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	3294; 4735; 5050; 6642
NlaCI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGATG	4	347; 1382; 4219; 7714
Nli3877I	CYCGR!G	5	676; 746; 2947; 3768; 3811
NmeAIII	GCCGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	753; 5692; 6128
NmeAIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCGGC	3	586; 4235; 5657
NmeDI	RCCGGYNNNNNN!	6	908; 3831; 5132; 6234; 6415; 6698
NmeDI	!NNNNNNNNNNNNRCCGGY	6	883; 3806; 5107; 6209; 6390; 6673
NmuCI	!GTSAC	8	877; 2260; 2743; 3552; 4119; 5192; 6023; 6329
NotI	GC!GGCCGC	1	4547
NruI	TCG!CGA	0	
NsbI	TGC!GCA	1	6005
NsiI	ATGCA!T	3	5475; 5547; 7878
NspI	RCATG!Y	8	1085; 1485; 1902; 3870; 5473; 5545; 6308; 7825
NspV	TT!CGAA	2	3778; 6585
OliI	CACNN!NNGTG	1	3832
PabI	GTA!C	19	220; 245; 300; 333; 384; 541; 604; 734; 1037; 1209; 2051; 2160; 3395; 3659; 3799; 3884; 4034; 4286; 6210
PacI	TTAAT!TAA	0	
PaeI	GCATG!C	4	1902; 5473; 5545; 6308
PaeR7I	C!TCGAG	2	2943; 3764
PagI	T!CATGA	3	3726; 5329; 7101
PalAI	GG!CGCGCC	0	
PasI	CC!CWGGG	3	4062; 6868; 6971
PauI	G!CGCGC	0	
PceI	AGG!CCT	1	5724
PciI	A!CATGT	2	1481; 7821
PciSI	GCTCTTCN!	0	
PciSI	!NNNNGAAGAGC	3	3842; 6247; 6457
PcsI	WCGNNNN!NNNCGW	8	764; 4481; 6197; 6274; 6517; 6591; 6984; 7502
PctI	GAATGCN!	1	4654
PctI	G!CATTC	2	3563; 4747
PdiI	GCC!GGC	3	5122; 6405; 6688
PdmI	GAANN!NNTTC	0	
PfeI	G!AWTC	13	1175; 2335; 2598; 2970; 3444; 3504; 3968; 4445; 6388; 6522; 6632; 6669; 7847
Pfi23II	C!GTACG	0	
PfifI	GACN!NNGTC	2	2500; 6021
Pfimi	CCANNNN!NTGG	3	1635; 1912; 4437
PfoI	T!CCNGGA	4	796; 3756; 4172; 6678
PhoI	GG!CC	36	84; 277; 656; 740; 1021; 2011; 3021; 3099; 3687; 3806; 3989; 4232; 4267; 4301; 4324; 4346; 4456; 4498; 4549; 4869; 5011; 5666; 5672; 5681; 5724; 5811; 5985; 6376; 6403; 6912; 6969; 7002; 7347; 7781; 7799; 7810
PinAI	A!CCGGT	1	3819
PlaDI	CATCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	999; 6284
PlaDI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGATG	5	1128; 1596; 2276; 5849; 6104
PleI	GAGTCNNNN!	5	2947; 2954; 4126; 4954; 5386
PleI	!NNNNNGACTC	6	404; 671; 4548; 4962; 6568; 7445
Ple19I	CGAT!CG	0	
PmaCI	CAC!GTG	0	
PmeI	GTTT!AAAC	0	
PmlI	CAC!GTG	0	
PpiI	GAACNNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	2	1503; 4985
PpiI	!NNNNNNNNGAGNNNNNGTTC	1	7115
PpiI	GAGNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	1	7147
PpiI	!NNNNNNNGAACNNNNNCTC	2	1471; 4953
Ppsi	GAGTCNNNN!	5	2947; 2954; 4126; 4954; 5386
Ppsi	!NNNNNGACTC	6	404; 671; 4548; 4962; 6568; 7445
Ppu10I	A!TGCAT	3	5471; 5543; 7874
Ppu21I	YAC!GTR	4	340; 3396; 5019; 6207
PpuMI	RG!GWCCY	2	867; 2252
PscI	A!CATGT	2	1481; 7821
PshAI	GACNN!NNGTC	1	4471

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PshBI	AT!TAAT	2	7; 1556
PsiI	TTA!TAA	3	3500; 4686; 4891
Psp03I	GGWC!C	12	649; 870; 1222; 1755; 2255; 3061; 3157; 3264; 3684; 4431; 6422; 6867
Psp51I	RG!GWCCY	2	867; 2252
Psp6I	!CCWGG	24	88; 281; 843; 1221; 1754; 2091; 2164; 2180; 2732; 3556; 4013; 4061; 4157; 4172; 4301; 5437; 5492; 5509; 6288; 6867; 6970; 7660; 7673; 7794
Psp1406I	AA!CGTT	0	
Psp124BI	GAGCT!C	3	822; 2630; 3771
PspCI	CAC!GTG	0	
PspEI	G!GTNACC	1	3540
PspGI	!CCWGG	24	88; 281; 843; 1221; 1754; 2091; 2164; 2180; 2732; 3556; 4013; 4061; 4157; 4172; 4301; 5437; 5492; 5509; 6288; 6867; 6970; 7660; 7673; 7794
PspLI	C!GTACG	0	
PspN4I	GGN!NCC	29	467; 603; 648; 741; 901; 1932; 2254; 2613; 3262; 3682; 3798; 3806; 3813; 3894; 3954; 4345; 5058; 5079; 5091; 5282; 5443; 5515; 5904; 5939; 6787; 6866; 6911; 7754; 7793
PspOMI	G!GGCCC	1	3804
PspOMII	CGCCARNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	125; 5633; 6632
PspOMII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNYTGGGCG	1	6035
PspPI	G!GNCC	26	83; 276; 646; 739; 867; 1219; 1752; 2009; 2252; 3019; 3058; 3154; 3261; 3681; 3805; 3988; 4231; 4323; 4344; 4428; 5010; 6419; 6864; 6910; 6968; 7001
PspPPI	RG!GWCCY	2	867; 2252
PspPRI	CCYAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	3311; 5456; 5528; 7034
PspPRI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGRGG	5	3544; 4083; 4511; 5369; 6564
PspXI	VC!TCGAGB	0	
PsrI	GAACNNNNNTACNNNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGTANNNNNNGTTC	0	
PsrI	GTANNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGAACNNNNNNNTAC	0	
PssI	RGGNC!CY	3	870; 2255; 7004
PstI	CTGCA!G	3	2651; 2925; 3789
PstNI	CAGNNN!CTG	4	2407; 4505; 7004; 7412
PsuI	R!GATCY	15	585; 1746; 2549; 3203; 3282; 3760; 3811; 4378; 6074; 6320; 6712; 7071; 7083; 7169; 7180
PsyI	GACN!NNGTC	2	2500; 6021
PteI	G!CGCGC	0	
PvuI	CGAT!CG	0	
PvuII	CAG!CTG	3	2404; 5401; 6009
RcaI	T!CATGA	3	3726; 5329; 7101
RceI	CATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6418
RceI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGATG	0	
RgaI	GCGAT!CGC	0	
RigI	GGCCGG!CC	0	
RleAI	CCCACANNNNNNNNNNNNNN!	1	4632
RleAI	!NNNNNNNNNTGTGGG	1	3583
RpaBI	CCCGCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaBI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGCGGG	1	2307
RpaB5I	CGRGGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaB5I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCCYCG	1	628
RruI	TCG!CGA	0	
RsaI	GT!AC	19	219; 244; 299; 332; 383; 540; 603; 733; 1036; 1208; 2050; 2159; 3394; 3658; 3798; 3883; 4033; 4285; 6209
RsaNI	G!TAC	19	218; 243; 298; 331; 382; 539; 602; 732; 1035; 1207; 2049; 2158; 3393; 3657; 3797; 3882; 4032; 4284; 6208
RseI	CAYNN!NNRTG	9	365; 3038; 3408; 3583; 3731; 3832; 3871; 4276; 6340
RsrII	CG!GWCCG	1	6419
Rsr2I	CG!GWCCG	1	6419
SacI	GAGCT!C	3	822; 2630; 3771
SacII	CCGC!GG	3	628; 654; 3803
SalI	G!TCGAC	3	595; 2462; 3790
SapI	GCTCTCN!	0	
SapI	!NNNNGAAGAGC	3	3842; 6247; 6457

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SaqAI	T!TAA	31	7; 965; 1556; 1966; 2062; 2120; 2137; 2174; 2435; 2588; 2711; 3200; 3479; 3674; 3857; 4082; 4538; 4604; 4665; 4786; 4807; 4818; 4830; 4841; 4858; 4956; 5227; 7046; 7060; 7065; 7117
SatI	GC!NGC	46	625; 628; 637; 654; 696; 1439; 1520; 1544; 1784; 1889; 2405; 2921; 3715; 3987; 4038; 4182; 4299; 4480; 4550; 4680; 5199; 5221; 5235; 5673; 5812; 5864; 5875; 5965; 5970; 6007; 6048; 6135; 6141; 6377; 6473; 6514; 6528; 6642; 6981; 6996; 7207; 7413; 7416; 7481; 7624; 7779
Sau96I	G!GNCC	26	83; 276; 646; 739; 867; 1219; 1752; 2009; 2252; 3019; 3058; 3154; 3261; 3681; 3805; 3988; 4231; 4323; 4344; 4428; 5010; 6419; 6864; 6910; 6968; 7001
Sau3AI	!GATC	38	585; 951; 1129; 1257; 1605; 1746; 1837; 1989; 2538; 2549; 2904; 2952; 3182; 3203; 3282; 3599; 3760; 3811; 4202; 4352; 4378; 4560; 5740; 5744; 5763; 6074; 6152; 6233; 6242; 6320; 6696; 6712; 7071; 7083; 7161; 7169; 7180; 7255
SbfI	CCTGCA!GG	0	
ScaI	AGT!ACT	3	733; 1208; 2159
SchI	GAGTCNNNNN!	4	2948; 4127; 4955; 5387
SchI	!NNNNNGACTC	6	404; 671; 4548; 4962; 6568; 7445
SciI	CTC!GAG	2	2945; 3766
ScrFI	CC!NGG	34	90; 283; 798; 845; 1223; 1756; 2093; 2166; 2182; 2734; 3246; 3558; 3758; 3808; 3809; 4015; 4063; 4159; 4174; 4303; 4412; 5439; 5494; 5511; 5907; 6067; 6290; 6680; 6869; 6972; 7444; 7662; 7675; 7796
SdaI	CCTGCA!GG	0	
SdeAI	CAGRAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	9	1086; 1450; 1696; 4269; 4337; 5481; 5553; 5722; 7664
SdeAI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTYCTG	4	659; 2808; 6058; 6543
SdeOSI	GACNNNNRTGANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	279; 2507; 3442
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNTCAYNNNNNGTC	0	
SdeOSI	TCAYNNNNNGTCNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNGACNNNNNRTGA	3	245; 2473; 3408
SduI	GDGCH!C	22	785; 822; 1029; 1593; 2235; 2630; 2807; 2987; 3771; 3808; 3895; 3922; 3955; 4532; 5094; 5849; 5942; 6016; 6206; 6268; 6978; 7511
SelI	!CGCG	20	58; 625; 651; 696; 788; 3800; 4550; 4825; 5201; 5221; 5245; 5276; 5967; 6268; 6706; 6790; 6853; 6922; 7195; 7776
SetI	ASST!	110	125; 137; 178; 261; 308; 342; 447; 552; 568; 607; 690; 710; 716; 822; 869; 1000; 1200; 1231; 1245; 1250; 1347; 1363; 1545; 1596; 1637; 1646; 1668; 1694; 1709; 1737; 1912; 1980; 1998; 2083; 2103; 2131; 2186; 2254; 2406; 2519; 2613; 2625; 2630; 2738; 2750; 2787; 2860; 2922; 3047; 3255; 3398; 3559; 3693; 3719; 3726; 3771; 3777; 3854; 3881; 3977; 4027; 4048; 4199; 4334; 4352; 4403; 4471; 4475; 4490; 4514; 4593; 4614; 4623; 4635; 4684; 4851; 4966; 4978; 5021; 5058; 5108; 5131; 5255; 5403; 5498; 5691; 5804; 5932; 6011; 6022; 6094; 6165; 6209; 6469; 6615; 6659; 6990; 7021; 7080; 7123; 7266; 7287; 7386; 7523; 7538; 7557; 7569; 7613; 7659; 7710
SexAI	A!CCWGGT	1	5492
SfaAI	GCGAT!CGC	0	
SfaNI	GCATCNNNNN!	9	997; 1313; 4076; 4719; 5482; 5554; 6202; 6266; 6541
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 909; 1134; 2288; 4229; 4268; 4397; 5861; 6116; 6332; 7724
SfcI	C!TRYAG	10	1538; 1657; 2244; 2528; 2647; 2921; 3785; 5238; 7365; 7556
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	5678
SfoI	GGC!GCC	1	5904
Sfr274I	C!TCGAG	2	2943; 3764
Sfr303I	CCGC!GG	3	628; 654; 3803
SfuI	TT!CGAA	2	3778; 6585

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SgeI	CNNGNNNNNNNNNN!	282	6; 36; 71; 97; 123; 223; 236; 252; 290; 307; 336; 373; 407; 426; 491; 548; 579; 604; 618; 638; 655; 672; 686; 709; 726; 741; 754; 780; 797; 810; 823; 852; 877; 894; 909; 938; 957; 1018; 1034; 1072; 1094; 1136; 1168; 1225; 1252; 1273; 1320; 1343; 1436; 1454; 1494; 1517; 1614; 1642; 1682; 1727; 1762; 1856; 1885; 1904; 1919; 1972; 2005; 2019; 2048; 2066; 2080; 2093; 2126; 2177; 2193; 2220; 2242; 2262; 2280; 2297; 2341; 2429; 2451; 2479; 2494; 2526; 2614; 2662; 2676; 2705; 2741; 2761; 2780; 2798; 2820; 2896; 2920; 2955; 2991; 3010; 3034; 3074; 3087; 3249; 3262; 3292; 3351; 3367; 3402; 3569; 3583; 3601; 3628; 3646; 3672; 3691; 3706; 3739; 3769; 3784; 3813; 3832; 3879; 3897; 3927; 3951; 3969; 3984; 4026; 4041; 4074; 4108; 4121; 4149; 4170; 4185; 4212; 4246; 4267; 4287; 4300; 4314; 4332; 4345; 4362; 4377; 4395; 4416; 4450; 4488; 4511; 4529; 4563; 4610; 4639; 4681; 4764; 4838; 4922; 4944; 4976; 5013; 5031; 5050; 5065; 5107; 5124; 5141; 5176; 5190; 5207; 5229; 5253; 5277; 5342; 5356; 5394; 5410; 5450; 5463; 5482; 5505; 5522; 5535; 5554; 5584; 5605; 5622; 5645; 5680; 5707; 5738; 5760; 5786; 5808; 5827; 5855; 5891; 5910; 5933; 5947; 5967; 5980; 5994; 6013; 6027; 6046; 6078; 6092; 6105; 6131; 6162; 6175; 6192; 6209; 6223; 6240; 6258; 6273; 6301; 6317; 6336; 6358; 6374; 6397; 6416; 6441; 6460; 6480; 6507; 6531; 6564; 6583; 6611; 6625; 6691; 6715; 6730; 6753; 6774; 6791; 6839; 6866; 6880; 6909; 6933; 6966; 6983; 7003; 7016; 7029; 7087; 7114; 7133; 7163; 7188; 7208; 7222; 7247; 7265; 7302; 7340; 7369; 7397; 7411; 7431; 7446; 7467; 7481; 7500; 7518; 7534; 7574; 7594; 7621; 7639; 7660; 7673; 7686; 7703; 7727; 7750; 7782; 7807; 7834; 7856
SgeI	!NNNNNNNNNNNNNCNNG	246	10; 45; 71; 97; 197; 226; 264; 281; 310; 347; 381; 400; 465; 522; 553; 578; 612; 629; 646; 667; 695; 715; 754; 771; 797; 826; 851; 868; 889; 912; 931; 992; 1046; 1068; 1110; 1142; 1199; 1226; 1247; 1294; 1317; 1410; 1428; 1468; 1491; 1588; 1616; 1656; 1701; 1736; 1830; 1859; 1878; 1946; 1979; 1998; 2022; 2040; 2067; 2100; 2151; 2168; 2194; 2216; 2236; 2254; 2271; 2315; 2403; 2425; 2453; 2500; 2588; 2636; 2679; 2715; 2735; 2754; 2772; 2794; 2870; 2894; 2929; 2965; 2984; 3008; 3048; 3223; 3245; 3266; 3325; 3376; 3543; 3565; 3602; 3620; 3646; 3665; 3689; 3713; 3743; 3787; 3806; 3853; 3871; 3901; 3925; 3943; 3967; 4000; 4048; 4082; 4123; 4144; 4186; 4220; 4241; 4261; 4288; 4306; 4327; 4351; 4369; 4390; 4424; 4462; 4485; 4503; 4537; 4584; 4613; 4655; 4738; 4812; 4896; 4918; 4950; 4987; 5005; 5024; 5081; 5098; 5115; 5150; 5168; 5188; 5208; 5227; 5251; 5316; 5368; 5424; 5456; 5479; 5496; 5528; 5558; 5579; 5596; 5619; 5654; 5681; 5712; 5734; 5760; 5782; 5801; 5829; 5865; 5884; 5907; 5928; 5946; 5963; 5987; 6020; 6052; 6079; 6105; 6136; 6166; 6183; 6209; 6232; 6253; 6275; 6295; 6315; 6332; 6371; 6390; 6415; 6434; 6454; 6481; 6505; 6538; 6557; 6585; 6607; 6665; 6689; 6708; 6727; 6748; 6765; 6813; 6840; 6860; 6883; 6907; 6940; 6957; 6977; 7003; 7061; 7088; 7107; 7137; 7162; 7182; 7221; 7239; 7276; 7314; 7343; 7371; 7392; 7420; 7441; 7474; 7492; 7548; 7568; 7595; 7613; 7634; 7660; 7677; 7701; 7724; 7756; 7781; 7808; 7830; 7859
Sgfl	GCGAT!CGC	0	
SgrAI	CR!CCGGYG	1	896
SgrBI	CCGC!GG	3	628; 654; 3803
SgrDI	CG!TCGACG	0	
SgsI	GG!CGCGCC	0	
SimI	GG!GTC	5	27; 3681; 5050; 6837; 7630
SimI	!GACCC	5	106; 1287; 6331; 6899; 7147
SinI	G!GWCC	12	646; 867; 1219; 1752; 2252; 3058; 3154; 3261; 3681; 4428; 6419; 6864
SlaI	C!TCGAG	2	2943; 3764
SmaI	CCC!GGG	1	3809
SmiI	ATTT!AAAT	0	
SmiMI	CAYNN!NNRTG	9	365; 3038; 3408; 3583; 3731; 3832; 3871; 4276; 6340
SmlI	C!TYRAG	11	2206; 2943; 3692; 3764; 3770; 4402; 4785; 6294; 7176; 7453; 7715
SmoI	C!TYRAG	11	2206; 2943; 3692; 3764; 3770; 4402; 4785; 6294; 7176; 7453; 7715
SmuI	CCCGCNNNN!	13	93; 119; 286; 658; 668; 901; 4296; 4398; 5225; 5580; 5601; 6797; 6929

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SmuI	!NNNNNNGCGGG	10	2321; 3251; 3272; 3795; 4333; 5156; 6026; 6563; 6701; 6848
SnaBI	TAC!GTA	2	340; 3396
SpeI	A!CTAGT	0	
SphI	GCATG!C	4	1902; 5473; 5545; 6308
SrfI	GCCC!GGGC	0	
Sse9I	!AATT	29	18; 908; 913; 961; 1013; 1321; 1497; 1778; 1814; 1967; 2175; 2222; 2311; 2341; 2363; 2836; 3197; 3512; 3780; 4539; 4653; 4717; 4795; 4821; 4832; 5479; 5551; 5643; 7061
Sse8387I	CCTGCA!GG	0	
Sse8647I	AG!GWCCT	1	867
SseBI	AGG!CCT	1	5724
SsiI	C!CGC	42	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 622; 625; 651; 661; 696; 894; 3800; 4151; 4289; 4391; 4550; 5218; 5221; 5235; 5325; 5573; 5585; 5594; 5606; 5616; 5627; 5673; 5812; 5875; 6377; 6422; 6488; 6514; 6639; 6642; 6790; 6922; 7229; 7373; 7869
SsiI	G!CGG	33	370; 403; 528; 627; 653; 2328; 3258; 3279; 3802; 3986; 4298; 4340; 4546; 5163; 5190; 5278; 5388; 5969; 6033; 6134; 6137; 6417; 6472; 6570; 6708; 6855; 6995; 7238; 7483; 7604; 7623; 7750; 7778
SspI	AAT!ATT	2	4811; 5364
SspDI	G!GCGCC	1	5902
SspD5I	GGTGANNNNNNN!	10	376; 1411; 1810; 2503; 3265; 3609; 3748; 4224; 6974; 7090
SspD5I	!NNNNNNNNNTCACC	5	3515; 3545; 4112; 5019; 6080
SstI	GAGCT!C	3	822; 2630; 3771
SstII	CCGC!GG	3	628; 654; 3803
SstE37I	CGAAGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	4157
SstE37I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCTTCG	1	2770
Sth132I	CCCGNNNN!	25	92; 118; 285; 657; 667; 749; 804; 900; 3814; 4079; 4295; 4397; 4418; 5102; 5224; 5579; 5600; 5913; 6316; 6455; 6526; 6796; 6928; 7158; 7596
Sth132I	!NNNNNNNNNCGGG	29	15; 407; 470; 665; 2320; 2655; 3237; 3250; 3271; 3670; 3749; 3794; 4128; 4332; 5103; 5155; 5256; 5983; 6025; 6058; 6562; 6671; 6700; 6847; 6951; 6982; 7435; 7479; 7687
Sth302II	CC!GG	24	799; 898; 3246; 3685; 3758; 3809; 3821; 4413; 5122; 5809; 5886; 5908; 5936; 6067; 6157; 6224; 6405; 6680; 6688; 6780; 7254; 7444; 7470; 7617
StrI	C!TCGAG	2	2943; 3764
StsI	GGATGNNNNNNNNNN!	10	814; 962; 1772; 2345; 2576; 3676; 5771; 6228; 6253; 6707
StsI	!NNNNNNNNNNNNNNNCATCC	5	3908; 3996; 4053; 4208; 5575
StuI	AGG!CCT	1	5724
StyI	C!CWVGG	8	360; 944; 2748; 3830; 5632; 5725; 6335; 6740
StyD4I	!CCNGG	34	88; 281; 796; 843; 1221; 1754; 2091; 2164; 2180; 2732; 3244; 3556; 3756; 3806; 3807; 4013; 4061; 4157; 4172; 4301; 4410; 5437; 5492; 5509; 5905; 6065; 6288; 6678; 6867; 6970; 7442; 7660; 7673; 7794
SwaI	ATTT!AAT	0	
TaaI	ACN!GT	24	76; 198; 269; 543; 581; 601; 721; 1110; 1718; 2028; 2237; 2488; 3240; 3410; 3796; 3897; 4994; 6283; 6399; 6507; 6830; 7321; 7791; 7862
TaiI	ACGT!	18	125; 137; 178; 261; 342; 447; 716; 3398; 4199; 4475; 4966; 4978; 5021; 5131; 6022; 6209; 6990; 7123
TaqI	T!CGA	24	596; 1000; 1893; 1992; 2226; 2463; 2944; 3765; 3778; 3791; 3980; 4007; 4475; 5052; 5743; 6016; 6172; 6196; 6232; 6394; 6585; 6630; 6885; 7723
TaqII	GACCGANNNNNNNNN!	3	4923; 5940; 6608
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	2	634; 6852
TaqII	CACCCANNNNNNNNN!	3	853; 3970; 4075
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	4	172; 3585; 5807; 6399
TasI	!AATT	29	18; 908; 913; 961; 1013; 1321; 1497; 1778; 1814; 1967; 2175; 2222; 2311; 2341; 2363; 2836; 3197; 3512; 3780; 4539; 4653; 4717; 4795; 4821; 4832; 5479; 5551; 5643; 7061
TatI	W!GTACW	9	217; 297; 330; 381; 731; 1206; 2157; 3656; 3881
TauI	GCSG!C	22	627; 630; 656; 698; 3989; 4301; 4552; 5223; 5237; 5675; 5814; 5877; 5972; 6137; 6140; 6379; 6475; 6516; 6644; 6998; 7626; 7781
TfiI	G!AWTC	13	1175; 2335; 2598; 2970; 3444; 3504; 3968; 4445; 6388; 6522; 6632; 6669; 7847
TliI	C!TCGAG	2	2943; 3764

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
TruI	T!TAA	31	7; 965; 1556; 1966; 2062; 2120; 2137; 2174; 2435; 2588; 2711; 3200; 3479; 3674; 3857; 4082; 4538; 4604; 4665; 4786; 4807; 4818; 4830; 4841; 4858; 4956; 5227; 7046; 7060; 7065; 7117
Tru9I	T!TAA	31	7; 965; 1556; 1966; 2062; 2120; 2137; 2174; 2435; 2588; 2711; 3200; 3479; 3674; 3857; 4082; 4538; 4604; 4665; 4786; 4807; 4818; 4830; 4841; 4858; 4956; 5227; 7046; 7060; 7065; 7117
TscAI	CASTGNN!	19	982; 1554; 1655; 1731; 1888; 2031; 2093; 2240; 2308; 2651; 2805; 3100; 3300; 3340; 4749; 6032; 7142; 7413; 7426
TseI	G!CWGC	25	636; 1438; 1519; 1543; 1783; 1888; 2404; 2920; 3714; 4037; 4181; 4479; 4679; 5198; 5863; 5964; 6006; 6047; 6140; 6527; 6980; 7206; 7412; 7415; 7480
TsoI	TARCCANNNNNNNNNN!	4	1333; 2452; 4875; 5222
TsoI	!NNNNNNNNNTGGYTA	5	1904; 3529; 4006; 4680; 6432
Tsp45I	!GTSAC	8	877; 2260; 2743; 3552; 4119; 5192; 6023; 6329
Tsp509I	!AATT	29	18; 908; 913; 961; 1013; 1321; 1497; 1778; 1814; 1967; 2175; 2222; 2311; 2341; 2363; 2836; 3197; 3512; 3780; 4539; 4653; 4717; 4795; 4821; 4832; 5479; 5551; 5643; 7061
TspDTI	ATGAANNNNNNNNNN!	12	1069; 1939; 2348; 2696; 2776; 3175; 3442; 3743; 3889; 4661; 5962; 6666
TspDTI	!NNNNNNNNNTTCAT	11	26; 1590; 2649; 3056; 3127; 3464; 4017; 4038; 6380; 6836; 7043
TspEI	!AATT	29	18; 908; 913; 961; 1013; 1321; 1497; 1778; 1814; 1967; 2175; 2222; 2311; 2341; 2363; 2836; 3197; 3512; 3780; 4539; 4653; 4717; 4795; 4821; 4832; 5479; 5551; 5643; 7061
TspGWI	ACGGANNNNNNNNNN!	1	6778
TspGWI	!NNNNNNNNNTCCGT	0	
TspMI	C!CCGGG	1	3807
TspRI	CASTGNN!	19	982; 1554; 1655; 1731; 1888; 2031; 2093; 2240; 2308; 2651; 2805; 3100; 3300; 3340; 4749; 6032; 7142; 7413; 7426
TstI	CACNNNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	0	
TstI	!NNNNNNNGGANNNNNNGTG	1	977
TstI	GGANNNNNGTGNNNNNNNNNN!	1	1009
TstI	!NNNNNNNACACNNNNNTCC	0	
Tth111I	GACN!NNGTC	2	2500; 6021
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	4	846; 2224; 3233; 7230
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	4	3327; 6338; 7198; 7237
UnbI	!GGNCC	26	82; 275; 645; 738; 866; 1218; 1751; 2008; 2251; 3018; 3057; 3153; 3260; 3680; 3804; 3987; 4230; 4322; 4343; 4427; 5009; 6418; 6863; 6909; 6967; 7000
Van9II	CCANNNN!NTGG	3	1635; 1912; 4437
Vha464I	C!TTAAG	1	4785
VneI	G!TGCAC	3	2803; 3918; 7507
VpaK11AI	!GGWCC	12	645; 866; 1218; 1751; 2251; 3057; 3153; 3260; 3680; 4427; 6418; 6863
VpaK11BI	G!GWCC	12	646; 867; 1219; 1752; 2252; 3058; 3154; 3261; 3681; 4428; 6419; 6864
VspI	AT!TAAT	2	7; 1556
XagI	CCTNN!NNNAGG	0	
XapI	R!AATTY	9	913; 961; 1013; 2341; 2836; 3780; 4717; 4821; 4832
XbaI	T!CTAGA	1	4557
XceI	RCATG!Y	8	1085; 1485; 1902; 3870; 5473; 5545; 6308; 7825
XcmI	CCANNNN!NNNTGG	4	979; 1037; 1737; 3534
XhoI	C!TCGAG	2	2943; 3764
XhoII	R!GATCY	15	585; 1746; 2549; 3203; 3282; 3760; 3811; 4378; 6074; 6320; 6712; 7071; 7083; 7169; 7180
XmaI	C!CCGGG	1	3807
XmaJI	C!CTAGG	2	5725; 6740
XmiI	GT!MKAC	4	596; 2463; 3791; 4418
XmnI	GAANN!NNTTC	0	
XspI	C!TAG	12	592; 709; 2054; 3616; 4517; 4558; 4752; 5170; 5726; 6741; 7075; 7328
ZraI	GAC!GTC	4	123; 176; 259; 445
ZrmI	AGT!ACT	3	733; 1208; 2159
Zsp2I	ATGCA!T	3	5475; 5547; 7878