

pTagRFP-FAK vector

Table of restriction sites

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AanI	TTA!TAA	2	4674; 4879
AarI	CACCTGCNNNN!	0	
AarI	!NNNNNNNNGCAGGTG	1	1776
AasI	GACNNNN!NNGTC	3	4962; 5918; 7707
AatI	AGG!CCT	2	3489; 5712
AatII	GACGT!C	4	125; 178; 261; 447
AbsI	CC!TCGAGG	0	
AccI	GT!MKAC	2	1199; 3330
AccII	CG!CG	16	60; 4006; 4779; 4815; 5191; 5211; 5235; 5266; 5957; 6258; 6696; 6780; 6843; 6912; 7185; 7766
AccIII	T!CCGGA	2	1324; 2667
Acc16I	TGC!GCA	1	5993
Acc36I	ACCTGCNNNN!	3	1730; 6159; 6609
Acc36I	!NNNNNNNNGCAGGT	3	1776; 3729; 5778
Acc65I	G!GTACC	1	1718
AccB1I	G!GYRCC	7	465; 673; 733; 1718; 5044; 5890; 5925
AccB7I	CCANNNN!NTGG	2	1218; 3311
AccBSI	CCG!CTC	4	3955; 4097; 5315; 6504
AccBSI	GAG!CGG	3	3255; 5151; 6558
AceIII	CAGCTCNNNNNNN!	2	4184; 4847
AceIII	!NNNNNNNNNNGAGCTG	3	552; 619; 2137
AciI	C!CGC	37	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 932; 1070; 1172; 3953; 4095; 4177; 5206; 5209; 5223; 5313; 5561; 5573; 5582; 5594; 5604; 5615; 5661; 5800; 5863; 6365; 6410; 6476; 6502; 6627; 6630; 6778; 6910; 7217; 7361; 7857
AciI	G!CGG	28	370; 403; 528; 767; 1079; 1121; 3255; 3855; 5151; 5178; 5266; 5376; 5957; 6021; 6122; 6125; 6405; 6460; 6558; 6696; 6843; 6983; 7226; 7471; 7592; 7611; 7738; 7766
AclI	AA!CGTT	0	
AclWI	GGATCNNNN!	11	3465; 3650; 4534; 4543; 5759; 6070; 6316; 6708; 7067; 7165; 7251
AclWI	!NNNNNGATCC	11	580; 1154; 1351; 1865; 2067; 3174; 4521; 6135; 6679; 7066; 7163
AcoI	Y!GGCCR	7	1277; 2465; 4082; 5797; 5971; 6362; 6389
AcsI	R!AATY	11	1666; 1712; 1770; 2062; 2585; 2654; 2881; 4512; 4705; 4809; 4820
AcuI	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNN!	4	1129; 2311; 6037; 6469
AcuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	1	7267
AcvI	CAC!GTG	0	
AcyI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 1196; 5891; 6593; 6672
AdeI	CACNNN!GTG	4	1269; 1566; 2787; 5007
AfaI	GT!AC	23	219; 244; 299; 332; 383; 540; 664; 814; 1066; 1407; 1720; 2089; 2234; 2844; 2966; 3060; 3369; 3548; 3725; 4189; 4360; 4387; 6197
AfeI	AGC!GCT	1	596
AfiI	CCNNNNN!NNGG	32	49; 730; 843; 1009; 1075; 1218; 1586; 1641; 2170; 3048; 3208; 3311; 3506; 3518; 3979; 3993; 4380; 4903; 5229; 5621; 5872; 6416; 6697; 6729; 6861; 6896; 6946; 6978; 7331; 7610; 7776; 7794
AfiII	C!TTAAG	0	
AfiIII	A!CRYGT	3	2701; 4777; 7809
AgeI	A!CCGGT	1	600
AgsI	TTS!AA	20	696; 1146; 1368; 1385; 1468; 1672; 1845; 1861; 2061; 2112; 2129; 2252; 2590; 2605; 3877; 5302; 5346; 5356; 5769; 7345
AhdI	GACNNN!NNGTC	0	
AhlI	A!CTAGT	0	
AjiI	CAC!GTC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AjiI	GAC!GTG	1	1490
Ajnl	!CCWGG	34	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1634; 1829; 2213; 2894; 3206; 3337; 3421; 3442; 3489; 3563; 3621; 3655; 3833; 3896; 3978; 4088; 4319; 4486; 5425; 5480; 5497; 6276; 6855; 6958; 7648; 7661; 7782
AjuI	GAANNNNNNNTTGGNNNNNNNNNN!	1	2650
AjuI	!NNNNNNCCAANNNNNNNTTC	1	2003
AjuI	CCAANNNNNNNTTCNNNNNNNNNN!	1	2035
AjuI	!NNNNNNNGAANNNNNNNTTGG	1	2618
AleI	CACNN!NNGTG	1	613
AlfI	GCANNNNNTGCGNNNNNNNNNN!	3	1532; 5465; 5537
AlfI	!NNNNNNNNNGCANNNNNTGC	3	1498; 5431; 5503
AloI	GAACNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	2	1020; 4973
AloI	!NNNNNNNGGANNNNNNTTC	1	1404
AloI	GGANNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	1	1436
AloI	!NNNNNNNGAACNNNNNTCC	2	988; 4941
AluI	AG!CT	39	566; 633; 660; 806; 1113; 1348; 2132; 2151; 2180; 2299; 2443; 2463; 2680; 2793; 2838; 2888; 2925; 3073; 3390; 3469; 3631; 3907; 4031; 4141; 4174; 4329; 4347; 4500; 4670; 4837; 5094; 5389; 5677; 5997; 6455; 7252; 7509; 7555; 7645
AluBI	AG!CT	39	566; 633; 660; 806; 1113; 1348; 2132; 2151; 2180; 2299; 2443; 2463; 2680; 2793; 2838; 2888; 2925; 3073; 3390; 3469; 3631; 3907; 4031; 4141; 4174; 4329; 4347; 4500; 4670; 4837; 5094; 5389; 5677; 5997; 6455; 7252; 7509; 7555; 7645
AlwI	GGATCNNNN!	11	3465; 3650; 4534; 4543; 5759; 6070; 6316; 6708; 7067; 7165; 7251
AlwI	!NNNNNGATCC	11	580; 1154; 1351; 1865; 2067; 3174; 4521; 6135; 6679; 7066; 7163
Alw21I	GWGCW!C	8	703; 2307; 2648; 2840; 4331; 6004; 6194; 7499
Alw26I	GTCTCN!	3	434; 2508; 3898
Alw26I	!NNNNNGAGAC	5	1240; 5315; 5733; 6752; 6880
Alw44I	G!TGCAC	4	699; 2303; 2644; 7495
AlwNI	CAGNNN!CTG	6	1286; 2506; 3744; 4305; 6992; 7400
Ama87I	C!YCGRG	1	1425
Aor13HI	T!CCGGA	2	1324; 2667
Aor51HI	AGC!GCT	1	596
ApaI	GGGCC!C	1	3904
ApaBI	GCANNNNN!TGC	4	3745; 5459; 5531; 6993
ApaLI	G!TGCAC	4	699; 2303; 2644; 7495
ApeKI	G!CWGC	31	818; 962; 1260; 1342; 1345; 1475; 1629; 2615; 2980; 3393; 3611; 3690; 3869; 3998; 4254; 4377; 4408; 4500; 4667; 5186; 5851; 5952; 5994; 6035; 6128; 6515; 6968; 7194; 7400; 7403; 7468
ApoI	R!AATY	11	1666; 1712; 1770; 2062; 2585; 2654; 2881; 4512; 4705; 4809; 4820
ApyPI	ATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	3690; 6406
ApyPI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGAT	3	6200; 6853; 7691
AquI	GCCGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6290
AquI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCGGC	2	794; 3834
AquIII	GAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	1640; 3404; 3788; 4208; 5719
AquIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTC	2	3451; 4054
AquIV	GRGGAAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	2192
AquIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCYC	1	6461
ArsI	GACNNNNNTTYGNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNCRAANNNNNGTC	0	
ArsI	CRAANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNNGACNNNNNTTYG	0	
AscI	GG!CGCGCC	0	
AseI	AT!TAAT	2	7; 2005
Asi256I	G!ATC	38	586; 984; 1134; 1160; 1334; 1357; 1819; 1871; 2073; 2773; 2861; 3180; 3458; 3643; 3802; 3946; 4050; 4456; 4476; 4527; 4536; 4549; 5729; 5733; 5752; 6063; 6141; 6222; 6231; 6309; 6685; 6701; 7060; 7072; 7150; 7158; 7169; 7244
AsiGI	A!CCGGT	1	600
AsiSI	GCGAT!CGC	0	
AspI	GACN!NNGTC	3	1598; 4108; 6009
Asp700I	GAANN!NNTTC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Asp718I	G!GTACC	1	1718
AspA2I	C!CTAGG	2	5713; 6728
AspEI	GACNNN!NNGTC	0	
AspLEI	GCG!C	23	597; 2615; 4221; 5157; 5165; 5191; 5213; 5222; 5235; 5266; 5885; 5893; 5957; 5994; 6260; 6520; 6696; 6782; 7185; 7294; 7468; 7568; 7635
AspS9I	G!GNCC	24	83; 276; 769; 1012; 1104; 1125; 1209; 1430; 1493; 1827; 2161; 2892; 3509; 3901; 4092; 4296; 4350; 4490; 4998; 6407; 6852; 6898; 6956; 6989
AssI	AGT!ACT	1	3060
AsuII	TT!CGAA	1	6573
AsuC2I	CC!ISGG	8	1193; 1426; 1427; 4128; 5895; 6055; 6668; 7432
AsuHPI	GGTGANNNNNNNN!	11	376; 1005; 1800; 2400; 2446; 2635; 3037; 3262; 4146; 6962; 7078
AsuHPI	!NNNNNNNTCACC	4	894; 2203; 5008; 6069
AsuNHI	G!CTAGC	2	591; 4233
AvaI	C!YCGRG	1	1425
AvaII	G!GWCC	7	1209; 1827; 2892; 3509; 4092; 6407; 6852
AviII	TGC!GCA	1	5993
AvrII	C!CTAGG	2	5713; 6728
AxyI	CC!TNAGG	4	878; 3671; 5371; 7003
BaeI	ACNNNNGTAYCNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNGRTACNNNNNGT	0	
BaeI	GRTACNNNNGTNNNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNNNACNNNNNGTAYC	0	
BaeGI	GKGC!C	13	676; 703; 736; 1313; 2121; 2307; 2648; 3715; 3904; 4196; 5837; 5930; 7499
BalI	TGG!CCA	3	1279; 2467; 5973
BamHI	G!GATCC	1	4526
BanI	G!GYRCC	7	465; 673; 733; 1718; 5044; 5890; 5925
BanII	GRGCY!C	7	2840; 3904; 3987; 4331; 5082; 6256; 6966
BanIII	AT!CGAT	2	4454; 5731
BarI	GAAGNNNNNTACNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGTANNNNNNCTTC	0	
BarI	GTANNNNNNCTTCNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGAAGNNNNNNNTAC	0	
BasI	CCANNNN!NTGG	2	1218; 3311
BauI	C!ACGAG	3	1264; 6609; 7636
BauI	C!TCGTG	2	1114; 6483
BbeI	GGCGC!C	1	5894
Bbr7I	GAAGACNNNNNN!	3	925; 2272; 3064
Bbr7I	!NNNNNNNNNNNGTCTTC	0	
BbrPI	CAC!GTG	0	
BbsI	GAAGACNN!	3	920; 2267; 3059
BbsI	!NNNNNNNGTCTTC	0	
BbuI	GCATG!C	3	5461; 5533; 6296
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	16	830; 1272; 1354; 1487; 3405; 3623; 3702; 3881; 4010; 4389; 4679; 5964; 6006; 6527; 6980; 7480
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	14	949; 1616; 2602; 2967; 3377; 4241; 4395; 4487; 5173; 5838; 6022; 6115; 7181; 7387
Bbv12I	GWGCW!C	8	703; 2307; 2648; 2840; 4331; 6004; 6194; 7499
BbvCI	CC!TCAGC	2	3138; 3536
BbvCI	GC!TGAGG	0	
BccI	CCATCNNNN!	9	1011; 2340; 2457; 2574; 3671; 5021; 5585; 6111; 6613
BccI	!NNNNNGATGG	8	1407; 3096; 3786; 4287; 4516; 4989; 5769; 6197
BceAI	ACGGCNNNNNNNNNN!	8	831; 975; 1026; 1092; 4097; 4421; 6317; 6804
BceAI	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	4	4488; 5032; 5850; 7309
Bcefi	ACGGCNNNNNNNNNN!	8	831; 975; 1026; 1092; 4097; 4421; 6317; 6804
Bcefi	!NNNNNNNNNNNNNGCCGT	4	4489; 5033; 5851; 7310
BcgI	CGANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	1	1984
BcgI	!NNNNNNNNNNNGCANNNNNNNTCG	0	
BcgI	GCANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNCGANNNNNNTGC	1	1950
BciVI	GTATCCNNNNNN!	5	1659; 3450; 5320; 6110; 7611
BciVI	!NNNNNGGATAC	2	2368; 3587
BclI	T!GATCA	3	2772; 4475; 4548

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BcnI	CC!SGG	8	1193; 1426; 1427; 4128; 5895; 6055; 6668; 7432
BcuI	A!CTAGT	0	
BdaI	TGANNNNNNNTCANNNNNNNNNNN!	6	1637; 2795; 4159; 4492; 4571; 7744
BdaI	!NNNNNNNNNNNTGANNNNNNNTCA	6	1603; 2761; 4125; 4458; 4537; 7710
BfaI	C!TAG	17	592; 1298; 1675; 1849; 1927; 1972; 2947; 2984; 3326; 4234; 4539; 4740; 5158; 5714; 6729; 7063; 7316
BfiI	ACTGGGNNNNN!	4	1315; 1418; 2617; 5840
BfiI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2812; 5592
BfmI	C!TRYAG	9	1606; 2687; 3291; 3391; 4375; 4517; 5226; 7353; 7544
BfoI	RGCGC!Y	7	598; 2616; 4222; 5158; 5166; 5894; 7569
BfrI	C!TTAAG	0	
BfuI	GTATCCNNNNN!	5	1659; 3450; 5320; 6110; 7611
BfuI	!NNNNNGGATAC	2	2368; 3587
BfuAI	ACCTGCNNNN!	3	1730; 6159; 6609
BfuAI	!NNNNNNNNNGCAGGT	3	1776; 3729; 5778
BfuCI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
BglI	GCCNNNN!NGGC	6	90; 212; 283; 1088; 3486; 5666
BglII	A!GATCT	1	1333
BisI	GC!NGC	51	768; 819; 963; 1080; 1261; 1343; 1346; 1476; 1630; 2616; 2981; 3256; 3394; 3612; 3691; 3856; 3870; 3953; 3999; 4255; 4378; 4409; 4501; 4668; 5187; 5209; 5223; 5661; 5800; 5852; 5863; 5953; 5958; 5995; 6036; 6123; 6126; 6129; 6365; 6461; 6502; 6516; 6630; 6969; 6984; 7195; 7401; 7404; 7469; 7612; 7767
BlnI	C!CTAGG	2	5713; 6728
BlpI	GC!TNAGC	2	2926; 4325
BlsI	GCN!GC	51	769; 820; 964; 1081; 1262; 1344; 1347; 1477; 1631; 2617; 2982; 3257; 3395; 3613; 3692; 3857; 3871; 3954; 4000; 4256; 4379; 4410; 4502; 4669; 5188; 5210; 5224; 5662; 5801; 5853; 5864; 5954; 5959; 5996; 6037; 6124; 6127; 6130; 6366; 6462; 6503; 6517; 6631; 6970; 6985; 7196; 7402; 7405; 7470; 7613; 7768
BmcAI	AGT!ACT	1	3060
Bme18I	G!GWCC	7	1209; 1827; 2892; 3509; 4092; 6407; 6852
Bme1390I	CC!NGG	42	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1193; 1426; 1427; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4128; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 5895; 6055; 6278; 6668; 6857; 6960; 7432; 7650; 7663; 7784
BmeRI	GACNNN!NNGTC	0	
BmeT110I	C!YCGRG	1	1425
BmgBI	CAC!GTC	0	
BmgBI	GAC!GTG	1	1490
BmgT120I	GG!NCC	24	84; 277; 770; 1013; 1105; 1126; 1210; 1431; 1494; 1828; 2162; 2893; 3510; 3902; 4093; 4297; 4351; 4491; 4999; 6408; 6853; 6899; 6957; 6990
BmiI	GGN!NCC	26	467; 675; 735; 1126; 1431; 1720; 2397; 3107; 3259; 3661; 3902; 3984; 4528; 5046; 5067; 5079; 5270; 5431; 5503; 5892; 5927; 6775; 6854; 6899; 7742; 7781
BmrI	ACTGGGNNNNN!	4	1315; 1418; 2617; 5840
BmrI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2812; 5592
BmrFI	CC!NGG	42	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1193; 1426; 1427; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4128; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 5895; 6055; 6278; 6668; 6857; 6960; 7432; 7650; 7663; 7784
BmsI	GCATCNNNNN!	7	857; 4707; 5470; 5542; 6190; 6254; 6529
BmsI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 1010; 1049; 1178; 1506; 3176; 4419; 5849; 6104; 6320; 7712
BmtI	GCTAG!C	2	595; 4237
BmuI	ACTGGGNNNNN!	4	1315; 1418; 2617; 5840
BmuI	!NNNNCCCAGT	3	289; 2812; 5592
BoxI	GACNN!NNGTC	2	1252; 3890
BpiI	GAAGACNN!	3	920; 2267; 3059
BpiI	!NNNNNNGTCTTC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BpI	GAGNNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	3	2094; 5680; 6579
BpI	!NNNNNNNGAGNNNNNNCTC	3	2062; 5648; 6547
BpmI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	3397; 4001; 6731
BpmI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	7	937; 1670; 2066; 3092; 3846; 3880; 6674
Bpu10I	CC!TNAGC	3	2309; 3138; 3536
Bpu10I	GC!TNAGG	0	
Bpu14I	TT!CGAA	1	6573
Bpu1102I	GC!TNAGC	2	2926; 4325
BpuAI	GAAGACNN!	3	920; 2267; 3059
BpuAI	!NNNNNGTCTTC	0	
BpuEI	CTTGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	3835; 7185; 7724
BpuEI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTCAAG	3	1168; 6267; 7426
BpuMI	CC!SGG	8	1193; 1426; 1427; 4128; 5895; 6055; 6668; 7432
BpvUI	CGAT!CG	0	
BsaI	GGTCTCN!	1	3898
BsaI	!NNNNNGAGACC	2	1240; 6880
Bsa29I	AT!CGAT	2	4454; 5731
BsaAI	YAC!GTR	4	340; 4191; 5007; 6195
BsaBI	GATNN!NNATC	3	2225; 4553; 5750
BsaHI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 1196; 5891; 6593; 6672
BsaJI	C!CNNGG	36	360; 611; 707; 842; 843; 938; 1401; 1424; 1426; 1433; 2121; 2649; 3207; 3337; 3443; 3505; 3602; 3622; 3897; 3978; 4022; 4196; 5425; 5497; 5620; 5655; 5664; 5713; 6054; 6323; 6728; 6855; 6856; 6958; 6959; 7649
BsaMI	GAATGCN!	2	2110; 4642
BsaMI	G!CATTC	1	4735
BsaWI	W!CCGGW	8	600; 1324; 2667; 4532; 5922; 6766; 7456; 7603
BsaXI	ACNNNNNCTCCNNNNNNNNNN!	2	2914; 4971
BsaXI	!NNNNNNNGGAGNNNNNGT	1	3754
BsaXI	GGAGNNNNNGTNNNNNNNNNN!	1	3784
BsaXI	!NNNNNNNNNACNNNNNNCTCC	2	2884; 4941
BsbI	CAACACNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	1076
BsbI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGTG	2	4892; 6799
Bsc4I	CCNNNNN!NNGG	32	49; 730; 843; 1009; 1075; 1218; 1586; 1641; 2170; 3048; 3208; 3311; 3506; 3518; 3979; 3993; 4380; 4903; 5229; 5621; 5872; 6416; 6697; 6729; 6861; 6896; 6946; 6978; 7331; 7610; 7776; 7794
BscAI	GCATCNNNN!	7	856; 4706; 5469; 5541; 6189; 6253; 6528
BscAI	!NNNNNGATGC	11	360; 1013; 1052; 1181; 1509; 3179; 4422; 5852; 6107; 6323; 7715
Bse1I	ACTGGN!	10	1223; 1310; 1413; 1630; 2390; 2612; 3380; 5835; 6036; 7282
Bse1I	C!CAGT	12	295; 1743; 2083; 2818; 3512; 4157; 4258; 4482; 4920; 5598; 7394; 7407
Bse8I	GATNN!NNATC	3	2225; 4553; 5750
Bse21I	CC!TNAGG	4	878; 3671; 5371; 7003
Bse118I	R!CCGGY	5	600; 5108; 6210; 6391; 6674
BseAI	T!CCGGA	2	1324; 2667
BseBI	CC!WGG	34	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 6278; 6857; 6960; 7650; 7663; 7784
BseCI	AT!CGAT	2	4454; 5731
BseDI	C!CNNGG	36	360; 611; 707; 842; 843; 938; 1401; 1424; 1426; 1433; 2121; 2649; 3207; 3337; 3443; 3505; 3602; 3622; 3897; 3978; 4022; 4196; 5425; 5497; 5620; 5655; 5664; 5713; 6054; 6323; 6728; 6855; 6856; 6958; 6959; 7649
Bse3DI	GCAATGNN!	2	1899; 6124
Bse3DI	!CATTGC	1	2342
BseGI	GGATGNN!	12	1418; 2285; 3107; 3161; 3726; 4251; 4434; 4452; 5751; 6208; 6233; 6687
BseGI	!CATCC	9	703; 791; 848; 1003; 1680; 2332; 2775; 2906; 5577
BseJI	GATNN!NNATC	3	2225; 4553; 5750
BseLI	CCNNNNN!NNGG	32	49; 730; 843; 1009; 1075; 1218; 1586; 1641; 2170; 3048; 3208; 3311; 3506; 3518; 3979; 3993; 4380; 4903; 5229; 5621; 5872; 6416; 6697; 6729; 6861; 6896; 6946; 6978; 7331; 7610; 7776; 7794
BseMI	GCAATGNN!	2	1899; 6124

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BseMI	!CATTGC	1	2342
BseMII	CTCAGNNNNNNNNNN!	9	1344; 1611; 2732; 3152; 3378; 3464; 3550; 3685; 7017
BseMII	!NNNNNNNNCTGAG	12	869; 1604; 1699; 1742; 2300; 4213; 4316; 5362; 5664; 6545; 7117; 7526
BseNI	ACTGGN!	10	1223; 1310; 1413; 1630; 2390; 2612; 3380; 5835; 6036; 7282
BseNI	C!CAGT	12	295; 1743; 2083; 2818; 3512; 4157; 4258; 4482; 4920; 5598; 7394; 7407
BsePI	G!CGCGC	0	
BseRI	GAGGAGNNNNNNNNNN!	5	1630; 3394; 3778; 4198; 5709
BseRI	!NNNNNNNNCTCCTC	2	3461; 4064
BseSI	GKGC!C	13	676; 703; 736; 1313; 2121; 2307; 2648; 3715; 3904; 4196; 5837; 5930; 7499
BseXI	GCAGCNNNNNNNN!	16	830; 1272; 1354; 1487; 3405; 3623; 3702; 3881; 4010; 4389; 4679; 5964; 6006; 6527; 6980; 7480
BseXI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	14	949; 1616; 2602; 2967; 3377; 4241; 4395; 4487; 5173; 5838; 6022; 6115; 7181; 7387
BseX3I	C!GGCCG	1	5797
BseYI	C!CCAGC	7	3481; 3499; 3903; 4352; 5434; 5506; 7505
BseYI	G!CTGGG	3	1040; 3311; 6395
BsgI	GTGCAGNNNNNNNNNNNNNN!	0	
BsgI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGCAC	2	1615; 2697
Bsh1236I	CG!CG	16	60; 4006; 4779; 4815; 5191; 5211; 5235; 5266; 5957; 6258; 6696; 6780; 6843; 6912; 7185; 7766
Bsh1285I	CGRY!CG	3	605; 5800; 7475
BshFI	GG!CC	41	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1432; 1495; 1579; 1987; 2162; 2421; 2467; 2899; 3489; 3902; 4084; 4297; 4351; 4491; 4857; 4999; 5654; 5660; 5669; 5712; 5799; 5973; 6364; 6391; 6900; 6957; 6990; 7335; 7769; 7787; 7798
BshNI	G!GYRCC	7	465; 673; 733; 1718; 5044; 5890; 5925
BshTI	A!CCGGT	1	600
BshVI	AT!CGAT	2	4454; 5731
BsiEI	CGRY!CG	3	605; 5800; 7475
BsiHKAI	GWGCW!C	8	703; 2307; 2648; 2840; 4331; 6004; 6194; 7499
BsiHKCI	C!YCGRG	1	1425
BsiSI	C!CGG	24	601; 1193; 1325; 1426; 1506; 2668; 4127; 4533; 5109; 5796; 5873; 5895; 5923; 6054; 6144; 6211; 6392; 6667; 6675; 6767; 7241; 7431; 7457; 7604
BsiWI	C!GTACG	0	
BsII	CCNNNN!NNGG	32	49; 730; 843; 1009; 1075; 1218; 1586; 1641; 2170; 3048; 3208; 3311; 3506; 3518; 3979; 3993; 4380; 4903; 5229; 5621; 5872; 6416; 6697; 6729; 6861; 6896; 6946; 6978; 7331; 7610; 7776; 7794
BsIFI	GGGACNNNNNNNNNN!	7	175; 326; 494; 3460; 6042; 6574; 6683
BsIFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	4	5407; 5479; 5543; 6838
BsmI	GAATGCN!	2	2110; 4642
BsmI	G!CATTC	1	4735
BsmAI	GTCTCN!	3	434; 2508; 3898
BsmAI	!NNNNNGAGAC	5	1240; 5315; 5733; 6752; 6880
BsmBI	CGTCTCN!	0	
BsmBI	!NNNNNGAGACG	0	
BsmFI	GGGACNNNNNNNNNN!	7	175; 326; 494; 3460; 6042; 6574; 6683
BsmFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	4	5407; 5479; 5543; 6838
BsnI	GG!CC	41	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1432; 1495; 1579; 1987; 2162; 2421; 2467; 2899; 3489; 3902; 4084; 4297; 4351; 4491; 4857; 4999; 5654; 5660; 5669; 5712; 5799; 5973; 6364; 6391; 6900; 6957; 6990; 7335; 7769; 7787; 7798
Bso31I	GGTCTCN!	1	3898
Bso31I	!NNNNNGAGACC	2	1240; 6880
BsoBI	C!YCGRG	1	1425
Bsp13I	T!CCGGA	2	1324; 2667
Bsp19I	C!CATGG	7	360; 611; 1433; 3602; 4196; 5620; 6323
Bsp24I	GACNNNNNTGGNNNNNNNNNN!	2	289; 6694
Bsp24I	!NNNNNNCCANNNNNGTC	2	7115; 7293
Bsp24I	CCANNNNNGTCNNNNNNNNNN!	2	7147; 7325
Bsp24I	!NNNNNNNGACNNNNNTGG	2	257; 6662
Bsp68I	TCG!CGA	1	4006
Bsp119I	TT!CGAA	1	6573

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Bsp120I	G!GGCCC	1	3900
Bsp143I	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
Bsp1286I	GDGCH!C	21	676; 703; 736; 1313; 2121; 2307; 2648; 2840; 3715; 3904; 3987; 4196; 4331; 5082; 5837; 5930; 6004; 6194; 6256; 6966; 7499
Bsp1407I	T!GTACA	4	662; 2087; 2842; 2964
Bsp1720I	GC!TNAGC	2	2926; 4325
BspACI	C!CGC	37	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 932; 1070; 1172; 3953; 4095; 4177; 5206; 5209; 5223; 5313; 5561; 5573; 5582; 5594; 5604; 5615; 5661; 5800; 5863; 6365; 6410; 6476; 6502; 6627; 6630; 6778; 6910; 7217; 7361; 7857
BspACI	G!CGG	28	370; 403; 528; 767; 1079; 1121; 3255; 3855; 5151; 5178; 5266; 5376; 5957; 6021; 6122; 6125; 6405; 6460; 6558; 6696; 6843; 6983; 7226; 7471; 7592; 7611; 7738; 7766
BspCNI	CTCAGNNNNNNNN!	9	1343; 1610; 2731; 3151; 3377; 3463; 3549; 3684; 7016
BspCNI	!NNNNNNNCTGAG	12	870; 1605; 1700; 1743; 2301; 4214; 4317; 5363; 5665; 6546; 7118; 7527
BspDI	AT!CGAT	2	4454; 5731
BspD6I	GACTCNNNN!	7	418; 1336; 1603; 3456; 4964; 6570; 7447
BspD6I	!NNNNNNGAGTC	8	892; 1435; 2657; 3105; 3524; 4242; 4927; 5359
BspEI	T!CCGGA	2	1324; 2667
BspFNI	CG!CG	16	60; 4006; 4779; 4815; 5191; 5211; 5235; 5266; 5957; 6258; 6696; 6780; 6843; 6912; 7185; 7766
BspHI	T!CATGA	3	4364; 5317; 7089
BspLI	GGN!NCC	26	467; 675; 735; 1126; 1431; 1720; 2397; 3107; 3259; 3661; 3902; 3984; 4528; 5046; 5067; 5079; 5270; 5431; 5503; 5892; 5927; 6775; 6854; 6899; 7742; 7781
BspMI	ACCTGCNNNN!	3	1730; 6159; 6609
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	3	1776; 3729; 5778
BspOI	GCTAG!C	2	595; 4237
BspPI	GGATCNNNN!	11	3465; 3650; 4534; 4543; 5759; 6070; 6316; 6708; 7067; 7165; 7251
BspPI	!NNNNNGATCC	11	580; 1154; 1351; 1865; 2067; 3174; 4521; 6135; 6679; 7066; 7163
BspQI	GCTCTCN!	0	
BspQI	!NNNNGAAGAGC	3	623; 6235; 6445
BspTI	C!TTAAG	0	
BspT104I	TT!CGAA	1	6573
BspT107I	G!GYRCC	7	465; 673; 733; 1718; 5044; 5890; 5925
BspTNI	GGTCTCN!	1	3898
BspTNI	!NNNNNGAGACC	2	1240; 6880
BsrI	ACTGGN!	10	1223; 1310; 1413; 1630; 2390; 2612; 3380; 5835; 6036; 7282
BsrI	C!CAGT	12	295; 1743; 2083; 2818; 3512; 4157; 4258; 4482; 4920; 5598; 7394; 7407
BsrBI	CCG!CTC	4	3955; 4097; 5315; 6504
BsrBI	GAG!CGG	3	3255; 5151; 6558
BsrDI	GCAATGNN!	2	1899; 6124
BsrDI	!CATTGC	1	2342
BsrFI	R!CCGGY	5	600; 5108; 6210; 6391; 6674
BsrGI	T!GTACA	4	662; 2087; 2842; 2964
BsrSI	ACTGGN!	10	1223; 1310; 1413; 1630; 2390; 2612; 3380; 5835; 6036; 7282
BsrSI	C!CAGT	12	295; 1743; 2083; 2818; 3512; 4157; 4258; 4482; 4920; 5598; 7394; 7407
BssAI	R!CCGGY	5	600; 5108; 6210; 6391; 6674
BssECI	C!CNNGG	36	360; 611; 707; 842; 843; 938; 1401; 1424; 1426; 1433; 2121; 2649; 3207; 3337; 3443; 3505; 3602; 3622; 3897; 3978; 4022; 4196; 5425; 5497; 5620; 5655; 5664; 5713; 6054; 6323; 6728; 6855; 6856; 6958; 6959; 7649
BssHII	G!CGCGC	0	
BssKI	!CCNGG	42	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1191; 1424; 1425; 1634; 1829; 2213; 2894; 3206; 3337; 3421; 3442; 3489; 3563; 3621; 3655; 3833; 3896; 3978; 4088; 4126; 4319; 4486; 5425; 5480; 5497; 5893; 6053; 6276; 6666; 6855; 6958; 7430; 7648; 7661; 7782

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BssMI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
BssNI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 1196; 5891; 6593; 6672
BssNAI	GTA!TAC	0	
BssSI	C!ACGAG	3	1264; 6609; 7636
BssSI	C!TCGTG	2	1114; 6483
BssT1I	C!CWWGG	12	360; 611; 1433; 2121; 2649; 3505; 3602; 4196; 5620; 5713; 6323; 6728
Bst6I	CTCTTCN!	0	
Bst6I	!NNNNGAAGAG	5	623; 1957; 5358; 6235; 6445
Bst98I	C!TTAAG	0	
Bst1107I	GTA!TAC	0	
BstACI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 1196; 5891; 6593; 6672
BstAFI	C!TTAAG	0	
BstAPI	GCANNNN!NTGC	4	3744; 5458; 5530; 6992
BstAUI	T!GTACA	4	662; 2087; 2842; 2964
BstBI	TT!CGAA	1	6573
Bst2BI	C!ACGAG	3	1264; 6609; 7636
Bst2BI	C!TCGTG	2	1114; 6483
BstBAI	YAC!GTR	4	340; 4191; 5007; 6195
Bst4CI	ACN!GT	25	76; 198; 269; 543; 581; 678; 1558; 2257; 2322; 2502; 2633; 3013; 3058; 3131; 3250; 3438; 4242; 4982; 6271; 6387; 6495; 6818; 7309; 7779; 7850
BstC8I	GCN!NGC	46	86; 279; 593; 721; 925; 1480; 1497; 1581; 2153; 2465; 3144; 3487; 3609; 3629; 3811; 4008; 4172; 4235; 4272; 4349; 4375; 5110; 5153; 5167; 5440; 5459; 5512; 5531; 5785; 5971; 6190; 6256; 6262; 6290; 6294; 6335; 6339; 6393; 6676; 6863; 6910; 6966; 6988; 7199; 7759; 7796
BstDEI	C!TNAG	25	620; 878; 1175; 1330; 1597; 1613; 1708; 1751; 2309; 2718; 2926; 3138; 3364; 3450; 3536; 3671; 4222; 4325; 4496; 5371; 5673; 6554; 7003; 7126; 7535
BstDSI	C!CRYGG	8	360; 611; 1433; 3602; 4022; 4196; 5620; 6323
BstEII	G!GTNACC	2	3493; 3910
BstENI	CCTNN!NNNAGG	1	4378
BstF5I	GGATGNN!	12	1418; 2285; 3107; 3161; 3726; 4251; 4434; 4452; 5751; 6208; 6233; 6687
BstF5I	!CATCC	9	703; 791; 848; 1003; 1680; 2332; 2775; 2906; 5577
BstFNI	CG!CG	16	60; 4006; 4779; 4815; 5191; 5211; 5235; 5266; 5957; 6258; 6696; 6780; 6843; 6912; 7185; 7766
BstH2I	RGCGC!Y	7	598; 2616; 4222; 5158; 5166; 5894; 7569
BstHHI	GCG!C	23	597; 2615; 4221; 5157; 5165; 5191; 5213; 5222; 5235; 5266; 5885; 5893; 5957; 5994; 6260; 6520; 6696; 6782; 7185; 7294; 7468; 7568; 7635
BstKTI	GAT!C	38	588; 986; 1136; 1162; 1336; 1359; 1821; 1873; 2075; 2775; 2863; 3182; 3460; 3645; 3804; 3948; 4052; 4458; 4478; 4529; 4538; 4551; 5731; 5735; 5754; 6065; 6143; 6224; 6233; 6311; 6687; 6703; 7062; 7074; 7152; 7160; 7171; 7246
BstMAI	GTCTCN!	3	434; 2508; 3898
BstMAI	!NNNNGAGAC	5	1240; 5315; 5733; 6752; 6880
BstMBI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
BstMCI	CGRY!CG	3	605; 5800; 7475
BstMWI	GCNNNNN!NNGC	37	90; 212; 244; 283; 376; 400; 657; 1088; 3264; 3486; 3744; 4007; 4176; 4260; 4353; 4414; 4429; 4497; 5118; 5148; 5175; 5217; 5458; 5530; 5581; 5660; 5882; 5966; 5989; 6128; 6251; 6334; 6601; 6788; 6992; 7191; 7763
BstNI	CC!WGG	34	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 6278; 6857; 6960; 7650; 7663; 7784
BstNSI	RCATG!Y	6	651; 2705; 5461; 5533; 6296; 7813
BstOI	CC!WGG	34	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 6278; 6857; 6960; 7650; 7663; 7784

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstPI	G!GTNACC	2	3493; 3910
BstPAI	GACNN!NNGTC	2	1252; 3890
BstSCI	!CCNGG	42	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1191; 1424; 1425; 1634; 1829; 2213; 2894; 3206; 3337; 3421; 3442; 3489; 3563; 3621; 3655; 3833; 3896; 3978; 4088; 4126; 4319; 4486; 5425; 5480; 5497; 5893; 6053; 6276; 6666; 6855; 6958; 7430; 7648; 7661; 7782
BstSFI	C!TRYAG	9	1606; 2687; 3291; 3391; 4375; 4517; 5226; 7353; 7544
BstSLI	GKGCM!C	13	676; 703; 736; 1313; 2121; 2307; 2648; 3715; 3904; 4196; 5837; 5930; 7499
BstSNI	TAC!GTA	1	340
BstUI	CG!CG	16	60; 4006; 4779; 4815; 5191; 5211; 5235; 5266; 5957; 6258; 6696; 6780; 6843; 6912; 7185; 7766
Bst2UI	CC!WGG	34	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 6278; 6857; 6960; 7650; 7663; 7784
BstVII	GCAGCNNNNNNNN!	16	830; 1272; 1354; 1487; 3405; 3623; 3702; 3881; 4010; 4389; 4679; 5964; 6006; 6527; 6980; 7480
BstVII	!NNNNNNNNNNNGCTGC	14	949; 1616; 2602; 2967; 3377; 4241; 4395; 4487; 5173; 5838; 6022; 6115; 7181; 7387
BstV2I	GAAGACNN!	3	920; 2267; 3059
BstV2I	!NNNNNGTCTTC	0	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	3	1490; 1694; 3571
BstX2I	R!GATCY	15	585; 1159; 1333; 1870; 2072; 3179; 4526; 4535; 6062; 6308; 6700; 7059; 7071; 7157; 7168
BstYI	R!GATCY	15	585; 1159; 1333; 1870; 2072; 3179; 4526; 4535; 6062; 6308; 6700; 7059; 7071; 7157; 7168
BstZI	C!GGCCG	1	5797
BstZ17I	GTA!TAC	0	
BsuI	GTATCCNNNNNN!	5	1659; 3450; 5320; 6110; 7611
BsuI	!NNNNNNGGATAC	2	2368; 3587
Bsu15I	AT!CGAT	2	4454; 5731
Bsu36I	CC!TNAGG	4	878; 3671; 5371; 7003
BsuRI	GG!CC	41	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1432; 1495; 1579; 1987; 2162; 2421; 2467; 2899; 3489; 3902; 4084; 4297; 4351; 4491; 4857; 4999; 5654; 5660; 5669; 5712; 5799; 5973; 6364; 6391; 6900; 6957; 6990; 7335; 7769; 7787; 7798
BsuTUI	AT!CGAT	2	4454; 5731
BtgI	C!CRYGG	8	360; 611; 1433; 3602; 4022; 4196; 5620; 6323
BtgZI	GCGATGNNNNNNNNNN!	3	3161; 5008; 6343
BtgZI	!NNNNNNNNNNNNNNNCATCGC	3	334; 6162; 6506
BthCI	GCNG!C	51	770; 821; 965; 1082; 1263; 1345; 1348; 1478; 1632; 2618; 2983; 3258; 3396; 3614; 3693; 3858; 3872; 3955; 4001; 4257; 4380; 4411; 4503; 4670; 5189; 5211; 5225; 5663; 5802; 5854; 5865; 5955; 5960; 5997; 6038; 6125; 6128; 6131; 6367; 6463; 6504; 6518; 6632; 6971; 6986; 7197; 7403; 7406; 7471; 7614; 7769
BtrI	CAC!GTC	0	
BtrI	GAC!GTG	1	1490
BtsI	GCAGTGNN!	0	
BtsI	!CACTGC	1	4730
BtsCI	GGATGNN!	12	1418; 2285; 3107; 3161; 3726; 4251; 4434; 4452; 5751; 6208; 6233; 6687
BtsCI	!CATCC	9	703; 791; 848; 1003; 1680; 2332; 2775; 2906; 5577
BtuMI	TCG!CGA	1	4006
BveI	ACCTGCNNNN!	3	1730; 6159; 6609
BveI	!NNNNNNNNGCAGGT	3	1776; 3729; 5778
Cac8I	GCN!NGC	46	86; 279; 593; 721; 925; 1480; 1497; 1581; 2153; 2465; 3144; 3487; 3609; 3629; 3811; 4008; 4172; 4235; 4272; 4349; 4375; 5110; 5153; 5167; 5440; 5459; 5512; 5531; 5785; 5971; 6190; 6256; 6262; 6290; 6294; 6335; 6339; 6393; 6676; 6863; 6910; 6966; 6988; 7199; 7759; 7796
CaiI	CAGNNN!CTG	6	1286; 2506; 3744; 4305; 6992; 7400
CciI	T!CATGA	3	4364; 5317; 7089
CciNI	GC!GGCCGC	0	
CdiI	CATC!G	7	352; 3667; 4455; 6180; 6185; 6383; 6524
CdiI	C!GATG	3	3147; 4994; 6329

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CdpI	GCGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	7763
CdpI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCGC	4	486; 4156; 5552; 5594
CelII	GC!TNAGC	2	2926; 4325
CfoI	GCG!C	23	597; 2615; 4221; 5157; 5165; 5191; 5213; 5222; 5235; 5266; 5885; 5893; 5957; 5994; 6260; 6520; 6696; 6782; 7185; 7294; 7468; 7568; 7635
CfrI	Y!GGCCR	7	1277; 2465; 4082; 5797; 5971; 6362; 6389
Cfr9I	C!CCGGG	1	1425
Cfr10I	R!CCGGY	5	600; 5108; 6210; 6391; 6674
Cfr13I	G!GNCC	24	83; 276; 769; 1012; 1104; 1125; 1209; 1430; 1493; 1827; 2161; 2892; 3509; 3901; 4092; 4296; 4350; 4490; 4998; 6407; 6852; 6898; 6956; 6989
Cfr42I	CCGC!GG	0	
ChaI	GATC!	38	589; 987; 1137; 1163; 1337; 1360; 1822; 1874; 2076; 2776; 2864; 3183; 3461; 3646; 3805; 3949; 4053; 4459; 4479; 4530; 4539; 4552; 5732; 5736; 5755; 6066; 6144; 6225; 6234; 6312; 6688; 6704; 7063; 7075; 7153; 7161; 7172; 7247
CjeI	CCANNNNNNGTNNNNNNNNNNNNNN!	6	715; 3030; 5708; 7148; 7248; 7326
CjeI	!NNNNNNNNNACNNNNNNNTGG	13	64; 257; 2447; 2806; 3587; 3716; 3743; 3818; 5375; 5470; 6662; 7212; 7767
CjeI	ACNNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNN!	13	98; 291; 2481; 2840; 3621; 3750; 3777; 3852; 5409; 5504; 6696; 7246; 7801
CjeI	!NNNNNNNNCCANNNNNNGT	6	681; 2996; 5674; 7114; 7214; 7292
CjePI	CCANNNNNNNTCNNNNNNNNNNNN!	5	1752; 3134; 4082; 7148; 7326
CjePI	!NNNNNNNGANNNNNNNTGG	11	257; 740; 1085; 1609; 2283; 2591; 2781; 3398; 3793; 6662; 7261
CjePI	GANNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNN!	11	290; 773; 1118; 1642; 2316; 2624; 2814; 3431; 3826; 6695; 7294
CjePI	!NNNNNNCCANNNNNNTC	5	1719; 3101; 4049; 7115; 7293
Clal	AT!CGAT	2	4454; 5731
CpoI	CG!GWCCG	1	6407
CseI	GACGCNNNN!	4	526; 1404; 6601; 6680
CseI	!NNNNNNNNNGCGTC	5	1185; 2752; 5224; 7119; 7697
CsiI	A!CCWGGT	2	3563; 5480
CspI	CG!GWCCG	1	6407
Csp6I	G!TAC	23	218; 243; 298; 331; 382; 539; 663; 813; 1065; 1406; 1719; 2088; 2233; 2843; 2965; 3059; 3368; 3547; 3724; 4188; 4359; 4386; 6196
Csp45I	TT!CGAA	1	6573
CspAI	A!CCGGT	1	600
CspCI	CAANNNNNGTGGNNNNNNNNNN!	1	411
CspCI	!NNNNNNNNNCCACNNNNNTTG	0	
CspCI	CCACNNNNNTTGNNNNNNNNNNN!	0	
CspCI	!NNNNNNNNNNCAANNNNNGTGG	1	376
CstMI	AAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	665; 1256; 2508; 4229; 5171; 6780
CstMI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTT	0	
CviAII	C!ATG	40	301; 361; 612; 648; 654; 666; 744; 810; 890; 1101; 1434; 1510; 1641; 2661; 2702; 2832; 3048; 3190; 3264; 3589; 3603; 3686; 3699; 3759; 3949; 4197; 4365; 5318; 5458; 5530; 5621; 5762; 6107; 6293; 6324; 6350; 6706; 7090; 7810; 7861
CviJI	RG!CY	165	42; 84; 93; 277; 566; 633; 660; 723; 770; 799; 806; 884; 950; 962; 1013; 1040; 1048; 1082; 1105; 1113; 1127; 1237; 1273; 1279; 1348; 1432; 1482; 1495; 1579; 1629; 1987; 2132; 2151; 2162; 2180; 2299; 2313; 2359; 2398; 2421; 2443; 2463; 2467; 2680; 2686; 2752; 2793; 2838; 2888; 2899; 2925; 3035; 3073; 3106; 3201; 3258; 3296; 3390; 3469; 3480; 3489; 3503; 3552; 3575; 3601; 3631; 3693; 3813; 3858; 3902; 3907; 3930; 3969; 3985; 4001; 4010; 4019; 4031; 4056; 4070; 4084; 4131; 4141; 4170; 4174; 4214; 4297; 4324; 4329; 4347; 4351; 4373; 4408; 4423; 4462; 4481; 4491; 4500; 4509; 4560; 4670; 4837; 4857; 4999; 5080; 5094; 5108; 5389; 5430; 5502; 5625; 5654; 5660; 5669; 5677; 5700; 5712; 5718; 5799; 5816; 5824; 5851; 5876; 5960; 5969; 5973; 5997; 6035; 6111; 6128; 6147; 6210; 6254; 6264; 6281; 6364; 6391; 6395; 6432; 6455; 6471; 6651; 6678; 6739; 6861; 6900; 6957; 6964; 6971; 6990; 7001; 7252; 7281; 7324; 7335; 7400; 7479; 7504; 7509; 7555; 7645; 7743; 7769; 7787; 7798

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CviKI-1	RG!CY	165	42; 84; 93; 277; 566; 633; 660; 723; 770; 799; 806; 884; 950; 962; 1013; 1040; 1048; 1082; 1105; 1113; 1127; 1237; 1273; 1279; 1348; 1432; 1482; 1495; 1579; 1629; 1987; 2132; 2151; 2162; 2180; 2299; 2313; 2359; 2398; 2421; 2443; 2463; 2467; 2680; 2686; 2752; 2793; 2838; 2888; 2899; 2925; 3035; 3073; 3106; 3201; 3258; 3296; 3390; 3469; 3480; 3489; 3503; 3552; 3575; 3601; 3631; 3693; 3813; 3858; 3902; 3907; 3930; 3969; 3985; 4001; 4010; 4019; 4031; 4056; 4070; 4084; 4131; 4141; 4170; 4174; 4214; 4297; 4324; 4329; 4347; 4351; 4373; 4408; 4423; 4462; 4481; 4491; 4500; 4509; 4560; 4670; 4837; 4857; 4999; 5080; 5094; 5108; 5389; 5430; 5502; 5625; 5654; 5660; 5669; 5677; 5700; 5712; 5718; 5799; 5816; 5824; 5851; 5876; 5960; 5969; 5973; 5997; 6035; 6111; 6128; 6147; 6210; 6254; 6264; 6281; 6364; 6391; 6395; 6432; 6455; 6471; 6651; 6678; 6739; 6861; 6900; 6957; 6964; 6971; 6990; 7001; 7252; 7281; 7324; 7335; 7400; 7479; 7504; 7509; 7555; 7645; 7743; 7769; 7787; 7798
CviQI	G!TAC	23	218; 243; 298; 331; 382; 539; 663; 813; 1065; 1406; 1719; 2088; 2233; 2843; 2965; 3059; 3368; 3547; 3724; 4188; 4359; 4386; 6196
DdeI	C!TNAG	25	620; 878; 1175; 1330; 1597; 1613; 1708; 1751; 2309; 2718; 2926; 3138; 3364; 3450; 3536; 3671; 4222; 4325; 4496; 5371; 5673; 6554; 7003; 7126; 7535
DinI	GGC!GCC	1	5892
DpnI	GA!TC	38	587; 985; 1135; 1161; 1335; 1358; 1820; 1872; 2074; 2774; 2862; 3181; 3459; 3644; 3803; 3947; 4051; 4457; 4477; 4528; 4537; 4550; 5730; 5734; 5753; 6064; 6142; 6223; 6232; 6310; 6686; 6702; 7061; 7073; 7151; 7159; 7170; 7245
DpnII	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
DraI	TTT!AAA	4	1769; 4593; 7035; 7054
DraII	RG!GNCCY	2	3900; 6989
DraIII	CACNNN!GTG	4	1269; 1566; 2787; 5007
DraRI	CAAGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	266; 2256; 2291; 4297; 4460; 7371
DraRI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCCTTG	0	
DrdI	GACNNN!NNGTC	3	4962; 5918; 7707
DrdIV	TACGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	3344
DrdIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGTA	1	476
DriI	GACNNN!NNGTC	0	
DseDI	GACNNN!NNGTC	3	4962; 5918; 7707
EaeI	Y!GGCCR	7	1277; 2465; 4082; 5797; 5971; 6362; 6389
EagI	C!GGCCG	1	5797
Eam1104I	CTCTCN!	0	
Eam1104I	!NNNNGAAGAG	5	623; 1957; 5358; 6235; 6445
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0	
EarI	CTCTCN!	0	
EarI	!NNNNGAAGAG	5	623; 1957; 5358; 6235; 6445
EciI	GGCGGANNNNNNNNNNNN!	4	5391; 6420; 7607; 7753
EciI	!NNNNNNNNNTCCGCC	5	496; 4166; 5562; 5583; 5604
Ecl136II	GAG!CTC	2	2838; 4329
EclXI	C!GGCCG	1	5797
Eco24I	GRGCY!C	7	2840; 3904; 3987; 4331; 5082; 6256; 6966
Eco31I	GGTCTCN!	1	3898
Eco31I	!NNNNGAGACC	2	1240; 6880
Eco32I	GAT!ATC	0	
Eco47I	G!GWCC	7	1209; 1827; 2892; 3509; 4092; 6407; 6852
Eco47III	AGC!GCT	1	596
Eco52I	C!GGCCG	1	5797
Eco57I	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	1129; 2311; 6037; 6469
Eco57I	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	1	7267
Eco72I	CAC!GTG	0	
Eco81I	CC!TNAGG	4	878; 3671; 5371; 7003
Eco88I	C!YCGRG	1	1425
Eco91I	G!GTNACC	2	3493; 3910
Eco105I	TAC!GTA	1	340

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Eco130I	C!CWWGG	12	360; 611; 1433; 2121; 2649; 3505; 3602; 4196; 5620; 5713; 6323; 6728
Eco147I	AGG!CCT	2	3489; 5712
EcoHI	!CCSGG	8	1191; 1424; 1425; 4126; 5893; 6053; 6666; 7430
EcoICRI	GAG!CTC	2	2838; 4329
Eco57MI	CTGRAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	7	1129; 2311; 3397; 4001; 6037; 6469; 6731
Eco57MI	!NNNNNNNNNNNNNNCTYCAG	8	937; 1670; 2066; 3092; 3846; 3880; 6674; 7267
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	1	4378
EcoO65I	G!GTNACC	2	3493; 3910
EcoO109I	RG!GNCCY	2	3900; 6989
EcoRI	G!AATTC	2	1712; 4512
EcoRII	!CCWGG	34	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1634; 1829; 2213; 2894; 3206; 3337; 3421; 3442; 3489; 3563; 3621; 3655; 3833; 3896; 3978; 4088; 4319; 4486; 5425; 5480; 5497; 6276; 6855; 6958; 7648; 7661; 7782
EcoRV	GAT!ATC	0	
EcoT14I	C!CWWGG	12	360; 611; 1433; 2121; 2649; 3505; 3602; 4196; 5620; 5713; 6323; 6728
EcoT22I	ATGCA!T	5	1899; 3191; 5463; 5535; 7866
EcoT38I	GRGCY!C	7	2840; 3904; 3987; 4331; 5082; 6256; 6966
Eco53kl	GAG!CTC	2	2838; 4329
EgeI	GGC!GCC	1	5892
EheI	GGC!GCC	1	5892
ErhI	C!CWWGG	12	360; 611; 1433; 2121; 2649; 3505; 3602; 4196; 5620; 5713; 6323; 6728
EsaBC3I	TC!GA	18	762; 789; 1257; 1531; 2023; 3667; 4455; 5041; 5732; 6005; 6161; 6185; 6221; 6383; 6574; 6619; 6874; 7712
Esp3I	CGTCTCN!	0	
Esp3I	!NNNNNGAGACG	0	
FaeI	CATG!	40	304; 364; 615; 651; 657; 669; 747; 813; 893; 1104; 1437; 1513; 1644; 2664; 2705; 2835; 3051; 3193; 3267; 3592; 3606; 3689; 3702; 3762; 3952; 4200; 4368; 5321; 5461; 5533; 5624; 5765; 6110; 6296; 6327; 6353; 6709; 7093; 7813; 7864
FaiI	YA!TR	102	39; 46; 50; 67; 138; 146; 234; 236; 291; 302; 310; 362; 555; 557; 613; 649; 655; 667; 745; 811; 891; 909; 1102; 1155; 1205; 1339; 1373; 1435; 1511; 1537; 1586; 1642; 1703; 1804; 1919; 2356; 2528; 2558; 2582; 2662; 2683; 2703; 2833; 2969; 3049; 3068; 3172; 3191; 3265; 3301; 3318; 3542; 3544; 3590; 3604; 3687; 3700; 3760; 3922; 3924; 3950; 4115; 4147; 4198; 4366; 4553; 4563; 4629; 4674; 4879; 5307; 5319; 5450; 5459; 5522; 5531; 5555; 5622; 5646; 5763; 5827; 6108; 6133; 6294; 6325; 6351; 6423; 6639; 6707; 6785; 6837; 6998; 7015; 7017; 7019; 7091; 7369; 7558; 7674; 7747; 7811; 7862
FalI	AAGNNNNCTTNNNNNNNNNNNN!	3	888; 2124; 6231
FalI	!NNNNNNNNAAGNNNNNNCTT	3	856; 2092; 6199
FaqI	GGGACNNNNNNNNNN!	7	175; 326; 494; 3460; 6042; 6574; 6683
FaqI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	4	5407; 5479; 5543; 6838
FatI	!CATG	40	300; 360; 611; 647; 653; 665; 743; 809; 889; 1100; 1433; 1509; 1640; 2660; 2701; 2831; 3047; 3189; 3263; 3588; 3602; 3685; 3698; 3758; 3948; 4196; 4364; 5317; 5457; 5529; 5620; 5761; 6106; 6292; 6323; 6349; 6705; 7089; 7809; 7860
FauI	CCCGCNNNN!	10	93; 119; 286; 1077; 1179; 5213; 5568; 5589; 6785; 6917
FauI	!NNNNNGCGGG	6	1114; 5144; 6014; 6551; 6689; 6836
FauNDI	CA!TATG	2	234; 3542
FbaI	T!GATCA	3	2772; 4475; 4548
FblI	GT!MKAC	2	1199; 3330
FmuI	GGNC!C	24	86; 279; 772; 1015; 1107; 1128; 1212; 1433; 1496; 1830; 2164; 2895; 3512; 3904; 4095; 4299; 4353; 4493; 5001; 6410; 6855; 6901; 6959; 6992
Fnu4HI	GC!NGC	51	768; 819; 963; 1080; 1261; 1343; 1346; 1476; 1630; 2616; 2981; 3256; 3394; 3612; 3691; 3856; 3870; 3953; 3999; 4255; 4378; 4409; 4501; 4668; 5187; 5209; 5223; 5661; 5800; 5852; 5863; 5953; 5958; 5995; 6036; 6123; 6126; 6129; 6365; 6461; 6502; 6516; 6630; 6969; 6984; 7195; 7401; 7404; 7469; 7612; 7767
FokI	GGATGNNNNNNNNNN!	12	1425; 2292; 3114; 3168; 3733; 4258; 4441; 4459; 5758; 6215; 6240; 6694
FokI	!NNNNNNNNNNNNCATCC	9	690; 778; 835; 990; 1667; 2319; 2762; 2893; 5564

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FriOI	GRGCY!C	7	2840; 3904; 3987; 4331; 5082; 6256; 6966
FseI	GGCCGG!CC	0	
FspI	TGC!GCA	1	5993
FspAI	RTGC!GCAY	0	
FspBI	C!TAG	17	592; 1298; 1675; 1849; 1927; 1972; 2947; 2984; 3326; 4234; 4539; 4740; 5158; 5714; 6729; 7063; 7316
FspEI	CCNNNNNNNNNNNN!	255	56; 71; 98; 114; 128; 129; 156; 182; 220; 252; 291; 307; 333; 373; 450; 451; 482; 501; 520; 593; 614; 690; 720; 737; 751; 784; 798; 816; 840; 855; 885; 918; 945; 960; 979; 1015; 1062; 1081; 1096; 1119; 1141; 1164; 1184; 1205; 1225; 1251; 1293; 1309; 1338; 1366; 1391; 1414; 1437; 1459; 1496; 1519; 1593; 1648; 1665; 1697; 1735; 1756; 1775; 1843; 1870; 1887; 1926; 1973; 2001; 2023; 2046; 2089; 2133; 2176; 2197; 2219; 2321; 2345; 2395; 2412; 2435; 2462; 2481; 2579; 2662; 2681; 2730; 2755; 2792; 2830; 2908; 2923; 2959; 3018; 3054; 3090; 3104; 3122; 3139; 3196; 3215; 3274; 3292; 3310; 3337; 3351; 3435; 3456; 3485; 3503; 3517; 3542; 3566; 3611; 3635; 3669; 3683; 3707; 3761; 3847; 3876; 3910; 3928; 3944; 3966; 3983; 3999; 4015; 4033; 4070; 4084; 4098; 4113; 4140; 4170; 4184; 4208; 4242; 4271; 4290; 4311; 4333; 4365; 4383; 4446; 4476; 4495; 4517; 4543; 4574; 4613; 4627; 4768; 4863; 4887; 4910; 4933; 4951; 4973; 4994; 5013; 5032; 5061; 5082; 5096; 5122; 5210; 5236; 5285; 5326; 5344; 5383; 5399; 5437; 5494; 5509; 5566; 5586; 5600; 5617; 5631; 5668; 5683; 5726; 5809; 5876; 5907; 5927; 5942; 5987; 6001; 6067; 6081; 6100; 6116; 6157; 6177; 6224; 6274; 6290; 6310; 6335; 6355; 6378; 6405; 6423; 6449; 6489; 6515; 6539; 6595; 6609; 6637; 6680; 6701; 6736; 6780; 6868; 6892; 6914; 6934; 6950; 6971; 6985; 7004; 7088; 7108; 7136; 7151; 7185; 7227; 7254; 7269; 7314; 7338; 7352; 7374; 7400; 7420; 7444; 7470; 7518; 7537; 7556; 7582; 7617; 7662; 7692; 7706; 7757; 7771; 7796; 7812; 7833; 7862
FspEI	!NNNNNNNNNNNNNNNGG	219	8; 35; 59; 144; 166; 197; 252; 295; 347; 375; 400; 435; 463; 509; 529; 552; 586; 607; 625; 652; 694; 715; 739; 781; 800; 829; 865; 902; 925; 944; 974; 995; 1022; 1061; 1087; 1106; 1178; 1204; 1252; 1291; 1310; 1388; 1411; 1435; 1476; 1496; 1517; 1537; 1561; 1600; 1621; 1680; 1701; 1738; 1771; 1810; 1835; 1862; 1925; 1969; 2086; 2108; 2131; 2152; 2179; 2200; 2251; 2285; 2341; 2371; 2403; 2449; 2468; 2577; 2595; 2621; 2653; 2783; 2808; 2834; 2875; 2970; 3007; 3034; 3065; 3084; 3114; 3138; 3159; 3177; 3218; 3240; 3297; 3324; 3361; 3385; 3408; 3429; 3471; 3492; 3529; 3550; 3575; 3593; 3625; 3658; 3685; 3703; 3724; 3745; 3778; 3808; 3840; 3864; 3883; 3919; 3965; 4009; 4045; 4066; 4112; 4168; 4189; 4228; 4279; 4306; 4333; 4366; 4390; 4411; 4429; 4473; 4508; 4562; 4662; 4731; 4839; 4888; 4910; 4938; 4974; 5019; 5048; 5084; 5103; 5131; 5151; 5214; 5237; 5345; 5377; 5395; 5424; 5467; 5496; 5607; 5636; 5679; 5700; 5728; 5761; 5781; 5806; 5833; 5858; 5880; 5908; 5934; 5955; 6006; 6027; 6045; 6093; 6129; 6185; 6210; 6234; 6263; 6286; 6310; 6336; 6358; 6377; 6402; 6442; 6478; 6543; 6628; 6652; 6681; 6715; 6736; 6756; 6801; 6828; 6847; 6880; 6932; 6963; 6990; 7042; 7140; 7211; 7256; 7317; 7382; 7416; 7442; 7460; 7496; 7566; 7589; 7611; 7635; 7668; 7716; 7751; 7769; 7826
Fsp4HI	GC!NGC	51	768; 819; 963; 1080; 1261; 1343; 1346; 1476; 1630; 2616; 2981; 3256; 3394; 3612; 3691; 3856; 3870; 3953; 3999; 4255; 4378; 4409; 4501; 4668; 5187; 5209; 5223; 5661; 5800; 5852; 5863; 5953; 5958; 5995; 6036; 6123; 6126; 6129; 6365; 6461; 6502; 6516; 6630; 6969; 6984; 7195; 7401; 7404; 7469; 7612; 7767
GdiII	C!GGCCR	2	4082; 5797
GdiII	Y!GGCCG	3	5797; 6362; 6389
GlaI	GC!GC	23	596; 2614; 4220; 5156; 5164; 5190; 5212; 5221; 5234; 5265; 5884; 5892; 5956; 5993; 6259; 6519; 6695; 6781; 7184; 7293; 7467; 7567; 7634
GluI	GC!NGC	51	768; 819; 963; 1080; 1261; 1343; 1346; 1476; 1630; 2616; 2981; 3256; 3394; 3612; 3691; 3856; 3870; 3953; 3999; 4255; 4378; 4409; 4501; 4668; 5187; 5209; 5223; 5661; 5800; 5852; 5863; 5953; 5958; 5995; 6036; 6123; 6126; 6129; 6365; 6461; 6502; 6516; 6630; 6969; 6984; 7195; 7401; 7404; 7469; 7612; 7767
GsaI	CCCAG!C	7	3485; 3503; 3907; 4356; 5438; 5510; 7509
GsaI	GCTGG!G	3	1044; 3315; 6399

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
GsuI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	3397; 4001; 6731
GsuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	7	937; 1670; 2066; 3092; 3846; 3880; 6674
HaeI	WGG!CCW	13	1048; 1279; 1579; 1987; 2421; 2467; 2899; 3489; 5712; 5973; 7335; 7787; 7798
HaeII	RGCGC!Y	7	598; 2616; 4222; 5158; 5166; 5894; 7569
HaeIII	GG!CC	41	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1432; 1495; 1579; 1987; 2162; 2421; 2467; 2899; 3489; 3902; 4084; 4297; 4351; 4491; 4857; 4999; 5654; 5660; 5669; 5712; 5799; 5973; 6364; 6391; 6900; 6957; 6990; 7335; 7769; 7787; 7798
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	2	4566; 6087
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNRTC	2	4532; 6053
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	2	4565; 6086
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNRTC	2	4534; 6055
HapII	C!CGG	24	601; 1193; 1325; 1426; 1506; 2668; 4127; 4533; 5109; 5796; 5873; 5895; 5923; 6054; 6144; 6211; 6392; 6667; 6675; 6767; 7241; 7431; 7457; 7604
HgaI	GACGCNNNNN!	4	526; 1404; 6601; 6680
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	5	1185; 2752; 5224; 7119; 7697
HhaI	GCG!C	23	597; 2615; 4221; 5157; 5165; 5191; 5213; 5222; 5235; 5266; 5885; 5893; 5957; 5994; 6260; 6520; 6696; 6782; 7185; 7294; 7468; 7568; 7635
HinI	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 1196; 5891; 6593; 6672
Hin1II	CATG!	40	304; 364; 615; 651; 657; 669; 747; 813; 893; 1104; 1437; 1513; 1644; 2664; 2705; 2835; 3051; 3193; 3267; 3592; 3606; 3689; 3702; 3762; 3952; 4200; 4368; 5321; 5461; 5533; 5624; 5765; 6110; 6296; 6327; 6353; 6709; 7093; 7813; 7864
Hin4I	GAYNNNNNVTCNNNNNNNNNNNN!	5	2096; 2916; 4427; 4565; 6086
Hin4I	!NNNNNNNNNGABNNNNNRTC	5	1894; 2845; 4533; 6054; 6084
Hin4I	GABNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	5	1926; 2877; 4565; 6086; 6116
Hin4I	!NNNNNNNNNGAYNNNNNVTC	5	2064; 2884; 4395; 4533; 6054
Hin6I	G!CGC	23	595; 2613; 4219; 5155; 5163; 5189; 5211; 5220; 5233; 5264; 5883; 5891; 5955; 5992; 6258; 6518; 6694; 6780; 7183; 7292; 7466; 7566; 7633
HinP1I	G!CGC	23	595; 2613; 4219; 5155; 5163; 5189; 5211; 5220; 5233; 5264; 5883; 5891; 5955; 5992; 6258; 6518; 6694; 6780; 7183; 7292; 7466; 7566; 7633
HincII	GTY!RAC	1	4654
HindII	GTY!RAC	1	4654
HindIII	A!AGCTT	2	3071; 3629
HinfI	G!ANTC	29	410; 749; 899; 1226; 1328; 1368; 1442; 1595; 1975; 2174; 2664; 3112; 3418; 3448; 3531; 3652; 3706; 3830; 4249; 4934; 4956; 5366; 6376; 6510; 6562; 6620; 6657; 7439; 7835
HpaI	GTT!AAC	1	4654
HpaII	C!CGG	24	601; 1193; 1325; 1426; 1506; 2668; 4127; 4533; 5109; 5796; 5873; 5895; 5923; 6054; 6144; 6211; 6392; 6667; 6675; 6767; 7241; 7431; 7457; 7604
HphI	GGTGANNNNNNNN!	11	376; 1005; 1800; 2400; 2446; 2635; 3037; 3262; 4146; 6962; 7078
HphI	!NNNNNNNTCACC	4	894; 2203; 5008; 6069
Hpy8I	GTN!NAC	26	201; 539; 577; 681; 701; 996; 1200; 1209; 1554; 1623; 1748; 1827; 2088; 2305; 2646; 2845; 3134; 3331; 3344; 3940; 4026; 4654; 4938; 4955; 5010; 7497
Hpy99I	CGWCG!	10	1258; 1491; 3131; 5981; 6009; 6303; 6318; 6595; 6980; 7713
Hpy166II	GTN!NAC	26	201; 539; 577; 681; 701; 996; 1200; 1209; 1554; 1623; 1748; 1827; 2088; 2305; 2646; 2845; 3134; 3331; 3344; 3940; 4026; 4654; 4938; 4955; 5010; 7497
Hpy188I	TCN!GA	25	585; 708; 988; 1333; 1614; 1961; 2318; 2514; 2721; 3127; 3239; 3272; 3462; 3530; 4317; 5065; 5674; 5858; 6202; 6555; 6656; 7135; 7269; 7622; 7700
Hpy188III	TC!NNGA	35	981; 1146; 1185; 1325; 1687; 1866; 2668; 3041; 3109; 3183; 3452; 3673; 3863; 4005; 4365; 4539; 5318; 5370; 5683; 5736; 5909; 6225; 6234; 6317; 6373; 6417; 6507; 6540; 6609; 7090; 7164; 7247; 7345; 7443; 7577
HpyAV	CCTTCNNNNNN!	7	789; 837; 882; 3213; 6536; 6643; 7322
HpyAV	!NNNNNGAAGG	15	709; 1081; 1977; 2164; 2425; 2620; 3511; 4033; 5124; 6019; 6748; 6764; 6947; 7264; 7574
HpyCH4III	ACN!GT	25	76; 198; 269; 543; 581; 678; 1558; 2257; 2322; 2502; 2633; 3013; 3058; 3131; 3250; 3438; 4242; 4982; 6271; 6387; 6495; 6818; 7309; 7779; 7850

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
HpyCH4IV	A!CGT	20	122; 134; 175; 258; 339; 444; 977; 1253; 1489; 2990; 4190; 4361; 4951; 4963; 5006; 5116; 6007; 6194; 6975; 7108
HpyCH4V	TG!CA	38	651; 701; 1023; 1139; 1390; 1608; 1632; 1897; 2200; 2286; 2305; 2347; 2530; 2618; 2646; 2714; 2871; 3189; 3393; 4270; 4377; 4519; 4640; 4667; 4735; 5452; 5461; 5524; 5533; 5648; 5724; 5783; 5942; 6117; 6131; 7201; 7497; 7864
HpyF3I	C!TNAG	25	620; 878; 1175; 1330; 1597; 1613; 1708; 1751; 2309; 2718; 2926; 3138; 3364; 3450; 3536; 3671; 4222; 4325; 4496; 5371; 5673; 6554; 7003; 7126; 7535
HpyF10VI	GCNNNNN!NNGC	37	90; 212; 244; 283; 376; 400; 657; 1088; 3264; 3486; 3744; 4007; 4176; 4260; 4353; 4414; 4429; 4497; 5118; 5148; 5175; 5217; 5458; 5530; 5581; 5660; 5882; 5966; 5989; 6128; 6251; 6334; 6601; 6788; 6992; 7191; 7763
Hsp92I	GR!CGYC	8	122; 175; 258; 444; 1196; 5891; 6593; 6672
Hsp92II	CATG!	40	304; 364; 615; 651; 657; 669; 747; 813; 893; 1104; 1437; 1513; 1644; 2664; 2705; 2835; 3051; 3193; 3267; 3592; 3606; 3689; 3702; 3762; 3952; 4200; 4368; 5321; 5461; 5533; 5624; 5765; 6110; 6296; 6327; 6353; 6709; 7093; 7813; 7864
HspAI	G!CGC	23	595; 2613; 4219; 5155; 5163; 5189; 5211; 5220; 5233; 5264; 5883; 5891; 5955; 5992; 6258; 6518; 6694; 6780; 7183; 7292; 7466; 7566; 7633
KasI	G!GCGCC	1	5890
KfII	GG!GWCCC	0	
KpnI	GGTAC!C	1	1722
Kpn2I	T!CCGGA	2	1324; 2667
KspI	CCGC!GG	0	
Ksp22I	T!GATCA	3	2772; 4475; 4548
KspAI	GTT!AAC	1	4654
Kzo9I	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
LguI	GCTCTTCN!	0	
LguI	!NNNNGAAGAGC	3	623; 6235; 6445
LpnI	RGC!GCGY	7	596; 2614; 4220; 5156; 5164; 5892; 7567
LpnPI	CCDGNNNNNNNNN!	108	102; 295; 614; 751; 808; 856; 890; 952; 967; 1028; 1096; 1120; 1144; 1206; 1293; 1338; 1439; 1509; 1593; 1648; 1700; 1735; 1756; 1843; 2096; 2177; 2227; 2321; 2586; 2681; 2831; 2908; 2935; 3122; 3196; 3220; 3351; 3435; 3456; 3495; 3513; 3577; 3611; 3635; 3669; 3847; 3876; 3910; 3928; 3944; 3992; 4024; 4102; 4140; 4170; 4184; 4271; 4312; 4333; 4366; 4383; 4476; 4495; 4546; 4628; 4933; 5122; 5345; 5383; 5399; 5439; 5494; 5511; 5611; 5696; 5809; 5886; 5908; 5931; 6067; 6081; 6100; 6157; 6224; 6274; 6290; 6347; 6405; 6614; 6680; 6704; 6780; 6869; 6972; 7005; 7236; 7254; 7400; 7420; 7444; 7470; 7519; 7617; 7662; 7692; 7771; 7796; 7833
LpnPI	!NNNNNNNNNNNNNCHGG	96	75; 268; 552; 586; 781; 829; 925; 1026; 1069; 1178; 1204; 1291; 1310; 1394; 1491; 1611; 1771; 1816; 1851; 2118; 2137; 2200; 2285; 2371; 2403; 2449; 2593; 2653; 2881; 2980; 3193; 3297; 3324; 3361; 3408; 3429; 3471; 3550; 3593; 3642; 3724; 3795; 3820; 3883; 3965; 4045; 4075; 4112; 4306; 4333; 4366; 4405; 4429; 4473; 4518; 4974; 5094; 5151; 5214; 5412; 5424; 5484; 5496; 5728; 5773; 5816; 5858; 5880; 5908; 5955; 6017; 6039; 6129; 6196; 6219; 6263; 6358; 6377; 6402; 6551; 6652; 6695; 6752; 6842; 6945; 6972; 6990; 7226; 7263; 7416; 7442; 7582; 7600; 7635; 7716; 7769
Lsp1109I	GCAGCNNNNNNNN!	16	830; 1272; 1354; 1487; 3405; 3623; 3702; 3881; 4010; 4389; 4679; 5964; 6006; 6527; 6980; 7480
Lsp1109I	!NNNNNNNNNNNGCTGC	14	949; 1616; 2602; 2967; 3377; 4241; 4395; 4487; 5173; 5838; 6022; 6115; 7181; 7387
LweI	GCATCNNNNN!	7	857; 4707; 5470; 5542; 6190; 6254; 6529
LweI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 1010; 1049; 1178; 1506; 3176; 4419; 5849; 6104; 6320; 7712
MabI	A!CCWGGT	2	3563; 5480
MaeI	C!TAG	17	592; 1298; 1675; 1849; 1927; 1972; 2947; 2984; 3326; 4234; 4539; 4740; 5158; 5714; 6729; 7063; 7316
MaeII	A!CGT	20	122; 134; 175; 258; 339; 444; 977; 1253; 1489; 2990; 4190; 4361; 4951; 4963; 5006; 5116; 6007; 6194; 6975; 7108
MaeIII	!GTNAC	21	61; 148; 497; 900; 1558; 2322; 3025; 3086; 3432; 3493; 3910; 4122; 4679; 5180; 5192; 6011; 6317; 7007; 7273; 7389; 7452

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MaiI	GA!TC	38	587; 985; 1135; 1161; 1335; 1358; 1820; 1872; 2074; 2774; 2862; 3181; 3459; 3644; 3803; 3947; 4051; 4457; 4477; 4528; 4537; 4550; 5730; 5734; 5753; 6064; 6142; 6223; 6232; 6310; 6686; 6702; 7061; 7073; 7151; 7159; 7170; 7245
MaqI	CRTTGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	144; 197; 466; 540
MaqI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCAAYG	3	157; 240; 426
MauBI	CG!CGCGCG	0	
MbiI	CCG!CTC	4	3955; 4097; 5315; 6504
MbiI	GAG!CGG	3	3255; 5151; 6558
MboI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
MboII	GAAGANNNNNNN!	19	640; 925; 1038; 1557; 1702; 1917; 1974; 2059; 2272; 2304; 2557; 3064; 3808; 4059; 5147; 5375; 6252; 6462; 7081
MboII	!NNNNNNNTCTTC	4	6542; 6709; 6909; 7152
McaTI	GCGC!GC	0	
MfeI	C!AATTG	2	2156; 4641
MfiI	R!GATCY	15	585; 1159; 1333; 1870; 2072; 3179; 4526; 4535; 6062; 6308; 6700; 7059; 7071; 7157; 7168
MhII	GDGCH!C	21	676; 703; 736; 1313; 2121; 2307; 2648; 2840; 3715; 3904; 3987; 4196; 4331; 5082; 5837; 5930; 6004; 6194; 6256; 6966; 7499
MisI	TGG!CCA	3	1279; 2467; 5973
MluI	A!CGCGT	1	4777
MluNI	TGG!CCA	3	1279; 2467; 5973
MlyI	GAGTCNNNNN!	8	908; 1451; 2673; 3121; 3540; 4258; 4943; 5375
MlyI	!NNNNNGACTC	7	404; 1322; 1589; 3442; 4950; 6556; 7433
Mly113I	GG!CGCC	1	5891
MmeI	TCCRACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	1031; 1937; 2034; 2230; 3150; 4984
MmeI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTYGGA	3	3217; 7416; 7600
MniI	CCTCNNNNNNN!	29	782; 961; 976; 1192; 1303; 1411; 1694; 2047; 2086; 2324; 2727; 2789; 2910; 3147; 3278; 3290; 3482; 3545; 3680; 3983; 4012; 4082; 4610; 5674; 6492; 6698; 7012; 7382; 7706
MnII	!NNNNNNGAGG	38	541; 663; 702; 723; 756; 873; 982; 1038; 1227; 1260; 1525; 1608; 1746; 1882; 2160; 3372; 3393; 3448; 3696; 3721; 3756; 3816; 3859; 3876; 4176; 4200; 4570; 5035; 5366; 5644; 5687; 5702; 5742; 5806; 5942; 6299; 6729; 7632
Mph1103I	ATGCA!T	5	1899; 3191; 5463; 5535; 7866
MreI	CG!CCGGCG	0	
MroI	T!CCGGA	2	1324; 2667
MroNI	G!CCGGC	3	5108; 6391; 6674
MroXI	GAANN!NNTTC	0	
MscI	TGG!CCA	3	1279; 2467; 5973
MseI	T!TAA	27	7; 638; 863; 1319; 1768; 1945; 2005; 2225; 2338; 2755; 3353; 3772; 4334; 4592; 4653; 4774; 4795; 4806; 4818; 4829; 4846; 4944; 5215; 7034; 7048; 7053; 7105
MsII	CAYNN!NNRTG	7	365; 613; 652; 1057; 1514; 4150; 6328
MspI	C!CGG	24	601; 1193; 1325; 1426; 1506; 2668; 4127; 4533; 5109; 5796; 5873; 5895; 5923; 6054; 6144; 6211; 6392; 6667; 6675; 6767; 7241; 7431; 7457; 7604
Msp20I	TGG!CCA	3	1279; 2467; 5973
MspA1I	CMG!CKG	6	1072; 3907; 5389; 5997; 7226; 7471
MspCI	C!TTAAG	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspJI	CNNRNNNNNNNNNN!	398	36; 50; 71; 97; 113; 127; 147; 167; 219; 236; 251; 290; 306; 319; 332; 352; 373; 407; 424; 449; 481; 500; 523; 548; 574; 596; 613; 632; 646; 660; 678; 708; 726; 741; 756; 774; 807; 822; 850; 865; 889; 902; 918; 936; 950; 966; 979; 993; 1014; 1027; 1048; 1061; 1081; 1095; 1113; 1126; 1143; 1158; 1175; 1195; 1225; 1242; 1262; 1276; 1292; 1309; 1324; 1337; 1361; 1377; 1390; 1403; 1421; 1437; 1453; 1491; 1508; 1522; 1535; 1548; 1573; 1592; 1609; 1625; 1638; 1653; 1687; 1700; 1720; 1734; 1750; 1763; 1798; 1829; 1842; 1861; 1878; 1925; 1939; 1972; 2000; 2022; 2045; 2095; 2112; 2134; 2164; 2177; 2197; 2213; 2226; 2242; 2264; 2277; 2302; 2320; 2349; 2372; 2385; 2398; 2412; 2430; 2470; 2494; 2507; 2525; 2543; 2567; 2585; 2602; 2620; 2661; 2680; 2709; 2730; 2754; 2792; 2806; 2822; 2844; 2860; 2884; 2901; 2917; 2930; 2943; 2958; 2980; 2996; 3020; 3048; 3074; 3089; 3103; 3121; 3138; 3155; 3195; 3219; 3250; 3274; 3295; 3310; 3324; 3337; 3350; 3364; 3388; 3409; 3434; 3447; 3462; 3487; 3502; 3516; 3541; 3565; 3584; 3599; 3615; 3634; 3651; 3668; 3683; 3698; 3711; 3739; 3760; 3799; 3822; 3846; 3859; 3875; 3892; 3909; 3927; 3943; 3956; 3973; 3986; 4001; 4015; 4033; 4050; 4065; 4090; 4112; 4139; 4158; 4183; 4203; 4227; 4242; 4270; 4283; 4310; 4328; 4342; 4360; 4377; 4393; 4408; 4424; 4445; 4471; 4494; 4508; 4522; 4545; 4559; 4574; 4598; 4615; 4628; 4669; 4683; 4696; 4714; 4752; 4767; 4785; 4826; 4850; 4870; 4888; 4909; 4932; 4964; 4979; 5001; 5019; 5032; 5053; 5070; 5083; 5096; 5112; 5125; 5155; 5170; 5195; 5213; 5226; 5241; 5265; 5279; 5303; 5328; 5344; 5382; 5398; 5437; 5451; 5465; 5493; 5509; 5523; 5537; 5566; 5579; 5600; 5609; 5631; 5661; 5677; 5695; 5725; 5748; 5772; 5796; 5815; 5843; 5869; 5885; 5898; 5921; 5935; 5955; 5968; 5982; 6001; 6015; 6028; 6044; 6059; 6072; 6088; 6103; 6119; 6144; 6163; 6179; 6192; 6205; 6223; 6237; 6251; 6267; 6289; 6305; 6324; 6346; 6362; 6385; 6404; 6418; 6434; 6448; 6468; 6484; 6497; 6519; 6552; 6566; 6586; 6599; 6613; 6667; 6680; 6703; 6716; 6735; 6752; 6779; 6815; 6848; 6867; 6892; 6913; 6940; 6953; 6970; 6984; 6999; 7015; 7075; 7100; 7116; 7138; 7151; 7165; 7196; 7210; 7235; 7253; 7268; 7281; 7300; 7313; 7328; 7357; 7376; 7394; 7419; 7434; 7453; 7469; 7488; 7506; 7522; 7536; 7555; 7582; 7605; 7627; 7646; 7661; 7674; 7691; 7711; 7738; 7751; 7770; 7795; 7818; 7832; 7845; 7862
MspJI	!NNNNNNNNNNNNYNG	328	8; 35; 59; 76; 97; 123; 145; 168; 197; 221; 269; 281; 310; 330; 347; 377; 400; 437; 465; 492; 511; 531; 553; 574; 598; 625; 652; 682; 706; 724; 748; 767; 789; 829; 850; 876; 896; 925; 967; 1001; 1022; 1042; 1069; 1087; 1104; 1122; 1150; 1171; 1190; 1216; 1238; 1261; 1284; 1310; 1340; 1365; 1388; 1411; 1451; 1476; 1496; 1515; 1537; 1561; 1578; 1598; 1621; 1642; 1661; 1688; 1708; 1729; 1768; 1789; 1808; 1828; 1851; 1872; 1904; 1926; 1945; 1964; 1983; 2007; 2044; 2069; 2086; 2108; 2129; 2150; 2179; 2200; 2230; 2251; 2286; 2341; 2372; 2403; 2450; 2468; 2492; 2513; 2559; 2594; 2621; 2647; 2668; 2688; 2705; 2732; 2752; 2773; 2804; 2826; 2844; 2862; 2881; 2900; 2924; 2948; 2970; 2987; 3008; 3027; 3095; 3125; 3146; 3169; 3193; 3219; 3238; 3256; 3286; 3305; 3324; 3351; 3383; 3408; 3429; 3446; 3463; 3486; 3514; 3550; 3567; 3584; 3608; 3625; 3642; 3659; 3685; 3703; 3720; 3745; 3762; 3796; 3820; 3838; 3866; 3883; 3901; 3919; 3960; 3979; 3997; 4030; 4053; 4075; 4100; 4118; 4143; 4162; 4183; 4201; 4220; 4244; 4276; 4301; 4324; 4346; 4367; 4400; 4420; 4445; 4464; 4483; 4502; 4519; 4543; 4572; 4601; 4643; 4726; 4764; 4788; 4811; 4840; 4884; 4906; 4938; 4974; 4991; 5012; 5049; 5069; 5086; 5103; 5138; 5156; 5174; 5191; 5215; 5237; 5264; 5292; 5318; 5356; 5377; 5394; 5412; 5435; 5456; 5484; 5507; 5528; 5546; 5567; 5584; 5607; 5631; 5651; 5669; 5691; 5722; 5744; 5770; 5789; 5806; 5834; 5853; 5872; 5890; 5908; 5929; 5951; 5975; 6008; 6028; 6046; 6067; 6093; 6120; 6137; 6154; 6171; 6197; 6219; 6241; 6259; 6279; 6298; 6320; 6358; 6378; 6402; 6422; 6442; 6469; 6493; 6526; 6545; 6573; 6595; 6624; 6652; 6677; 6696; 6715; 6736; 6753; 6770; 6801; 6828; 6848; 6871; 6891; 6928; 6945; 6964; 6990; 7010; 7049; 7076; 7095; 7113; 7150; 7168; 7209; 7227; 7253; 7270; 7302; 7331; 7359; 7380; 7403; 7422; 7443; 7461; 7478; 7496; 7522; 7543; 7563; 7583; 7601; 7622; 7648; 7665; 7684; 7703; 7732; 7751; 7769; 7788; 7806; 7824; 7847

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspR9I	CC!NGG	42	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1193; 1426; 1427; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4128; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 5895; 6055; 6278; 6668; 6857; 6960; 7432; 7650; 7663; 7784
MssI	GTTT!AAAC	0	
MunI	C!AATTG	2	2156; 4641
MvaI	CC!WGG	34	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 6278; 6857; 6960; 7650; 7663; 7784
Mva1269I	GAATGCN!	2	2110; 4642
Mva1269I	G!CATTC	1	4735
MvnI	CG!CG	16	60; 4006; 4779; 4815; 5191; 5211; 5235; 5266; 5957; 6258; 6696; 6780; 6843; 6912; 7185; 7766
MvrI	CGAT!CG	0	
MwoI	GCNNNNN!NNGC	37	90; 212; 244; 283; 376; 400; 657; 1088; 3264; 3486; 3744; 4007; 4176; 4260; 4353; 4414; 4429; 4497; 5118; 5148; 5175; 5217; 5458; 5530; 5581; 5660; 5882; 5966; 5989; 6128; 6251; 6334; 6601; 6788; 6992; 7191; 7763
NaeI	GCC!GGC	3	5110; 6393; 6676
NarI	GG!CGCC	1	5891
NciI	CC!SGG	8	1193; 1426; 1427; 4128; 5895; 6055; 6668; 7432
NcoI	C!CATGG	7	360; 611; 1433; 3602; 4196; 5620; 6323
NdeI	CA!TATG	2	234; 3542
NdeII	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
NgoAVIII	GACNNNNNTGANNNNNNNNNNNN!	2	280; 4341
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNTCANNNNNGTC	1	740
NgoAVIII	TCANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	1	776
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNGACNNNNNTGA	2	244; 4305
NgoMIV	G!CCGGC	3	5108; 6391; 6674
NheI	G!CTAGC	2	591; 4233
NlaII	CATG!	40	304; 364; 615; 651; 657; 669; 747; 813; 893; 1104; 1437; 1513; 1644; 2664; 2705; 2835; 3051; 3193; 3267; 3592; 3606; 3689; 3702; 3762; 3952; 4200; 4368; 5321; 5461; 5533; 5624; 5765; 6110; 6296; 6327; 6353; 6709; 7093; 7813; 7864
NlaIV	GGN!NCC	26	467; 675; 735; 1126; 1431; 1720; 2397; 3107; 3259; 3661; 3902; 3984; 4528; 5046; 5067; 5079; 5270; 5431; 5503; 5892; 5927; 6775; 6854; 6899; 7742; 7781
NlaCI	CATCACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	4723; 5038; 6630
NlaCI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGATG	3	347; 1000; 7702
Nli3877I	CYCGR!G	1	1429
NmeAIII	GCCGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	5680; 6116
NmeAIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCGGC	2	1016; 5645
NmeDI	RCCGGYNNNNNNN!	5	612; 5120; 6222; 6403; 6686
NmeDI	!NNNNNNNNNNNNRCCGGY	5	587; 5095; 6197; 6378; 6661
NmuCI	!GTSAC	8	900; 1558; 2322; 3025; 3432; 5180; 6011; 6317
NotI	GC!GGCCGC	0	
NruI	TCG!CGA	1	4006
NsbI	TGC!GCA	1	5993
NsiI	ATGCA!T	5	1899; 3191; 5463; 5535; 7866
NspI	RCATG!Y	6	651; 2705; 5461; 5533; 6296; 7813
NspV	TT!CGAA	1	6573
OliI	CACNN!NNGTG	1	613
PabI	GTA!C	23	220; 245; 300; 333; 384; 541; 665; 815; 1067; 1408; 1721; 2090; 2235; 2845; 2967; 3061; 3370; 3549; 3726; 4190; 4361; 4388; 6198
PacI	TTAAT!TAA	0	
PaeI	GCATG!C	3	5461; 5533; 6296
PaeR7I	C!TCGAG	0	
PagI	T!CATGA	3	4364; 5317; 7089
PalAI	GG!CGCGCC	0	
PasI	CC!CWGGG	3	843; 6856; 6959
PauI	G!CGCGC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PceI	AGG!CCT	2	3489; 5712
PciI	A!CATGT	2	2701; 7809
PciSI	GCTCTCN!	0	
PciSI	!NNNNGAAGAGC	3	623; 6235; 6445
PcsI	WCGNNNN!NNNCGW	7	1262; 6185; 6262; 6505; 6579; 6972; 7490
PctI	GAATGCN!	2	2110; 4642
PctI	G!CATTC	1	4735
PdiI	GCC!GGC	3	5110; 6393; 6676
PdmI	GAANN!NNTTC	0	
PfeI	G!AWTC	14	749; 1226; 1368; 1975; 2174; 3418; 3652; 3706; 3830; 6376; 6510; 6620; 6657; 7835
Pfl23II	C!GTACG	0	
PfIFI	GACN!NNGTC	3	1598; 4108; 6009
PfIMI	CCANNNN!NTGG	2	1218; 3311
PfoI	T!CCNGGA	3	953; 3655; 6666
PhoI	GG!CC	41	84; 277; 770; 1013; 1048; 1082; 1105; 1127; 1237; 1279; 1432; 1495; 1579; 1987; 2162; 2421; 2467; 2899; 3489; 3902; 4084; 4297; 4351; 4491; 4857; 4999; 5654; 5660; 5669; 5712; 5799; 5973; 6364; 6391; 6900; 6957; 6990; 7335; 7769; 7787; 7798
PinAI	A!CCGGT	1	600
PlaDI	CATCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6272
PlaDI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGATG	5	1503; 3164; 3828; 5837; 6092
PleI	GAGTCNNNN!	8	907; 1450; 2672; 3120; 3539; 4257; 4942; 5374
PleI	!NNNNGACTC	7	404; 1322; 1589; 3442; 4950; 6556; 7433
Ple19I	CGAT!CG	0	
PmaCI	CAC!GTG	0	
PmeI	GTTT!AAAC	0	
PmlI	CAC!GTG	0	
PpiI	GAACNNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	1	4973
PpiI	!NNNNNNNNGAGNNNNNGTTC	1	7103
PpiI	GAGNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	1	7135
PpiI	!NNNNNNNGAACNNNNNCTC	1	4941
PpsI	GAGTCNNNN!	8	907; 1450; 2672; 3120; 3539; 4257; 4942; 5374
PpsI	!NNNNGACTC	7	404; 1322; 1589; 3442; 4950; 6556; 7433
Ppu10I	A!TGCAT	5	1895; 3187; 5459; 5531; 7862
Ppu21I	YAC!GTR	4	340; 4191; 5007; 6195
PpuMI	RG!GWCCY	0	
Psci	A!CATGT	2	2701; 7809
PshAI	GACNN!NNGTC	2	1252; 3890
PshBI	AT!TAAT	2	7; 2005
PsiI	TTA!TAA	2	4674; 4879
Psp03I	GGWC!C	7	1212; 1830; 2895; 3512; 4095; 6410; 6855
Psp5II	RG!GWCCY	0	
Psp6I	!CCWGG	34	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1634; 1829; 2213; 2894; 3206; 3337; 3421; 3442; 3489; 3563; 3621; 3655; 3833; 3896; 3978; 4088; 4319; 4486; 5425; 5480; 5497; 6276; 6855; 6958; 7648; 7661; 7782
Psp1406I	AA!CGTT	0	
Psp124BI	GAGCT!C	2	2840; 4331
PspCI	CAC!GTG	0	
PspEI	G!GTNACC	2	3493; 3910
PspGI	!CCWGG	34	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1634; 1829; 2213; 2894; 3206; 3337; 3421; 3442; 3489; 3563; 3621; 3655; 3833; 3896; 3978; 4088; 4319; 4486; 5425; 5480; 5497; 6276; 6855; 6958; 7648; 7661; 7782
PspLI	C!GTACG	0	
PspN4I	GGN!NCC	26	467; 675; 735; 1126; 1431; 1720; 2397; 3107; 3259; 3661; 3902; 3984; 4528; 5046; 5067; 5079; 5270; 5431; 5503; 5892; 5927; 6775; 6854; 6899; 7742; 7781
PspOMI	G!GGCCC	1	3900
PspOMII	CGCCARNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	125; 5621; 6620
PspOMII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNYTGGGCG	1	6023
PspPI	G!GNCC	24	83; 276; 769; 1012; 1104; 1125; 1209; 1430; 1493; 1827; 2161; 2892; 3509; 3901; 4092; 4296; 4350; 4490; 4998; 6407; 6852; 6898; 6956; 6989
PspPPI	RG!GWCCY	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PspPRI	CCYCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	8	2737; 3157; 3518; 3555; 3690; 5444; 5516; 7022
PspPRI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGRGG	7	864; 1292; 1599; 1737; 2594; 5357; 6552
PspXI	VC!TCGAGB	0	
PsrI	GAACNNNNNNNTACNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGTANNNNNNGTTC	0	
PsrI	GTANNNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGAACNNNNNNNTAC	0	
PssI	RGGNC!CY	2	3903; 6992
PstI	CTGCA!G	4	1610; 3395; 4379; 4521
PstNI	CAGNNN!CTG	6	1286; 2506; 3744; 4305; 6992; 7400
PsuI	R!GATCY	15	585; 1159; 1333; 1870; 2072; 3179; 4526; 4535; 6062; 6308; 6700; 7059; 7071; 7157; 7168
PsyI	GACN!NNGTC	3	1598; 4108; 6009
PteI	G!CGCGC	0	
PvuI	CGAT!CG	0	
PvuII	CAG!CTG	3	3907; 5389; 5997
RcaI	T!CATGA	3	4364; 5317; 7089
RceI	CATCGACNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	3690; 6406
RceI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGATG	0	
RgaI	GCGAT!CGC	0	
RigI	GGCCGG!CC	0	
RleAI	CCCACANNNNNNNNNNNN!	3	3765; 4294; 4620
RleAI	!NNNNNNNNNTGTGGG	2	3163; 3923
RpaBI	CCCGCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaBI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTGCGGG	0	
RpaB5I	CGRGGACNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaB5I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCCYCG	0	
RruI	TCG!CGA	1	4006
RsaI	GT!AC	23	219; 244; 299; 332; 383; 540; 664; 814; 1066; 1407; 1720; 2089; 2234; 2844; 2966; 3060; 3369; 3548; 3725; 4189; 4360; 4387; 6197
RsaNI	G!TAC	23	218; 243; 298; 331; 382; 539; 663; 813; 1065; 1406; 1719; 2088; 2233; 2843; 2965; 3059; 3368; 3547; 3724; 4188; 4359; 4386; 6196
RseI	CAYNN!NNRTG	7	365; 613; 652; 1057; 1514; 4150; 6328
RsrII	CG!GWCCG	1	6407
Rsr2I	CG!GWCCG	1	6407
SacI	GAGCT!C	2	2840; 4331
SacII	CCGC!GG	0	
SalI	G!TCGAC	0	
SapI	GCTCTCN!	0	
SapI	!NNNNGAAGAGC	3	623; 6235; 6445
SaqAI	T!TAA	27	7; 638; 863; 1319; 1768; 1945; 2005; 2225; 2338; 2755; 3353; 3772; 4334; 4592; 4653; 4774; 4795; 4806; 4818; 4829; 4846; 4944; 5215; 7034; 7048; 7053; 7105
SatI	GC!NGC	51	768; 819; 963; 1080; 1261; 1343; 1346; 1476; 1630; 2616; 2981; 3256; 3394; 3612; 3691; 3856; 3870; 3953; 3999; 4255; 4378; 4409; 4501; 4668; 5187; 5209; 5223; 5661; 5800; 5852; 5863; 5953; 5958; 5995; 6036; 6123; 6126; 6129; 6365; 6461; 6502; 6516; 6630; 6969; 6984; 7195; 7401; 7404; 7469; 7612; 7767
Sau96I	G!GNCC	24	83; 276; 769; 1012; 1104; 1125; 1209; 1430; 1493; 1827; 2161; 2892; 3509; 3901; 4092; 4296; 4350; 4490; 4998; 6407; 6852; 6898; 6956; 6989
Sau3AI	!GATC	38	585; 983; 1133; 1159; 1333; 1356; 1818; 1870; 2072; 2772; 2860; 3179; 3457; 3642; 3801; 3945; 4049; 4455; 4475; 4526; 4535; 4548; 5728; 5732; 5751; 6062; 6140; 6221; 6230; 6308; 6684; 6700; 7059; 7071; 7149; 7157; 7168; 7243
SbfI	CCTGCA!GG	0	
ScaI	AGT!ACT	1	3060
SchI	GAGTCNNNNN!	8	908; 1451; 2673; 3121; 3540; 4258; 4943; 5375
SchI	!NNNNNGACTC	7	404; 1322; 1589; 3442; 4950; 6556; 7433
SciI	CTC!GAG	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
ScrFI	CC!NGG	42	90; 283; 796; 844; 940; 955; 1084; 1193; 1426; 1427; 1636; 1831; 2215; 2896; 3208; 3339; 3423; 3444; 3491; 3565; 3623; 3657; 3835; 3898; 3980; 4090; 4128; 4321; 4488; 5427; 5482; 5499; 5895; 6055; 6278; 6668; 6857; 6960; 7432; 7650; 7663; 7784
SdaI	CCTGCA!GG	0	
SdeAI	CAGRAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	11	1050; 1118; 1569; 1714; 1892; 3478; 4407; 5469; 5541; 5710; 7652
SdeAI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTYCTG	2	6046; 6531
SdeOSI	GACNNNNRTGANNNNNNNNNNNNN!	1	279
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNTCAYNNNNNGTC	0	
SdeOSI	TCAYNNNNNGTCNNNNNNNNNNNNNN!	0	
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNGACNNNNRTGA	1	245
SduI	GDGCH!C	21	676; 703; 736; 1313; 2121; 2307; 2648; 2840; 3715; 3904; 3987; 4196; 4331; 5082; 5837; 5930; 6004; 6194; 6256; 6966; 7499
SelI	!CGCG	16	58; 4004; 4777; 4813; 5189; 5209; 5233; 5264; 5955; 6256; 6694; 6778; 6841; 6910; 7183; 7764
SetI	ASST!	120	125; 137; 178; 261; 308; 342; 447; 552; 568; 635; 662; 758; 808; 829; 980; 1115; 1133; 1184; 1252; 1256; 1271; 1295; 1350; 1355; 1403; 1454; 1492; 1622; 1637; 1724; 1790; 1854; 2039; 2134; 2153; 2182; 2186; 2216; 2301; 2310; 2436; 2445; 2465; 2494; 2682; 2719; 2795; 2840; 2890; 2897; 2927; 2948; 2993; 3075; 3093; 3139; 3343; 3392; 3471; 3511; 3569; 3633; 3672; 3743; 3772; 3849; 3894; 3909; 4033; 4091; 4143; 4176; 4193; 4211; 4231; 4322; 4331; 4349; 4364; 4502; 4581; 4602; 4611; 4623; 4672; 4839; 4954; 4966; 5009; 5046; 5096; 5119; 5243; 5391; 5486; 5679; 5792; 5920; 5999; 6010; 6082; 6153; 6197; 6457; 6603; 6647; 6978; 7009; 7068; 7111; 7254; 7275; 7374; 7511; 7526; 7545; 7557; 7601; 7647; 7698
SexAI	A!CCWGGT	2	3563; 5480
SfaAI	GCGAT!CGC	0	
SfaNI	GCATCNNNNN!	7	857; 4707; 5470; 5542; 6190; 6254; 6529
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 1010; 1049; 1178; 1506; 3176; 4419; 5849; 6104; 6320; 7712
SfcI	C!TRYAG	9	1606; 2687; 3291; 3391; 4375; 4517; 5226; 7353; 7544
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	5666
SfoI	GGC!GCC	1	5892
Sfr274I	C!TCGAG	0	
Sfr303I	CCGC!GG	0	
SfuI	TT!CGAA	1	6573
SgeI	CNNGNNNNNNNNN!	298	6; 36; 71; 97; 123; 223; 236; 252; 290; 307; 336; 373; 407; 426; 491; 548; 579; 604; 624; 660; 678; 708; 732; 750; 765; 807; 822; 855; 889; 902; 930; 951; 966; 993; 1027; 1048; 1068; 1081; 1095; 1113; 1126; 1143; 1158; 1176; 1197; 1231; 1269; 1292; 1310; 1337; 1366; 1391; 1414; 1437; 1453; 1491; 1508; 1522; 1543; 1592; 1638; 1653; 1687; 1734; 1755; 1798; 1834; 1861; 1878; 1939; 1984; 2095; 2112; 2134; 2164; 2205; 2226; 2242; 2277; 2312; 2376; 2398; 2412; 2430; 2476; 2494; 2585; 2620; 2662; 2680; 2714; 2758; 2830; 2844; 2860; 2884; 2901; 2934; 2950; 2996; 3053; 3121; 3155; 3195; 3219; 3276; 3318; 3338; 3351; 3388; 3409; 3434; 3455; 3489; 3502; 3518; 3542; 3576; 3593; 3610; 3634; 3651; 3668; 3685; 3698; 3711; 3739; 3771; 3799; 3822; 3846; 3859; 3875; 3892; 3909; 3927; 3943; 3961; 3986; 4005; 4019; 4033; 4056; 4072; 4101; 4139; 4169; 4183; 4203; 4227; 4242; 4270; 4283; 4311; 4332; 4350; 4365; 4382; 4401; 4426; 4446; 4471; 4494; 4545; 4598; 4627; 4669; 4752; 4790; 4826; 4910; 4932; 4964; 5001; 5019; 5038; 5053; 5095; 5112; 5129; 5164; 5178; 5195; 5217; 5241; 5265; 5330; 5344; 5382; 5398; 5438; 5451; 5470; 5493; 5510; 5523; 5542; 5572; 5593; 5610; 5633; 5668; 5695; 5726; 5748; 5774; 5796; 5815; 5843; 5879; 5898; 5921; 5935; 5955; 5968; 5982; 6001; 6015; 6034; 6066; 6080; 6093; 6119; 6150; 6163; 6180; 6197; 6211; 6228; 6246; 6261; 6289; 6305; 6324; 6346; 6362; 6385; 6404; 6429; 6448; 6468; 6495; 6519; 6552; 6571; 6599; 6613; 6679; 6703; 6718; 6741; 6762; 6779; 6827; 6854; 6868; 6897; 6921; 6954; 6971; 6991; 7004; 7017; 7075; 7102; 7121; 7151; 7176; 7196; 7210; 7235; 7253; 7290; 7328; 7357; 7385; 7399; 7419; 7434; 7455; 7469; 7488; 7506; 7522; 7562; 7582; 7609; 7627; 7648; 7661; 7674; 7691; 7715; 7738; 7770; 7795; 7822; 7844

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SgeI	!NNNNNNNNNNNNNCNNG	260	10; 45; 71; 97; 197; 226; 264; 281; 310; 347; 381; 400; 465; 522; 553; 578; 598; 634; 652; 682; 706; 724; 748; 781; 829; 863; 904; 925; 967; 1001; 1022; 1042; 1069; 1087; 1108; 1132; 1150; 1171; 1205; 1243; 1266; 1284; 1311; 1340; 1365; 1388; 1411; 1465; 1482; 1517; 1566; 1612; 1661; 1708; 1729; 1772; 1808; 1835; 1852; 1913; 1958; 2069; 2086; 2108; 2138; 2179; 2200; 2251; 2286; 2350; 2372; 2404; 2450; 2468; 2559; 2594; 2636; 2654; 2688; 2732; 2804; 2834; 2858; 2875; 2908; 2933; 2970; 3027; 3095; 3129; 3169; 3193; 3250; 3292; 3312; 3362; 3383; 3408; 3429; 3463; 3486; 3516; 3550; 3567; 3584; 3608; 3625; 3642; 3659; 3685; 3713; 3745; 3773; 3796; 3820; 3849; 3866; 3883; 3901; 3929; 3960; 3979; 3997; 4030; 4075; 4113; 4143; 4166; 4183; 4201; 4220; 4244; 4285; 4306; 4324; 4351; 4375; 4400; 4420; 4445; 4468; 4519; 4572; 4601; 4643; 4726; 4764; 4800; 4884; 4906; 4938; 4975; 4993; 5012; 5069; 5086; 5103; 5138; 5156; 5176; 5196; 5215; 5239; 5304; 5356; 5412; 5444; 5467; 5484; 5516; 5546; 5567; 5584; 5607; 5642; 5669; 5700; 5722; 5748; 5770; 5789; 5817; 5853; 5872; 5895; 5916; 5934; 5951; 5975; 6008; 6040; 6067; 6093; 6124; 6154; 6171; 6197; 6220; 6241; 6263; 6283; 6303; 6320; 6359; 6378; 6403; 6422; 6442; 6469; 6493; 6526; 6545; 6573; 6595; 6653; 6677; 6696; 6715; 6736; 6753; 6801; 6828; 6848; 6871; 6895; 6928; 6945; 6965; 6991; 7049; 7076; 7095; 7125; 7150; 7170; 7209; 7227; 7264; 7302; 7331; 7359; 7380; 7408; 7429; 7462; 7480; 7536; 7556; 7583; 7601; 7622; 7648; 7665; 7689; 7712; 7744; 7769; 7796; 7818; 7847
Sgfl	GCGAT!CGC	0	
SgrAI	CR!CCGGYG	0	
SgrBI	CCGC!GG	0	
SgrDI	CG!TCGACG	0	
SgsI	GG!CGCGCC	0	
SimI	GG!GTC	4	27; 5038; 6825; 7618
SimI	!GACCC	6	106; 3321; 3334; 6319; 6887; 7135
SinI	G!GWCC	7	1209; 1827; 2892; 3509; 4092; 6407; 6852
SlaI	C!TCGAG	0	
SmaI	CCC!GGG	1	1427
SmiI	ATTT!AAAT	0	
SmiMI	CAYNN!NNRTG	7	365; 613; 652; 1057; 1514; 4150; 6328
SmlI	C!TYRAG	6	1183; 3814; 6282; 7164; 7441; 7703
SmoI	C!TYRAG	6	1183; 3814; 6282; 7164; 7441; 7703
SmuI	CCCGCNNNN!	10	93; 119; 286; 1077; 1179; 5213; 5568; 5589; 6785; 6917
SmuI	!NNNNNNGCGGG	6	1114; 5144; 6014; 6551; 6689; 6836
SnaBI	TAC!GTA	1	340
SpeI	A!CTAGT	0	
SphI	GCATG!C	3	5461; 5533; 6296
SrfI	GCCC!GGGC	0	
Sse9I	!AATT	25	18; 1320; 1666; 1712; 1770; 1835; 2002; 2026; 2062; 2156; 2585; 2600; 2654; 2881; 3019; 4512; 4641; 4705; 4783; 4809; 4820; 5467; 5539; 5631; 7049
Sse8387I	CCTGCA!GG	0	
Sse8647I	AG!GWCCCT	0	
SseBI	AGG!CCT	2	3489; 5712
SsiI	C!CGC	37	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 932; 1070; 1172; 3953; 4095; 4177; 5206; 5209; 5223; 5313; 5561; 5573; 5582; 5594; 5604; 5615; 5661; 5800; 5863; 6365; 6410; 6476; 6502; 6627; 6630; 6778; 6910; 7217; 7361; 7857
SsiI	G!CGG	28	370; 403; 528; 767; 1079; 1121; 3255; 3855; 5151; 5178; 5266; 5376; 5957; 6021; 6122; 6125; 6405; 6460; 6558; 6696; 6843; 6983; 7226; 7471; 7592; 7611; 7738; 7766
SspI	AAT!ATT	2	4799; 5352
SspDI	G!GCGCC	1	5890
SspD5I	GGTGANNNNNNNN!	11	376; 1005; 1800; 2400; 2446; 2635; 3037; 3262; 4146; 6962; 7078
SspD5I	!NNNNNNNNTCACC	4	893; 2202; 5007; 6068
SstI	GAGCT!C	2	2840; 4331
SstII	CCGC!GG	0	
SstE37I	CGAAGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	938
SstE37I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCTTCG	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Sth132I	CCCGNNNN!	22	92; 118; 285; 860; 1076; 1178; 1199; 1432; 3048; 4028; 5090; 5212; 5567; 5588; 5901; 6304; 6443; 6514; 6784; 6916; 7146; 7584
Sth132I	!NNNNNNNNCGGG	24	15; 407; 470; 909; 1113; 1418; 3701; 3871; 4119; 5091; 5143; 5244; 5971; 6013; 6046; 6550; 6659; 6688; 6835; 6939; 6970; 7423; 7467; 7675
Sth302II	CC!GG	24	602; 1194; 1326; 1427; 1507; 2669; 4128; 4534; 5110; 5797; 5874; 5896; 5924; 6055; 6145; 6212; 6393; 6668; 6676; 6768; 7242; 7432; 7458; 7605
StrI	C!TCGAG	0	
StsI	GGATGNNNNNNNNNN!	12	1426; 2293; 3115; 3169; 3734; 4259; 4442; 4460; 5759; 6216; 6241; 6695
StsI	!NNNNNNNNNNNNNNCATCC	9	689; 777; 834; 989; 1666; 2318; 2761; 2892; 5563
StuI	AGG!CCT	2	3489; 5712
StyI	C!CWWGG	12	360; 611; 1433; 2121; 2649; 3505; 3602; 4196; 5620; 5713; 6323; 6728
StyD4I	!CCNGG	42	88; 281; 794; 842; 938; 953; 1082; 1191; 1424; 1425; 1634; 1829; 2213; 2894; 3206; 3337; 3421; 3442; 3489; 3563; 3621; 3655; 3833; 3896; 3978; 4088; 4126; 4319; 4486; 5425; 5480; 5497; 5893; 6053; 6276; 6666; 6855; 6958; 7430; 7648; 7661; 7782
SwaI	ATTT!AAAT	0	
TaaI	ACN!GT	25	76; 198; 269; 543; 581; 678; 1558; 2257; 2322; 2502; 2633; 3013; 3058; 3131; 3250; 3438; 4242; 4982; 6271; 6387; 6495; 6818; 7309; 7779; 7850
TaiI	ACGT!	20	125; 137; 178; 261; 342; 447; 980; 1256; 1492; 2993; 4193; 4364; 4954; 4966; 5009; 5119; 6010; 6197; 6978; 7111
TaqI	T!CGA	18	761; 788; 1256; 1530; 2022; 3666; 4454; 5040; 5731; 6004; 6160; 6184; 6220; 6382; 6573; 6618; 6873; 7711
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	3	4911; 5928; 6596
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	6840
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	3	751; 856; 4291
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	4	172; 3013; 5795; 6387
TasI	!AATT	25	18; 1320; 1666; 1712; 1770; 1835; 2002; 2026; 2062; 2156; 2585; 2600; 2654; 2881; 3019; 4512; 4641; 4705; 4783; 4809; 4820; 5467; 5539; 5631; 7049
TatI	W!GTACW	12	217; 297; 330; 381; 662; 2087; 2232; 2842; 2964; 3058; 3367; 4385
TauI	GCSG!C	20	770; 1082; 3258; 3858; 3955; 5211; 5225; 5663; 5802; 5865; 5960; 6125; 6128; 6367; 6463; 6504; 6632; 6986; 7614; 7769
TfiI	G!AWTC	14	749; 1226; 1368; 1975; 2174; 3418; 3652; 3706; 3830; 6376; 6510; 6620; 6657; 7835
TliI	C!TCGAG	0	
TruII	T!TAA	27	7; 638; 863; 1319; 1768; 1945; 2005; 2225; 2338; 2755; 3353; 3772; 4334; 4592; 4653; 4774; 4795; 4806; 4818; 4829; 4846; 4944; 5215; 7034; 7048; 7053; 7105
Tru9I	T!TAA	27	7; 638; 863; 1319; 1768; 1945; 2005; 2225; 2338; 2755; 3353; 3772; 4334; 4592; 4653; 4774; 4795; 4806; 4818; 4829; 4846; 4944; 5215; 7034; 7048; 7053; 7105
TscAI	CASTGNN!	17	1630; 1755; 1985; 2090; 2150; 2262; 2327; 2825; 3012; 3519; 4247; 4265; 4737; 6020; 7130; 7401; 7414
TseI	G!CWGC	31	818; 962; 1260; 1342; 1345; 1475; 1629; 2615; 2980; 3393; 3611; 3690; 3869; 3998; 4254; 4377; 4408; 4500; 4667; 5186; 5851; 5952; 5994; 6035; 6128; 6515; 6968; 7194; 7400; 7403; 7468
TsoI	TARCCANNNNNNNNNN!	4	2355; 3928; 4863; 5210
TsoI	!NNNNNNNNNTGGYTA	5	787; 3482; 3563; 4668; 6420
Tsp45I	!GTSAC	8	900; 1558; 2322; 3025; 3432; 5180; 6011; 6317
Tsp509I	!AATT	25	18; 1320; 1666; 1712; 1770; 1835; 2002; 2026; 2062; 2156; 2585; 2600; 2654; 2881; 3019; 4512; 4641; 4705; 4783; 4809; 4820; 5467; 5539; 5631; 7049
TspDTI	ATGAANNNNNNNNNN!	11	670; 1718; 1934; 2558; 2597; 3479; 3856; 4357; 4649; 5950; 6654
TspDTI	!NNNNNNNNNTTCAT	6	26; 798; 819; 6368; 6824; 7031
TspEI	!AATT	25	18; 1320; 1666; 1712; 1770; 1835; 2002; 2026; 2062; 2156; 2585; 2600; 2654; 2881; 3019; 4512; 4641; 4705; 4783; 4809; 4820; 5467; 5539; 5631; 7049
TspGWI	ACGGANNNNNNNNNN!	4	1892; 2387; 3902; 6766
TspGWI	!NNNNNNNNNTCCGT	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
TspMI	C!CCGGG	1	1425
TspRI	CASTGNN!	17	1630; 1755; 1985; 2090; 2150; 2262; 2327; 2825; 3012; 3519; 4247; 4265; 4737; 6020; 7130; 7401; 7414
TstI	CACNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	0	
TstI	!NNNNNNNGGANNNNNNGTG	1	3147
TstI	GGANNNNNNGTGNNNNNNNNNN!	1	3179
TstI	!NNNNNNNCCACNNNNNTCC	0	
Tth111I	GACN!NNGTC	3	1598; 4108; 6009
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNN!	5	2268; 3662; 3711; 4287; 7218
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	4	3148; 6326; 7186; 7225
UnbI	!GGNCC	24	82; 275; 768; 1011; 1103; 1124; 1208; 1429; 1492; 1826; 2160; 2891; 3508; 3900; 4091; 4295; 4349; 4489; 4997; 6406; 6851; 6897; 6955; 6988
Van91I	CCANNNN!NTGG	2	1218; 3311
Vha464I	C!TTAAG	0	
VneI	G!TGCAC	4	699; 2303; 2644; 7495
VpaK11AI	!GGWCC	7	1208; 1826; 2891; 3508; 4091; 6406; 6851
VpaK11BI	G!GWCC	7	1209; 1827; 2892; 3509; 4092; 6407; 6852
VspI	AT!TAAT	2	7; 2005
XagI	CCTNN!NNNAGG	1	4378
XapI	R!AATY	11	1666; 1712; 1770; 2062; 2585; 2654; 2881; 4512; 4705; 4809; 4820
XbaI	T!CTAGA	1	4538
XceI	RCATG!Y	6	651; 2705; 5461; 5533; 6296; 7813
XcmI	CCANNNNN!NNNNTGG	3	3756; 3904; 4440
XhoI	C!TCGAG	0	
XhoII	R!GATCY	15	585; 1159; 1333; 1870; 2072; 3179; 4526; 4535; 6062; 6308; 6700; 7059; 7071; 7157; 7168
XmaI	C!CCGGG	1	1425
XmaJI	C!CTAGG	2	5713; 6728
XmiI	GT!MKAC	2	1199; 3330
XmnI	GAANN!NNTTC	0	
XspI	C!TAG	17	592; 1298; 1675; 1849; 1927; 1972; 2947; 2984; 3326; 4234; 4539; 4740; 5158; 5714; 6729; 7063; 7316
ZraI	GAC!GTC	4	123; 176; 259; 445
ZrmI	AGT!ACT	1	3060
Zsp2I	ATGCA!T	5	1899; 3191; 5463; 5535; 7866