

## pFusionRed-vinculin vector

### Table of restriction sites

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AanI	TTA!TAA	2	4706; 4911
AarI	CACCTGCNNNN!	0	
AarI	!NNNNNNNNGCAGGTG	0	
AasI	GACNNNN!NNGTC	4	2142; 4994; 5950; 7739
AatI	AGG!CCT	5	2592; 3227; 3474; 4293; 5744
AatII	GACGT!C	4	125; 178; 261; 447
AbsI	CC!TCGAGG	0	
AccI	GT!MKAC	2	3828; 4444
AccII	CG!CG	18	60; 623; 729; 3839; 4572; 4847; 5223; 5243; 5267; 5298; 5989; 6290; 6728; 6812; 6875; 6944; 7217; 7798
AccIII	T!CCGGA	0	
Acc16I	TGC!GCA	1	6025
Acc36I	ACCTGCNNNN!	4	976; 2029; 6191; 6641
Acc36I	!NNNNNNNNGCAGGT	2	1658; 5810
Acc65I	G!GTACC	3	3429; 3796; 3833
AccB1I	G!GYRCC	10	465; 2447; 3429; 3796; 3833; 3918; 3978; 5076; 5922; 5957
AccB7I	CCANNNN!NTGG	3	1450; 1803; 4463
AccBSI	CCG!CTC	2	5347; 6536
AccBSI	GAG!CGG	3	4566; 5183; 6590
AceIII	CAGCTCNNNNNNN!	6	889; 1726; 2340; 3327; 3597; 4879
AceIII	!NNNNNNNNNNGAGCTG	3	552; 3070; 3864
AciI	C!CGC	41	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 598; 727; 739; 3132; 3135; 3837; 4177; 4315; 4417; 4570; 5238; 5241; 5255; 5345; 5593; 5605; 5614; 5626; 5636; 5647; 5693; 5832; 5895; 6397; 6442; 6508; 6534; 6659; 6662; 6810; 6942; 7249; 7393; 7889
AciI	G!CGG	35	370; 403; 528; 750; 2108; 2544; 2550; 3437; 3719; 3814; 3839; 4012; 4324; 4366; 4566; 5183; 5210; 5298; 5408; 5989; 6053; 6154; 6157; 6437; 6492; 6590; 6728; 6875; 7015; 7258; 7503; 7624; 7643; 7770; 7798
AclI	AA!CGTT	0	
AclWI	GGATCNNNN!	15	811; 1643; 2356; 2718; 2898; 2938; 3081; 3856; 5791; 6102; 6348; 6740; 7099; 7197; 7283
AclWI	!NNNNNGATCC	13	580; 1630; 1788; 1869; 2885; 2925; 3068; 3843; 4399; 6167; 6711; 7098; 7195
AcoI	Y!GGCCR	19	736; 751; 1117; 1648; 1990; 2002; 2047; 2062; 2173; 2533; 2827; 3088; 3496; 4522; 4567; 5829; 6003; 6394; 6421
AcsI	R!AATTY	7	1024; 2921; 3745; 3817; 4737; 4841; 4852
AcuI	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	7	1414; 1864; 3223; 3748; 4374; 6069; 6501
AcuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	3	873; 2764; 7299
AcvI	CAC!GTG	0	
AcyI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 2448; 4441; 5923; 6625; 6704
AdeI	CACNNN!GTG	4	674; 1169; 4514; 5039
AfaI	GT!AC	15	219; 244; 299; 332; 383; 540; 2077; 2558; 3431; 3798; 3835; 3909; 4059; 4311; 6229
AfeI	AGC!GCT	0	
AfiI	CCNNNNN!NNGG	30	49; 647; 770; 1450; 1477; 1803; 2045; 2164; 2900; 3116; 3551; 3975; 4254; 4320; 4463; 4935; 5261; 5653; 5904; 6448; 6729; 6761; 6893; 6928; 6978; 7010; 7363; 7642; 7808; 7826
AflIII	C!TTAAG	1	4805
AflIII	A!CRYGT	1	7841
AgeI	A!CCGGT	2	1643; 3854
AgsI	TTS!AA	12	792; 815; 2505; 2724; 3153; 3739; 3941; 5334; 5378; 5388; 5801; 7377
AhdI	GACNNN!NNGTC	0	
AhlI	A!CTAGT	0	
AjiI	CAC!GTC	0	
AjiI	GAC!GTG	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Ajnl	!CCWGG	31	88; 281; 640; 670; 871; 1100; 1156; 1374; 1438; 1475; 2275; 2623; 2660; 2803; 3035; 3055; 3076; 3792; 4039; 4183; 4198; 4327; 5457; 5512; 5529; 6308; 6887; 6990; 7680; 7693; 7814
AjuI	GAANNNNNNNTTGGNNNNNNNNNN!	1	1427
AjuI	!NNNNNNCCAANNNNNNNTTC	0	
AjuI	CCAANNNNNNNTTCNNNNNNNNNN!	0	
AjuI	!NNNNNNNGAANNNNNNNTTGG	1	1395
AleI	CACNN!NNGTG	2	2108; 3867
AlfI	GCANNNNNTGCGNNNNNNNNNN!	4	1771; 3402; 5497; 5569
AlfI	!NNNNNNNNNGCANNNNNTGC	4	1737; 3368; 5463; 5535
AloI	GAACNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	1	5005
AloI	!NNNNNNNGGANNNNNNGTTC	2	2922; 3240
AloI	GGANNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	2	2954; 3272
AloI	!NNNNNNNGAACNNNNNTCC	1	4973
AluI	AG!CT	46	566; 866; 879; 1148; 1227; 1281; 1521; 1662; 1716; 1724; 1848; 2073; 2255; 2267; 2330; 2358; 2426; 2496; 2522; 2673; 2823; 2958; 3012; 3052; 3084; 3176; 3317; 3330; 3587; 3726; 3732; 3878; 3905; 4051; 4358; 4702; 4869; 5126; 5421; 5709; 6029; 6487; 7284; 7541; 7587; 7677
AluBI	AG!CT	46	566; 866; 879; 1148; 1227; 1281; 1521; 1662; 1716; 1724; 1848; 2073; 2255; 2267; 2330; 2358; 2426; 2496; 2522; 2673; 2823; 2958; 3012; 3052; 3084; 3176; 3317; 3330; 3587; 3726; 3732; 3878; 3905; 4051; 4358; 4702; 4869; 5126; 5421; 5709; 6029; 6487; 7284; 7541; 7587; 7677
AlwI	GGATCNNNN!	15	811; 1643; 2356; 2718; 2898; 2938; 3081; 3856; 5791; 6102; 6348; 6740; 7099; 7197; 7283
AlwI	!NNNNNGATCC	13	580; 1630; 1788; 1869; 2885; 2925; 3068; 3843; 4399; 6167; 6711; 7098; 7195
Alw21I	GWGCW!C	9	1150; 1165; 1693; 2318; 3522; 3948; 6036; 6226; 7531
Alw26I	GTCTCN!	3	434; 2636; 3409
Alw26I	!NNNNNGAGAC	12	777; 1053; 1130; 2685; 3705; 4296; 4386; 4485; 5347; 5765; 6784; 6912
Alw44I	G!TGCAC	3	3518; 3944; 7527
AlwNI	CAGNNN!CTG	7	912; 1682; 2021; 2849; 3759; 7024; 7432
Ama87I	C!YCGRG	4	916; 1981; 2608; 3844
Aor13HI	T!CCGGA	0	
Aor51HI	AGC!GCT	0	
ApaI	GGGCC!C	1	3845
ApaBI	GCANNNNN!TGC	4	2022; 5491; 5563; 7025
ApaLI	G!TGCAC	3	3518; 3944; 7527
ApeKI	G!CWGC	34	876; 1208; 1713; 1773; 2070; 2154; 2280; 2439; 2493; 2547; 2637; 2673; 2958; 3306; 3366; 3369; 3732; 3811; 4063; 4207; 4505; 4699; 5218; 5883; 5984; 6026; 6067; 6160; 6547; 7000; 7226; 7432; 7435; 7500
ApoI	R!AATY	7	1024; 2921; 3745; 3817; 4737; 4841; 4852
ApyPI	ATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6438
ApyPI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGAT	3	6232; 6885; 7723
AquII	GCCGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	3651; 6322
AquII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCGGC	1	4039
AquIII	GAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	712; 3670; 5751
AquIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTC	1	3162
AquIV	GRGGAAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1300; 2314
AquIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCYC	1	6493
ArsI	GACNNNNNTTYGNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNCRAANNNNNNNGTC	0	
ArsI	CRAANNNNNNNGTCNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNNNNGACNNNNNTTYG	0	
AscI	GG!CGGCC	0	
AseI	AT!TAAT	2	7; 1327
Asi256I	G!ATC	37	586; 629; 662; 804; 1508; 1602; 1636; 1766; 1794; 1875; 1944; 2223; 2349; 2711; 2891; 2931; 3074; 3849; 4379; 4405; 4581; 5761; 5765; 5784; 6095; 6173; 6254; 6263; 6341; 6717; 6733; 7092; 7104; 7182; 7190; 7201; 7276
AsiGI	A!CCGGT	2	1643; 3854
AsiSI	GCGAT!CGC	0	
AspI	GACN!NNGTC	1	6041
Asp700I	GAANN!NNTTC	2	2584; 3026

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Asp718I	G!GTACC	3	3429; 3796; 3833
AspA2I	C!CTAGG	3	3222; 5745; 6760
AspEI	GACNNN!NNGTC	0	
AspLEI	GCG!C	28	625; 731; 2450; 2462; 3379; 3775; 4338; 4545; 5189; 5197; 5223; 5245; 5254; 5267; 5298; 5917; 5925; 5989; 6026; 6292; 6552; 6728; 6814; 7217; 7326; 7500; 7600; 7667
AspS9I	G!GNCC	27	83; 276; 995; 1098; 1378; 1806; 2009; 2208; 2249; 2606; 2881; 3212; 3340; 3623; 3628; 3842; 4014; 4257; 4349; 4370; 4454; 5030; 6439; 6884; 6930; 6988; 7021
AssI	AGT!ACT	0	
AsuII	TT!CGAA	2	3749; 6605
AsuC2I	CC!SGG	11	771; 2040; 2163; 3275; 3846; 4090; 4438; 5927; 6087; 6700; 7464
AsuHPI	GGTGANNNNNNNN!	14	376; 686; 1190; 1500; 1545; 3008; 3219; 3293; 3497; 3881; 4250; 4560; 6994; 7110
AsuHPI	!NNNNNNNTCACC	7	716; 1146; 1346; 1633; 4139; 5040; 6101
AsuNHI	G!CTAGC	1	591
AvaI	C!YCGRG	4	916; 1981; 2608; 3844
AvaII	G!GWCC	9	995; 1806; 2249; 3212; 3340; 3628; 4454; 6439; 6884
AviII	TGC!GCA	1	6025
AvrII	C!CTAGG	3	3222; 5745; 6760
AxyI	CC!TNAGG	5	2305; 3115; 4123; 5403; 7035
BaeI	ACNNNNGTAYCNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNGRTACNNNNNGT	0	
BaeI	GRTACNNNNGTNNNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNNNACNNNNNGTAYC	0	
BaeGI	GKGC!C	9	3443; 3522; 3845; 3921; 3948; 3981; 5869; 5962; 7531
BalI	TGG!CCA	10	1119; 1650; 1992; 2004; 2049; 2829; 3090; 3498; 4524; 6005
BamHI	G!GATCC	5	1635; 2890; 2930; 3073; 3848
BanI	G!GYRCC	10	465; 2447; 3429; 3796; 3833; 3918; 3978; 5076; 5922; 5957
BanII	GRGCY!C	5	1150; 3845; 5114; 6288; 6998
BanIII	AT!CGAT	3	1768; 2713; 5763
BarI	GAAGNNNNNTACNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGTANNNNNNCTTC	0	
BarI	GTANNNNNNCTTCNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGAAGNNNNNNNTAC	0	
BasI	CCANNN!NTGG	3	1450; 1803; 4463
BauI	C!ACGAG	5	684; 2311; 4509; 6641; 7668
BauI	C!TCGTG	2	4359; 6515
BbeI	GGCGC!C	2	2451; 5926
Bbr7I	GAAGACNNNNNN!	3	1963; 2612; 4170
Bbr7I	!NNNNNNNNNNNGTCTTC	0	
BbrPI	CAC!GTG	0	
BbsI	GAAGACNN!	3	1958; 2607; 4165
BbsI	!NNNNNNNGTCTTC	0	
BbuI	GCATG!C	3	5493; 5565; 6328
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	15	888; 1725; 2082; 2451; 2505; 3378; 3823; 4075; 4517; 4711; 5996; 6038; 6559; 7012; 7512
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	1195; 1760; 2141; 2267; 2534; 2624; 2660; 2945; 3293; 3719; 4194; 5205; 5870; 6054; 6147; 7213; 7419
Bbv12I	GWGCW!C	9	1150; 1165; 1693; 2318; 3522; 3948; 6036; 6226; 7531
BbvCI	CC!TCAGC	0	
BbvCI	GC!TGAGG	1	991
BccI	CCATCNNNN!	8	1506; 2166; 2427; 2991; 5053; 5617; 6143; 6645
BccI	!NNNNNGATGG	10	927; 1109; 2198; 2987; 3296; 3386; 4545; 5021; 5801; 6229
BceAI	ACGGCNNNNNNNNNN!	11	719; 2023; 2461; 2548; 2620; 4076; 4220; 4271; 4337; 6349; 6836
BceAI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	726; 5064; 5882; 7341
Bcefl	ACGGCNNNNNNNNNN!	11	719; 2023; 2461; 2548; 2620; 4076; 4220; 4271; 4337; 6349; 6836
Bcefl	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	727; 5065; 5883; 7342
BcgI	CGANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNNGCANNNNNNTCG	0	
BcgI	GCANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNNNCGANNNNNNTGC	0	
BciVI	GTATCCNNNNNN!	3	5352; 6142; 7643

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BciVI	!NNNNNGGATAC	0	
BclI	T!GATCA	1	1601
BcnI	CC!SGG	11	771; 2040; 2163; 3275; 3846; 4090; 4438; 5927; 6087; 6700; 7464
BcuI	A!CTAGT	0	
BdaI	TGANNNNNNTCANNNNNNNNNNNN!	1	7776
BdaI	!NNNNNNNNNNNTGANNNNNNNTCA	1	7742
BfaI	C!TAG	12	592; 1305; 1465; 1587; 3223; 4578; 4772; 5190; 5746; 6761; 7095; 7348
BfiI	ACTGGGNNNNN!	1	5872
BfiI	!NNNNCCCAGT	2	289; 5624
BfmI	C!TRYAG	6	2013; 2022; 3822; 5258; 7385; 7576
BfoI	RGCGC!Y	6	2451; 4546; 5190; 5198; 5926; 7601
BfrI	C!TTAAG	1	4805
BfuI	GTATCCNNNNNN!	3	5352; 6142; 7643
BfuI	!NNNNNGGATAC	0	
BfuAI	ACCTGCNNNN!	4	976; 2029; 6191; 6641
BfuAI	!NNNNNNNNNGCAGGT	2	1658; 5810
BfuCI	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
BglI	GCCNNNN!NGGC	9	90; 212; 283; 747; 2216; 2268; 2541; 4333; 5698
BglII	A!GATCT	4	661; 1507; 1943; 2222
BisI	GC!NGC	56	739; 751; 877; 1209; 1714; 1774; 2071; 2155; 2281; 2440; 2494; 2545; 2548; 2638; 2674; 2959; 3135; 3307; 3367; 3370; 3733; 3812; 4013; 4064; 4208; 4325; 4506; 4570; 4700; 5219; 5241; 5255; 5693; 5832; 5884; 5895; 5985; 5990; 6027; 6068; 6155; 6158; 6161; 6397; 6493; 6534; 6548; 6662; 7001; 7016; 7227; 7433; 7436; 7501; 7644; 7799
BlnI	C!CTAGG	3	3222; 5745; 6760
BlpI	GC!TNAGC	1	1663
BlsI	GCN!GC	56	740; 752; 878; 1210; 1715; 1775; 2072; 2156; 2282; 2441; 2495; 2546; 2549; 2639; 2675; 2960; 3136; 3308; 3368; 3371; 3734; 3813; 4014; 4065; 4209; 4326; 4507; 4571; 4701; 5220; 5242; 5256; 5694; 5833; 5885; 5896; 5986; 5991; 6028; 6069; 6156; 6159; 6162; 6398; 6494; 6535; 6549; 6663; 7002; 7017; 7228; 7434; 7437; 7502; 7645; 7800
BmcAI	AGT!ACT	0	
Bme18I	G!GWCC	9	995; 1806; 2249; 3212; 3340; 3628; 4454; 6439; 6884
Bme1390I	CC!NGG	42	90; 283; 642; 672; 771; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2040; 2163; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3275; 3794; 3846; 4041; 4090; 4185; 4200; 4329; 4438; 5459; 5514; 5531; 5927; 6087; 6310; 6700; 6889; 6992; 7464; 7682; 7695; 7816
BmeRI	GACNNN!NNGTC	0	
BmeT110I	C!YCGRG	4	916; 1981; 2608; 3844
BmgBI	CAC!GTC	0	
BmgBI	GAC!GTG	0	
BmgT120I	GG!NCC	27	84; 277; 996; 1099; 1379; 1807; 2010; 2209; 2250; 2607; 2882; 3213; 3341; 3624; 3629; 3843; 4015; 4258; 4350; 4371; 4455; 5031; 6440; 6885; 6931; 6989; 7022
BmiI	GGN!NCC	33	467; 646; 1455; 1637; 2209; 2449; 2658; 2892; 2932; 3075; 3121; 3214; 3431; 3798; 3835; 3843; 3850; 3920; 3980; 4371; 5078; 5099; 5111; 5302; 5463; 5535; 5924; 5959; 6807; 6886; 6931; 7774; 7813
BmrI	ACTGGGNNNNN!	1	5872
BmrI	!NNNNCCCAGT	2	289; 5624
BmrFI	CC!NGG	42	90; 283; 642; 672; 771; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2040; 2163; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3275; 3794; 3846; 4041; 4090; 4185; 4200; 4329; 4438; 5459; 5514; 5531; 5927; 6087; 6310; 6700; 6889; 6992; 7464; 7682; 7695; 7816
BmsI	GCATCNNNNN!	11	646; 955; 2192; 2331; 4102; 4739; 5502; 5574; 6222; 6286; 6561
BmsI	!NNNNNNNNNGATGC	18	357; 874; 1361; 1472; 1760; 2353; 2447; 2765; 2836; 2993; 3658; 3746; 4255; 4423; 5881; 6136; 6352; 7744
BmtI	GCTAG!C	1	595

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BmuI	ACTGGGNNNNN!	1	5872
BmuI	!NNNNCCCAGT	2	289; 5624
BoxI	GACNN!NNGTC	1	4497
BpiI	GAAGACNN!	3	1958; 2607; 4165
BpiI	!NNNNNNGTCTTC	0	
BpII	GAGNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	2	5712; 6611
BpII	!NNNNNNNNGAGNNNNNCTC	2	5680; 6579
BpmI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNN!	2	663; 6763
BpmI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	3	1957; 4182; 6706
Bpu10I	CC!TNAGC	1	3262
Bpu10I	GC!TNAGG	1	991
Bpu14I	TT!CGAA	2	3749; 6605
Bpu1102I	GC!TNAGC	1	1663
BpuAI	GAAGACNN!	3	1958; 2607; 4165
BpuAI	!NNNNNNGTCTTC	0	
BpuEI	CTTGAGNNNNNNNNNNNNNNN!	4	2103; 4410; 7217; 7756
BpuEI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCAAG	3	4413; 6299; 7458
BpuMI	CC!SGG	11	771; 2040; 2163; 3275; 3846; 4090; 4438; 5927; 6087; 6700; 7464
BpvUI	CGAT!CG	1	631
BsaI	GGTCTCN!	1	2636
BsaI	!NNNNNGAGACC	4	2685; 4386; 4485; 6912
Bsa29I	AT!CGAT	3	1768; 2713; 5763
BsaAI	YAC!GTR	3	340; 5039; 6227
BsaBI	GATNN!NNATC	2	4585; 5782
BsaHI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 2448; 4441; 5923; 6625; 6704
BsaJI	C!CNNGG	43	360; 733; 1265; 1375; 1475; 1476; 1907; 1987; 2005; 2138; 2162; 2443; 2623; 2660; 2926; 3035; 3077; 3091; 3222; 3274; 3457; 3469; 3499; 3792; 3837; 3844; 3865; 3952; 4183; 5457; 5529; 5652; 5687; 5696; 5745; 6086; 6355; 6760; 6887; 6888; 6990; 6991; 7681
BsaMI	GAATGCN!	2	857; 4674
BsaMI	G!CATTC	2	2584; 4767
BsaWI	W!CCGGW	9	1643; 1808; 2887; 3804; 3854; 5954; 6798; 7488; 7635
BsaXI	ACNNNNNCTCCNNNNNNNNNN!	3	2429; 2465; 5003
BsaXI	!NNNNNNGGAGNNNNNGT	0	
BsaXI	GGAGNNNNNGTNNNNNNNNNN!	0	
BsaXI	!NNNNNNNNNACNNNNNCTCC	3	2399; 2435; 4973
BsbI	CAACACNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
BsbI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGTTG	2	4924; 6831
Bsc4I	CCNNNNN!NNGG	30	49; 647; 770; 1450; 1477; 1803; 2045; 2164; 2900; 3116; 3551; 3975; 4254; 4320; 4463; 4935; 5261; 5653; 5904; 6448; 6729; 6761; 6893; 6928; 6978; 7010; 7363; 7642; 7808; 7826
BscAI	GCATCNNNN!	11	645; 954; 2191; 2330; 4101; 4738; 5501; 5573; 6221; 6285; 6560
BscAI	!NNNNNNGATGC	18	360; 877; 1364; 1475; 1763; 2356; 2450; 2768; 2839; 2996; 3661; 3749; 4258; 4426; 5884; 6139; 6355; 7747
BseI	ACTGGN!	6	1788; 4468; 4541; 5867; 6068; 7314
BseI	C!CAGT	10	295; 609; 1212; 2705; 2866; 3800; 4952; 5630; 7426; 7439
Bse8I	GATNN!NNATC	2	4585; 5782
Bse21I	CC!TNAGG	5	2305; 3115; 4123; 5403; 7035
Bse118I	R!CCGGY	8	647; 1643; 2060; 3854; 5140; 6242; 6423; 6706
BseAI	T!CCGGA	0	
BseBI	CC!WGG	31	90; 283; 642; 672; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3794; 4041; 4185; 4200; 4329; 5459; 5514; 5531; 6310; 6889; 6992; 7682; 7695; 7816
BseCI	AT!CGAT	3	1768; 2713; 5763
BseDI	C!CNNGG	43	360; 733; 1265; 1375; 1475; 1476; 1907; 1987; 2005; 2138; 2162; 2443; 2623; 2660; 2926; 3035; 3077; 3091; 3222; 3274; 3457; 3469; 3499; 3792; 3837; 3844; 3865; 3952; 4183; 5457; 5529; 5652; 5687; 5696; 5745; 6086; 6355; 6760; 6887; 6888; 6990; 6991; 7681
Bse3DI	GCAATGNN!	2	3359; 6156
Bse3DI	!CATTGC	2	1753; 3361
BseGI	GGATGNN!	12	1370; 1487; 1691; 2138; 2368; 2780; 3008; 3254; 5783; 6240; 6265; 6719
BseGI	!CATCC	7	637; 946; 2158; 3948; 4036; 4093; 5609

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BseJI	GATNN!NNATC	2	4585; 5782
BseLI	CCNNNNN!NNGG	30	49; 647; 770; 1450; 1477; 1803; 2045; 2164; 2900; 3116; 3551; 3975; 4254; 4320; 4463; 4935; 5261; 5653; 5904; 6448; 6729; 6761; 6893; 6928; 6978; 7010; 7363; 7642; 7808; 7826
BseMI	GCAATGNN!	2	3359; 6156
BseMI	!CATTGC	2	1753; 3361
BseMII	CTCAGNNNNNNNNNN!	13	894; 919; 1677; 1791; 2319; 2340; 2394; 2608; 2856; 3076; 3129; 3490; 7049
BseMII	!NNNNNNNNCTGAG	11	790; 982; 3253; 3388; 3643; 4114; 5394; 5696; 6577; 7149; 7558
BseNI	ACTGGN!	6	1788; 4468; 4541; 5867; 6068; 7314
BseNI	C!CAGT	10	295; 609; 1212; 2705; 2866; 3800; 4952; 5630; 7426; 7439
BsePI	G!CGCGC	0	
BseRI	GAGGAGNNNNNNNNNN!	3	702; 3660; 5741
BseRI	!NNNNNNNNCTCCTC	1	3172
BseSI	GKGCMLC	9	3443; 3522; 3845; 3921; 3948; 3981; 5869; 5962; 7531
BseXI	GCAGCNNNNNNNN!	15	888; 1725; 2082; 2451; 2505; 3378; 3823; 4075; 4517; 4711; 5996; 6038; 6559; 7012; 7512
BseXI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	1195; 1760; 2141; 2267; 2534; 2624; 2660; 2945; 3293; 3719; 4194; 5205; 5870; 6054; 6147; 7213; 7419
BseX3I	C!GGCCG	4	751; 2533; 4567; 5829
BseYI	C!CCAGC	6	2263; 3583; 4247; 5466; 5538; 7537
BseYI	G!CTGGG	5	2856; 3620; 3775; 4285; 6427
BsgI	GTGCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	765; 1564
BsgI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGCAC	0	
Bsh1236I	CG!CG	18	60; 623; 729; 3839; 4572; 4847; 5223; 5243; 5267; 5298; 5989; 6290; 6728; 6812; 6875; 6944; 7217; 7798
Bsh1285I	CGRY!CG	7	631; 754; 2536; 3859; 4570; 5832; 7507
BshFI	GG!CC	59	84; 277; 738; 753; 1100; 1119; 1380; 1416; 1443; 1497; 1650; 1992; 2004; 2010; 2049; 2064; 2175; 2210; 2373; 2535; 2592; 2607; 2829; 2883; 3090; 3227; 3273; 3474; 3498; 3612; 3625; 3660; 3843; 4015; 4258; 4293; 4327; 4350; 4372; 4482; 4524; 4569; 4889; 5031; 5686; 5692; 5701; 5744; 5831; 6005; 6396; 6423; 6932; 6989; 7022; 7367; 7801; 7819; 7830
BshNI	G!GYRCC	10	465; 2447; 3429; 3796; 3833; 3918; 3978; 5076; 5922; 5957
BshTI	A!CCGGT	2	1643; 3854
BshVI	AT!CGAT	3	1768; 2713; 5763
BsiEI	CGRY!CG	7	631; 754; 2536; 3859; 4570; 5832; 7507
BsiHKAI	GWGCW!C	9	1150; 1165; 1693; 2318; 3522; 3948; 6036; 6226; 7531
BsiHKCI	C!YCGRG	4	916; 1981; 2608; 3844
BsiSI	C!CGG	31	648; 770; 1644; 1809; 2039; 2061; 2162; 2888; 3274; 3626; 3805; 3845; 3855; 4089; 4438; 5141; 5828; 5905; 5927; 5955; 6086; 6176; 6243; 6424; 6699; 6707; 6799; 7273; 7463; 7489; 7636
BsiWI	C!GTACG	0	
BsII	CCNNNNN!NNGG	30	49; 647; 770; 1450; 1477; 1803; 2045; 2164; 2900; 3116; 3551; 3975; 4254; 4320; 4463; 4935; 5261; 5653; 5904; 6448; 6729; 6761; 6893; 6928; 6978; 7010; 7363; 7642; 7808; 7826
BsIFI	GGGACNNNNNNNNNN!	6	175; 326; 494; 6074; 6606; 6715
BsIFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	5	3198; 5439; 5511; 5575; 6870
BsmI	GAATGCN!	2	857; 4674
BsmI	G!CATTC	2	2584; 4767
BsmAI	GTCTCN!	3	434; 2636; 3409
BsmAI	!NNNNNGAGAC	12	777; 1053; 1130; 2685; 3705; 4296; 4386; 4485; 5347; 5765; 6784; 6912
BsmBI	CGTCTCN!	0	
BsmBI	!NNNNNGAGACG	1	4296
BsmFI	GGGACNNNNNNNNNN!	6	175; 326; 494; 6074; 6606; 6715
BsmFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	5	3198; 5439; 5511; 5575; 6870
BsnI	GG!CC	59	84; 277; 738; 753; 1100; 1119; 1380; 1416; 1443; 1497; 1650; 1992; 2004; 2010; 2049; 2064; 2175; 2210; 2373; 2535; 2592; 2607; 2829; 2883; 3090; 3227; 3273; 3474; 3498; 3612; 3625; 3660; 3843; 4015; 4258; 4293; 4327; 4350; 4372; 4482; 4524; 4569; 4889; 5031; 5686; 5692; 5701; 5744; 5831; 6005; 6396; 6423; 6932; 6989; 7022; 7367; 7801; 7819; 7830
Bso31I	GGTCTCN!	1	2636
Bso31I	!NNNNNGAGACC	4	2685; 4386; 4485; 6912
BsoBI	C!YCGRG	4	916; 1981; 2608; 3844

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Bsp13I	T!CCGGA	0	
Bsp19I	C!CATGG	4	360; 3865; 5652; 6355
Bsp24I	GACNNNNNTGGNNNNNNNNNNNN!	2	289; 6726
Bsp24I	!NNNNNNNCCANNNNNNNGTC	2	7147; 7325
Bsp24I	CCANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	2	7179; 7357
Bsp24I	!NNNNNNNNGACNNNNNNNTGG	2	257; 6694
Bsp68I	TCG!CGA	0	
Bsp119I	TT!CGAA	2	3749; 6605
Bsp120I	G!GGCCC	1	3841
Bsp143I	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
Bsp1286I	GDGCH!C	18	1150; 1165; 1693; 2318; 3443; 3522; 3845; 3921; 3948; 3981; 5114; 5869; 5962; 6036; 6226; 6288; 6998; 7531
Bsp1407I	T!GTACA	2	2075; 3907
Bsp1720I	GC!TNAGC	1	1663
BspACI	C!CGC	41	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 598; 727; 739; 3132; 3135; 3837; 4177; 4315; 4417; 4570; 5238; 5241; 5255; 5345; 5593; 5605; 5614; 5626; 5636; 5647; 5693; 5832; 5895; 6397; 6442; 6508; 6534; 6659; 6662; 6810; 6942; 7249; 7393; 7889
BspACI	G!CGG	35	370; 403; 528; 750; 2108; 2544; 2550; 3437; 3719; 3814; 3839; 4012; 4324; 4366; 4566; 5183; 5210; 5298; 5408; 5989; 6053; 6154; 6157; 6437; 6492; 6590; 6728; 6875; 7015; 7258; 7503; 7624; 7643; 7770; 7798
BspCNI	CTCAGNNNNNNNN!	13	893; 918; 1676; 1790; 2318; 2339; 2393; 2607; 2855; 3075; 3128; 3489; 7048
BspCNI	!NNNNNNNCTGAG	11	791; 983; 3254; 3389; 3644; 4115; 5395; 5697; 6578; 7150; 7559
BspDI	AT!CGAT	3	1768; 2713; 5763
BspD6I	GACTCNNNN!	11	418; 1433; 2345; 2386; 3068; 3496; 3796; 4582; 4996; 6602; 7479
BspD6I	!NNNNNNGAGTC	6	2136; 2293; 3641; 4137; 4959; 5391
BspEI	T!CCGGA	0	
BspFNI	CG!CG	18	60; 623; 729; 3839; 4572; 4847; 5223; 5243; 5267; 5298; 5989; 6290; 6728; 6812; 6875; 6944; 7217; 7798
BspHI	T!CATGA	2	5349; 7121
BspLI	GGN!NCC	33	467; 646; 1455; 1637; 2209; 2449; 2658; 2892; 2932; 3075; 3121; 3214; 3431; 3798; 3835; 3843; 3850; 3920; 3980; 4371; 5078; 5099; 5111; 5302; 5463; 5535; 5924; 5959; 6807; 6886; 6931; 7774; 7813
BspMI	ACCTGCNNNN!	4	976; 2029; 6191; 6641
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	2	1658; 5810
BspOI	GCTAG!C	1	595
BspPI	GGATCNNNN!	15	811; 1643; 2356; 2718; 2898; 2938; 3081; 3856; 5791; 6102; 6348; 6740; 7099; 7197; 7283
BspPI	!NNNNNGATCC	13	580; 1630; 1788; 1869; 2885; 2925; 3068; 3843; 4399; 6167; 6711; 7098; 7195
BspQI	GCTCTCN!	0	
BspQI	!NNNNGAAGAGC	3	1813; 6267; 6477
BspTI	C!TTAAG	1	4805
BspT104I	TT!CGAA	2	3749; 6605
BspT107I	G!GYRCC	10	465; 2447; 3429; 3796; 3833; 3918; 3978; 5076; 5922; 5957
BspTNI	GGTCTCN!	1	2636
BspTNI	!NNNNNGAGACC	4	2685; 4386; 4485; 6912
BsrI	ACTGGN!	6	1788; 4468; 4541; 5867; 6068; 7314
BsrI	C!CAGT	10	295; 609; 1212; 2705; 2866; 3800; 4952; 5630; 7426; 7439
BsrBI	CCG!CTC	2	5347; 6536
BsrBI	GAG!CGG	3	4566; 5183; 6590
BsrDI	GCAATGNN!	2	3359; 6156
BsrDI	!CATTGC	2	1753; 3361
BsrFI	R!CCGGY	8	647; 1643; 2060; 3854; 5140; 6242; 6423; 6706
BsrGI	T!GTACA	2	2075; 3907
BsrSI	ACTGGN!	6	1788; 4468; 4541; 5867; 6068; 7314
BsrSI	C!CAGT	10	295; 609; 1212; 2705; 2866; 3800; 4952; 5630; 7426; 7439
BssAI	R!CCGGY	8	647; 1643; 2060; 3854; 5140; 6242; 6423; 6706

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BssECI	C!CNGGG	43	360; 733; 1265; 1375; 1475; 1476; 1907; 1987; 2005; 2138; 2162; 2443; 2623; 2660; 2926; 3035; 3077; 3091; 3222; 3274; 3457; 3469; 3499; 3792; 3837; 3844; 3865; 3952; 4183; 5457; 5529; 5652; 5687; 5696; 5745; 6086; 6355; 6760; 6887; 6888; 6990; 6991; 7681
BssHII	G!CGCGC	0	
BssKI	!CCNGG	42	88; 281; 640; 670; 769; 871; 1100; 1156; 1374; 1438; 1475; 2038; 2161; 2275; 2623; 2660; 2803; 3035; 3055; 3076; 3273; 3792; 3844; 4039; 4088; 4183; 4198; 4327; 4436; 5457; 5512; 5529; 5925; 6085; 6308; 6698; 6887; 6990; 7462; 7680; 7693; 7814
BssMI	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
BssNI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 2448; 4441; 5923; 6625; 6704
BssNAI	GTA!TAC	0	
BssSI	C!ACGAG	5	684; 2311; 4509; 6641; 7668
BssSI	C!TCGTG	2	4359; 6515
BssT1I	C!CWWGG	14	360; 1265; 1907; 1987; 3091; 3222; 3457; 3469; 3499; 3865; 5652; 5745; 6355; 6760
Bst6I	CTCTTCN!	0	
Bst6I	!NNNNGAAGAG	8	810; 1398; 1813; 2467; 3247; 5390; 6267; 6477
Bst98I	C!TTAAG	1	4805
Bst1107I	GTA!TAC	0	
BstACI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 2448; 4441; 5923; 6625; 6704
BstAFI	C!TTAAG	1	4805
BstAPI	GCANNNN!NTGC	4	2021; 5490; 5562; 7024
BstAUI	T!GTACA	2	2075; 3907
BstBI	TT!CGAA	2	3749; 6605
Bst2BI	C!ACGAG	5	684; 2311; 4509; 6641; 7668
Bst2BI	C!TCGTG	2	4359; 6515
BstBAI	YAC!GTR	3	340; 5039; 6227
Bst4CI	ACN!GT	23	76; 198; 269; 543; 581; 788; 1043; 1196; 2129; 2139; 2576; 3605; 3716; 3833; 3923; 5014; 6303; 6419; 6527; 6850; 7341; 7811; 7882
BstC8I	GCN!NGC	46	86; 279; 593; 748; 857; 913; 1382; 1495; 1547; 1718; 1722; 1789; 2101; 2269; 3178; 3332; 3439; 3658; 3841; 3876; 3966; 4170; 5142; 5185; 5199; 5472; 5491; 5544; 5563; 5817; 6003; 6222; 6288; 6294; 6322; 6326; 6371; 6425; 6708; 6895; 6942; 6998; 7020; 7231; 7791; 7828
BstDEI	C!TNAG	29	799; 880; 905; 991; 1111; 1511; 1663; 1675; 1777; 2305; 2326; 2380; 2594; 2652; 2842; 2905; 3062; 3115; 3262; 3397; 3476; 3652; 4123; 5403; 5705; 6586; 7035; 7158; 7567
BstDSI	C!CRYGG	9	360; 733; 2005; 2138; 2443; 3837; 3865; 5652; 6355
BstEII	G!GTNACC	0	
BstENI	CCTNN!NNNAGG	1	3549
BstF5I	GGATGNN!	12	1370; 1487; 1691; 2138; 2368; 2780; 3008; 3254; 5783; 6240; 6265; 6719
BstF5I	!CATCC	7	637; 946; 2158; 3948; 4036; 4093; 5609
BstFNI	CG!CG	18	60; 623; 729; 3839; 4572; 4847; 5223; 5243; 5267; 5298; 5989; 6290; 6728; 6812; 6875; 6944; 7217; 7798
BstH2I	RGCGC!Y	6	2451; 4546; 5190; 5198; 5926; 7601
BstHHI	GCG!C	28	625; 731; 2450; 2462; 3379; 3775; 4338; 4545; 5189; 5197; 5223; 5245; 5254; 5267; 5298; 5917; 5925; 5989; 6026; 6292; 6552; 6728; 6814; 7217; 7326; 7500; 7600; 7667
BstKTI	GAT!C	37	588; 631; 664; 806; 1510; 1604; 1638; 1768; 1796; 1877; 1946; 2225; 2351; 2713; 2893; 2933; 3076; 3851; 4381; 4407; 4583; 5763; 5767; 5786; 6097; 6175; 6256; 6265; 6343; 6719; 6735; 7094; 7106; 7184; 7192; 7203; 7278
BstMAI	GTCTCN!	3	434; 2636; 3409
BstMAI	!NNNNGAGAC	12	777; 1053; 1130; 2685; 3705; 4296; 4386; 4485; 5347; 5765; 6784; 6912
BstMBI	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
BstMCI	CGRY!CG	7	631; 754; 2536; 3859; 4570; 5832; 7507



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BstMWI	GCNNNNN!NNGC	42	90; 212; 244; 283; 376; 400; 597; 735; 747; 1555; 2021; 2070; 2105; 2216; 2268; 2439; 2541; 2846; 2880; 2955; 3732; 3902; 4333; 5150; 5180; 5207; 5249; 5490; 5562; 5613; 5692; 5914; 5998; 6021; 6160; 6283; 6366; 6633; 6820; 7024; 7223; 7795
BstNI	CC!WGG	31	90; 283; 642; 672; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3794; 4041; 4185; 4200; 4329; 5459; 5514; 5531; 6310; 6889; 6992; 7682; 7695; 7816
BstNSI	RCATG!Y	6	3896; 4342; 5493; 5565; 6328; 7845
BstOI	CC!WGG	31	90; 283; 642; 672; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3794; 4041; 4185; 4200; 4329; 5459; 5514; 5531; 6310; 6889; 6992; 7682; 7695; 7816
BstPI	G!GTNACC	0	
BstPAI	GACNN!NNGTC	1	4497
BstSCI	!CCNGG	42	88; 281; 640; 670; 769; 871; 1100; 1156; 1374; 1438; 1475; 2038; 2161; 2275; 2623; 2660; 2803; 3035; 3055; 3076; 3273; 3792; 3844; 4039; 4088; 4183; 4198; 4327; 4436; 5457; 5512; 5529; 5925; 6085; 6308; 6698; 6887; 6990; 7462; 7680; 7693; 7814
BstSFI	C!TRYAG	6	2013; 2022; 3822; 5258; 7385; 7576
BstSLI	GKGCMLC	9	3443; 3522; 3845; 3921; 3948; 3981; 5869; 5962; 7531
BstSNI	TAC!GTA	1	340
BstUI	CG!CG	18	60; 623; 729; 3839; 4572; 4847; 5223; 5243; 5267; 5298; 5989; 6290; 6728; 6812; 6875; 6944; 7217; 7798
Bst2UI	CC!WGG	31	90; 283; 642; 672; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3794; 4041; 4185; 4200; 4329; 5459; 5514; 5531; 6310; 6889; 6992; 7682; 7695; 7816
BstV1I	GCAGCNNNNNNN!	15	888; 1725; 2082; 2451; 2505; 3378; 3823; 4075; 4517; 4711; 5996; 6038; 6559; 7012; 7512
BstV1I	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	1195; 1760; 2141; 2267; 2534; 2624; 2660; 2945; 3293; 3719; 4194; 5205; 5870; 6054; 6147; 7213; 7419
BstV2I	GAAGACNN!	3	1958; 2607; 4165
BstV2I	!NNNNNNGTCTTC	0	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	4	2000; 3380; 3620; 3807
BstX2I	R!GATCY	20	585; 661; 1507; 1635; 1793; 1943; 2222; 2348; 2890; 2930; 3073; 3848; 4404; 6094; 6340; 6732; 7091; 7103; 7189; 7200
BstYI	R!GATCY	20	585; 661; 1507; 1635; 1793; 1943; 2222; 2348; 2890; 2930; 3073; 3848; 4404; 6094; 6340; 6732; 7091; 7103; 7189; 7200
BstZI	C!GGCCG	4	751; 2533; 4567; 5829
BstZ17I	GTA!TAC	0	
BsuI	GTATCCNNNNNN!	3	5352; 6142; 7643
BsuI	!NNNNNGGATAC	0	
Bsu15I	AT!CGAT	3	1768; 2713; 5763
Bsu36I	CC!TNAGG	5	2305; 3115; 4123; 5403; 7035
BsuRI	GG!CC	59	84; 277; 738; 753; 1100; 1119; 1380; 1416; 1443; 1497; 1650; 1992; 2004; 2010; 2049; 2064; 2175; 2210; 2373; 2535; 2592; 2607; 2829; 2883; 3090; 3227; 3273; 3474; 3498; 3612; 3625; 3660; 3843; 4015; 4258; 4293; 4327; 4350; 4372; 4482; 4524; 4569; 4889; 5031; 5686; 5692; 5701; 5744; 5831; 6005; 6396; 6423; 6932; 6989; 7022; 7367; 7801; 7819; 7830
BsuTUI	AT!CGAT	3	1768; 2713; 5763
BtgI	C!CRYGG	9	360; 733; 2005; 2138; 2443; 3837; 3865; 5652; 6355
BtgZI	GCGATGNNNNNNNNN!	2	5040; 6375
BtgZI	!NNNNNNNNNNNNNCATCGC	4	334; 3449; 6194; 6538
BthCI	GCNG!C	56	741; 753; 879; 1211; 1716; 1776; 2073; 2157; 2283; 2442; 2496; 2547; 2550; 2640; 2676; 2961; 3137; 3309; 3369; 3372; 3735; 3814; 4015; 4066; 4210; 4327; 4508; 4572; 4702; 5221; 5243; 5257; 5695; 5834; 5886; 5897; 5987; 5992; 6029; 6070; 6157; 6160; 6163; 6399; 6495; 6536; 6550; 6664; 7003; 7018; 7229; 7435; 7438; 7503; 7646; 7801
BtrI	CAC!GTC	0	
BtrI	GAC!GTG	0	
BtsI	GCAGTGNN!	3	2440; 3431; 3522
BtsI	!CACTGC	2	3768; 4762
BtsCI	GGATGNN!	12	1370; 1487; 1691; 2138; 2368; 2780; 3008; 3254; 5783; 6240; 6265; 6719
BtsCI	!CATCC	7	637; 946; 2158; 3948; 4036; 4093; 5609
BtuMI	TCG!CGA	0	
BveI	ACCTGCNNNN!	4	976; 2029; 6191; 6641

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BveI	!NNNNNNNNGCAGGT	2	1658; 5810
Cac8I	GCN!NGC	46	86; 279; 593; 748; 857; 913; 1382; 1495; 1547; 1718; 1722; 1789; 2101; 2269; 3178; 3332; 3439; 3658; 3841; 3876; 3966; 4170; 5142; 5185; 5199; 5472; 5491; 5544; 5563; 5817; 6003; 6222; 6288; 6294; 6322; 6326; 6371; 6425; 6708; 6895; 6942; 6998; 7020; 7231; 7791; 7828
CaiI	CAGNNN!CTG	7	912; 1682; 2021; 2849; 3759; 7024; 7432
CciI	T!CATGA	2	5349; 7121
CciNI	GC!GGCCGC	1	4567
CdiI	CATC!G	7	352; 2187; 3467; 6212; 6217; 6415; 6556
CdiI	C!GATG	8	983; 1186; 1769; 2992; 4306; 4487; 5026; 6361
CdpI	GCGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	7795
CdpI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCGC	3	486; 5584; 5626
CelII	GC!TNAGC	1	1663
CfoI	GCG!C	28	625; 731; 2450; 2462; 3379; 3775; 4338; 4545; 5189; 5197; 5223; 5245; 5254; 5267; 5298; 5917; 5925; 5989; 6026; 6292; 6552; 6728; 6814; 7217; 7326; 7500; 7600; 7667
CfrI	Y!GGCCR	19	736; 751; 1117; 1648; 1990; 2002; 2047; 2062; 2173; 2533; 2827; 3088; 3496; 4522; 4567; 5829; 6003; 6394; 6421
Cfr9I	C!CCGGG	1	3844
Cfr10I	R!CCGGY	8	647; 1643; 2060; 3854; 5140; 6242; 6423; 6706
Cfr13I	G!GNCC	27	83; 276; 995; 1098; 1378; 1806; 2009; 2208; 2249; 2606; 2881; 3212; 3340; 3623; 3628; 3842; 4014; 4257; 4349; 4370; 4454; 5030; 6439; 6884; 6930; 6988; 7021
Cfr42I	CCGC!GG	1	3840
Chal	GATC!	37	589; 632; 665; 807; 1511; 1605; 1639; 1769; 1797; 1878; 1947; 2226; 2352; 2714; 2894; 2934; 3077; 3852; 4382; 4408; 4584; 5764; 5768; 5787; 6098; 6176; 6257; 6266; 6344; 6720; 6736; 7095; 7107; 7185; 7193; 7204; 7279
CjeI	CCANNNNNGTNNNNNNNNNNNNNNNN!	7	2960; 3656; 3960; 5740; 7180; 7280; 7358
CjeI	!NNNNNNNNNACNNNNNNNTGG	9	64; 257; 2611; 3743; 5407; 5502; 6694; 7244; 7799
CjeI	ACNNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	9	98; 291; 2645; 3777; 5441; 5536; 6728; 7278; 7833
CjeI	!NNNNNNNNCCANNNNNNNGT	7	2926; 3622; 3926; 5706; 7146; 7246; 7324
CjePI	CCANNNNNNNTCNNNNNNNNNNNNNN!	7	821; 2468; 2649; 2891; 3212; 7180; 7358
CjePI	!NNNNNNNNGANNNNNNNTGG	6	257; 1159; 1359; 1822; 6694; 7293
CjePI	GANNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	6	290; 1192; 1392; 1855; 6727; 7326
CjePI	!NNNNNNNNCCANNNNNNNTC	7	788; 2435; 2616; 2858; 3179; 7147; 7325
Clal	AT!CGAT	3	1768; 2713; 5763
CpoI	CG!GWCCG	1	6439
CseI	GACGCNNNNN!	3	526; 6633; 6712
CseI	!NNNNNNNNNNGCGTC	4	4430; 5256; 7151; 7729
CsiI	A!CCWGGT	2	670; 5512
CspI	CG!GWCCG	1	6439
Csp6I	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 2076; 2557; 3430; 3797; 3834; 3908; 4058; 4310; 6228
Csp45I	TT!CGAA	2	3749; 6605
CspAI	A!CCGGT	2	1643; 3854
CspCI	CAANNNNNGTGGNNNNNNNNNNNNNN!	2	411; 3030
CspCI	!NNNNNNNNNNCCACNNNNNTTG	0	
CspCI	CCACNNNNNTTGGNNNNNNNNNNNNNN!	0	
CspCI	!NNNNNNNNNNCAANNNNNGTGG	2	376; 2995
CstMI	AAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	8	1838; 1988; 3526; 3733; 3910; 4501; 5203; 6812
CstMI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTT	2	953; 2320
CviAII	C!ATG	34	301; 361; 605; 1400; 1652; 1733; 2375; 2696; 3321; 3380; 3617; 3695; 3866; 3893; 3899; 3911; 3989; 4055; 4135; 4339; 4346; 5350; 5490; 5562; 5653; 5794; 6139; 6325; 6356; 6382; 6738; 7122; 7842; 7893

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CviJI	RG!CY	188	42; 84; 93; 277; 566; 647; 711; 738; 753; 866; 879; 990; 1100; 1119; 1148; 1227; 1281; 1380; 1398; 1416; 1443; 1454; 1497; 1521; 1611; 1650; 1662; 1716; 1724; 1731; 1787; 1842; 1848; 1980; 1986; 1992; 2004; 2010; 2043; 2049; 2064; 2073; 2154; 2168; 2175; 2193; 2210; 2255; 2262; 2267; 2271; 2280; 2330; 2358; 2373; 2426; 2442; 2496; 2522; 2535; 2547; 2592; 2607; 2637; 2673; 2738; 2751; 2823; 2829; 2840; 2883; 2904; 2949; 2958; 3012; 3018; 3052; 3084; 3090; 3105; 3122; 3176; 3227; 3273; 3293; 3306; 3317; 3330; 3372; 3384; 3396; 3410; 3474; 3498; 3587; 3612; 3625; 3660; 3726; 3732; 3843; 3878; 3905; 3968; 4015; 4044; 4051; 4129; 4195; 4207; 4251; 4258; 4285; 4293; 4327; 4350; 4358; 4372; 4482; 4518; 4524; 4569; 4592; 4702; 4869; 4889; 5031; 5112; 5126; 5140; 5421; 5462; 5534; 5657; 5686; 5692; 5701; 5709; 5732; 5744; 5750; 5831; 5848; 5856; 5883; 5908; 5992; 6001; 6005; 6029; 6067; 6143; 6160; 6179; 6242; 6286; 6296; 6313; 6396; 6423; 6427; 6464; 6487; 6503; 6683; 6710; 6771; 6893; 6932; 6989; 6996; 7003; 7022; 7033; 7284; 7313; 7356; 7367; 7432; 7511; 7536; 7541; 7587; 7677; 7775; 7801; 7819; 7830
CviKI-1	RG!CY	188	42; 84; 93; 277; 566; 647; 711; 738; 753; 866; 879; 990; 1100; 1119; 1148; 1227; 1281; 1380; 1398; 1416; 1443; 1454; 1497; 1521; 1611; 1650; 1662; 1716; 1724; 1731; 1787; 1842; 1848; 1980; 1986; 1992; 2004; 2010; 2043; 2049; 2064; 2073; 2154; 2168; 2175; 2193; 2210; 2255; 2262; 2267; 2271; 2280; 2330; 2358; 2373; 2426; 2442; 2496; 2522; 2535; 2547; 2592; 2607; 2637; 2673; 2738; 2751; 2823; 2829; 2840; 2883; 2904; 2949; 2958; 3012; 3018; 3052; 3084; 3090; 3105; 3122; 3176; 3227; 3273; 3293; 3306; 3317; 3330; 3372; 3384; 3396; 3410; 3474; 3498; 3587; 3612; 3625; 3660; 3726; 3732; 3843; 3878; 3905; 3968; 4015; 4044; 4051; 4129; 4195; 4207; 4251; 4258; 4285; 4293; 4327; 4350; 4358; 4372; 4482; 4518; 4524; 4569; 4592; 4702; 4869; 4889; 5031; 5112; 5126; 5140; 5421; 5462; 5534; 5657; 5686; 5692; 5701; 5709; 5732; 5744; 5750; 5831; 5848; 5856; 5883; 5908; 5992; 6001; 6005; 6029; 6067; 6143; 6160; 6179; 6242; 6286; 6296; 6313; 6396; 6423; 6427; 6464; 6487; 6503; 6683; 6710; 6771; 6893; 6932; 6989; 6996; 7003; 7022; 7033; 7284; 7313; 7356; 7367; 7432; 7511; 7536; 7541; 7587; 7677; 7775; 7801; 7819; 7830
CviQI	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 2076; 2557; 3430; 3797; 3834; 3908; 4058; 4310; 6228
DdeI	C!TNAG	29	799; 880; 905; 991; 1111; 1511; 1663; 1675; 1777; 2305; 2326; 2380; 2594; 2652; 2842; 2905; 3062; 3115; 3262; 3397; 3476; 3652; 4123; 5403; 5705; 6586; 7035; 7158; 7567
DinI	GGC!GCC	2	2449; 5924
DpnI	GA!TC	37	587; 630; 663; 805; 1509; 1603; 1637; 1767; 1795; 1876; 1945; 2224; 2350; 2712; 2892; 2932; 3075; 3850; 4380; 4406; 4582; 5762; 5766; 5785; 6096; 6174; 6255; 6264; 6342; 6718; 6734; 7093; 7105; 7183; 7191; 7202; 7277
DpnII	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
DraI	TTT!AAA	4	1285; 4625; 7067; 7086
DraII	RG!GNCCY	3	2208; 3212; 7021
DraIII	CACNNN!GTG	4	674; 1169; 4514; 5039
DraRI	CAAGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	266; 1411; 2126; 3484; 4105; 7403
DraRI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCCTG	0	
DrdI	GACNNN!NNGTC	4	2142; 4994; 5950; 7739
DrdIV	TACGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
DrdIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGTA	1	476
DriI	GACNNN!NNGTC	0	
DseDI	GACNNN!NNGTC	4	2142; 4994; 5950; 7739
EaeI	Y!GGCCR	19	736; 751; 1117; 1648; 1990; 2002; 2047; 2062; 2173; 2533; 2827; 3088; 3496; 4522; 4567; 5829; 6003; 6394; 6421
EagI	C!GGCCG	4	751; 2533; 4567; 5829
Eam1104I	CTCTCN!	0	
Eam1104I	!NNNNGAAGAG	8	810; 1398; 1813; 2467; 3247; 5390; 6267; 6477
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	0	
EarI	CTCTCN!	0	
EarI	!NNNNGAAGAG	8	810; 1398; 1813; 2467; 3247; 5390; 6267; 6477

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
EciI	GGCGGANNNNNNNNNNN!	4	5423; 6452; 7639; 7785
EciI	!NNNNNNNNNTCCGCC	4	496; 5594; 5615; 5636
Ecl136II	GAG!CTC	1	1148
EclXI	C!GGCCG	4	751; 2533; 4567; 5829
Eco24I	GRGCY!C	5	1150; 3845; 5114; 6288; 6998
Eco31I	GGTCTCN!	1	2636
Eco31I	!NNNNNGAGACC	4	2685; 4386; 4485; 6912
Eco32I	GAT!ATC	1	3069
Eco47I	G!GWCC	9	995; 1806; 2249; 3212; 3340; 3628; 4454; 6439; 6884
Eco47III	AGC!GCT	0	
Eco52I	C!GGCCG	4	751; 2533; 4567; 5829
Eco57I	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNN!	7	1414; 1864; 3223; 3748; 4374; 6069; 6501
Eco57I	!NNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	3	873; 2764; 7299
Eco72I	CAC!GTG	0	
Eco81I	CC!TNAGG	5	2305; 3115; 4123; 5403; 7035
Eco88I	C!YCGRG	4	916; 1981; 2608; 3844
Eco91I	G!GTNACC	0	
Eco105I	TAC!GTA	1	340
Eco130I	C!CWWGG	14	360; 1265; 1907; 1987; 3091; 3222; 3457; 3469; 3499; 3865; 5652; 5745; 6355; 6760
Eco147I	AGG!CCT	5	2592; 3227; 3474; 4293; 5744
EcoHI	!CCSGG	11	769; 2038; 2161; 3273; 3844; 4088; 4436; 5925; 6085; 6698; 7462
EcoICRI	GAG!CTC	1	1148
Eco57MI	CTGRAGNNNNNNNNNNNNNNN!	9	663; 1414; 1864; 3223; 3748; 4374; 6069; 6501; 6763
Eco57MI	!NNNNNNNNNNNNNNCTYCAG	6	873; 1957; 2764; 4182; 6706; 7299
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	1	3549
Eco065I	G!GTNACC	0	
Eco0109I	RG!GNCCY	3	2208; 3212; 7021
EcoRI	G!AATTC	1	3817
EcoRII	!CCWGG	31	88; 281; 640; 670; 871; 1100; 1156; 1374; 1438; 1475; 2275; 2623; 2660; 2803; 3035; 3055; 3076; 3792; 4039; 4183; 4198; 4327; 5457; 5512; 5529; 6308; 6887; 6990; 7680; 7693; 7814
EcoRV	GAT!ATC	1	3069
EcoT14I	C!CWWGG	14	360; 1265; 1907; 1987; 3091; 3222; 3457; 3469; 3499; 3865; 5652; 5745; 6355; 6760
EcoT22I	ATGCA!T	3	5495; 5567; 7898
EcoT38I	GRGCY!C	5	1150; 3845; 5114; 6288; 6998
Eco53kl	GAG!CTC	1	1148
EgeI	GGC!GCC	2	2449; 5924
EheI	GGC!GCC	2	2449; 5924
ErhI	C!CWWGG	14	360; 1265; 1907; 1987; 3091; 3222; 3457; 3469; 3499; 3865; 5652; 5745; 6355; 6760
EsaBC3I	TC!GA	24	632; 918; 983; 1186; 1769; 1830; 1983; 2714; 3750; 3829; 4007; 4034; 4502; 5073; 5764; 6037; 6193; 6217; 6253; 6415; 6606; 6651; 6906; 7744
Esp3I	CGTCTCN!	0	
Esp3I	!NNNNNGAGACG	1	4296
FaeI	CATG!	34	304; 364; 608; 1403; 1655; 1736; 2378; 2699; 3324; 3383; 3620; 3698; 3869; 3896; 3902; 3914; 3992; 4058; 4138; 4342; 4349; 5353; 5493; 5565; 5656; 5797; 6142; 6328; 6359; 6385; 6741; 7125; 7845; 7896
Fail	YA!TR	84	39; 46; 50; 67; 138; 146; 234; 236; 291; 302; 310; 362; 555; 557; 606; 619; 825; 1065; 1230; 1272; 1401; 1422; 1653; 1734; 1868; 2202; 2376; 2680; 2697; 2826; 3322; 3381; 3557; 3576; 3618; 3696; 3867; 3894; 3900; 3912; 3990; 4056; 4136; 4154; 4340; 4347; 4400; 4585; 4595; 4661; 4706; 4911; 5339; 5351; 5482; 5491; 5554; 5563; 5587; 5654; 5678; 5795; 5859; 6140; 6165; 6326; 6357; 6383; 6455; 6671; 6739; 6817; 6869; 7030; 7047; 7049; 7051; 7123; 7401; 7590; 7706; 7779; 7843; 7894
FalI	AAGNNNNNCTNNNNNNNNNNNNN!	2	4133; 6263
FalI	!NNNNNNNNAAGNNNNNCTT	2	4101; 6231
FaqI	GGGACNNNNNNNNNNN!	6	175; 326; 494; 6074; 6606; 6715
FaqI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	5	3198; 5439; 5511; 5575; 6870

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FatI	!CATG	34	300; 360; 604; 1399; 1651; 1732; 2374; 2695; 3320; 3379; 3616; 3694; 3865; 3892; 3898; 3910; 3988; 4054; 4134; 4338; 4345; 5349; 5489; 5561; 5652; 5793; 6138; 6324; 6355; 6381; 6737; 7121; 7841; 7892
FauI	CCCGCNNNN!	11	93; 119; 286; 3139; 4322; 4424; 5245; 5600; 5621; 6817; 6949
FauI	!NNNNNNGCGGG	9	3430; 3712; 3832; 4359; 5176; 6046; 6583; 6721; 6868
FauNDI	CA!TATG	1	234
FbaI	T!GATCA	1	1601
FblI	GT!MKAC	2	3828; 4444
FmuI	GGNC!C	27	86; 279; 998; 1101; 1381; 1809; 2012; 2211; 2252; 2609; 2884; 3215; 3343; 3626; 3631; 3845; 4017; 4260; 4352; 4373; 4457; 5033; 6442; 6887; 6933; 6991; 7024
Fnu4HI	GC!NGC	56	739; 751; 877; 1209; 1714; 1774; 2071; 2155; 2281; 2440; 2494; 2545; 2548; 2638; 2674; 2959; 3135; 3307; 3367; 3370; 3733; 3812; 4013; 4064; 4208; 4325; 4506; 4570; 4700; 5219; 5241; 5255; 5693; 5832; 5884; 5895; 5985; 5990; 6027; 6068; 6155; 6158; 6161; 6397; 6493; 6534; 6548; 6662; 7001; 7016; 7227; 7433; 7436; 7501; 7644; 7799
FokI	GGATGNNNNNNNN!	12	1377; 1494; 1698; 2145; 2375; 2787; 3015; 3261; 5790; 6247; 6272; 6726
FokI	!NNNNNNNNNNNNCATCC	7	624; 933; 2145; 3935; 4023; 4080; 5596
FriOI	GRGCY!C	5	1150; 3845; 5114; 6288; 6998
FseI	GGCCGG!CC	0	
FspI	TGC!GCA	1	6025
FspAI	RTGC!GCAY	0	
FspBI	C!TAG	12	592; 1305; 1465; 1587; 3223; 4578; 4772; 5190; 5746; 6761; 7095; 7348
FspEI	CCNNNNNNNNNN!	258	56; 71; 98; 114; 128; 129; 156; 182; 220; 252; 291; 307; 333; 373; 450; 451; 482; 501; 520; 593; 611; 654; 680; 725; 740; 755; 777; 809; 841; 875; 912; 963; 981; 1011; 1114; 1133; 1170; 1208; 1225; 1278; 1370; 1388; 1412; 1430; 1452; 1470; 1484; 1511; 1629; 1652; 1745; 1810; 1891; 1919; 1987; 2006; 2024; 2042; 2063; 2078; 2094; 2137; 2151; 2171; 2189; 2224; 2246; 2265; 2289; 2317; 2346; 2387; 2423; 2456; 2476; 2523; 2549; 2606; 2621; 2635; 2673; 2708; 2765; 2817; 2843; 2879; 2897; 2939; 2955; 2975; 2996; 3044; 3069; 3090; 3104; 3119; 3136; 3151; 3174; 3196; 3214; 3228; 3244; 3273; 3287; 3303; 3323; 3356; 3386; 3446; 3470; 3488; 3512; 3554; 3582; 3596; 3614; 3629; 3644; 3674; 3698; 3805; 3850; 3865; 3910; 3935; 3965; 3982; 3996; 4029; 4043; 4061; 4085; 4099; 4130; 4163; 4190; 4205; 4224; 4260; 4307; 4326; 4341; 4364; 4386; 4401; 4421; 4440; 4470; 4496; 4538; 4583; 4606; 4645; 4659; 4800; 4895; 4919; 4942; 4965; 4983; 5005; 5026; 5045; 5064; 5093; 5114; 5128; 5154; 5242; 5268; 5317; 5358; 5376; 5415; 5431; 5469; 5526; 5541; 5598; 5618; 5632; 5649; 5663; 5700; 5715; 5758; 5841; 5908; 5939; 5959; 5974; 6019; 6033; 6099; 6113; 6132; 6148; 6189; 6209; 6256; 6306; 6322; 6342; 6367; 6387; 6410; 6437; 6455; 6481; 6521; 6547; 6571; 6627; 6641; 6669; 6712; 6733; 6768; 6812; 6900; 6924; 6946; 6966; 6982; 7003; 7017; 7036; 7120; 7140; 7168; 7183; 7217; 7259; 7286; 7301; 7346; 7370; 7384; 7406; 7432; 7452; 7476; 7502; 7550; 7569; 7588; 7614; 7649; 7694; 7724; 7738; 7789; 7803; 7828; 7844; 7865; 7894

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
FspEI	!NNNNNNNNNNNNNNNGG	231	8; 35; 59; 144; 166; 197; 252; 295; 347; 375; 400; 435; 463; 509; 529; 552; 627; 657; 675; 720; 755; 786; 828; 858; 919; 940; 972; 1006; 1029; 1050; 1081; 1101; 1128; 1161; 1252; 1346; 1371; 1398; 1425; 1462; 1507; 1531; 1554; 1573; 1593; 1612; 1632; 1653; 1689; 1710; 1769; 1789; 1816; 1835; 1894; 1941; 1962; 1983; 2024; 2046; 2070; 2093; 2115; 2136; 2157; 2175; 2201; 2232; 2253; 2272; 2292; 2331; 2352; 2415; 2453; 2474; 2500; 2526; 2562; 2589; 2610; 2639; 2693; 2719; 2757; 2790; 2811; 2835; 2864; 2883; 2901; 2931; 2979; 3000; 3022; 3042; 3063; 3102; 3190; 3209; 3231; 3255; 3288; 3323; 3366; 3392; 3412; 3444; 3468; 3486; 3515; 3537; 3594; 3630; 3657; 3693; 3745; 3779; 3799; 3824; 3852; 3870; 3897; 3939; 3960; 3984; 4026; 4045; 4074; 4110; 4147; 4170; 4189; 4212; 4240; 4267; 4306; 4332; 4351; 4423; 4449; 4497; 4522; 4540; 4594; 4694; 4763; 4793; 4871; 4920; 4942; 4970; 5006; 5051; 5080; 5116; 5135; 5163; 5183; 5246; 5269; 5377; 5409; 5427; 5456; 5499; 5528; 5639; 5668; 5711; 5732; 5760; 5793; 5813; 5838; 5865; 5890; 5912; 5940; 5966; 5987; 6038; 6059; 6077; 6125; 6161; 6217; 6242; 6266; 6295; 6318; 6342; 6368; 6390; 6409; 6434; 6474; 6510; 6575; 6660; 6684; 6713; 6747; 6768; 6788; 6833; 6860; 6879; 6912; 6964; 6995; 7022; 7074; 7172; 7243; 7288; 7349; 7414; 7448; 7474; 7492; 7528; 7598; 7621; 7643; 7667; 7700; 7748; 7783; 7801; 7858
Fsp4HI	GC!NGC	56	739; 751; 877; 1209; 1714; 1774; 2071; 2155; 2281; 2440; 2494; 2545; 2548; 2638; 2674; 2959; 3135; 3307; 3367; 3370; 3733; 3812; 4013; 4064; 4208; 4325; 4506; 4570; 4700; 5219; 5241; 5255; 5693; 5832; 5884; 5895; 5985; 5990; 6027; 6068; 6155; 6158; 6161; 6397; 6493; 6534; 6548; 6662; 7001; 7016; 7227; 7433; 7436; 7501; 7644; 7799
GdiII	C!GGCCR	5	751; 2062; 2533; 4567; 5829
GdiII	Y!GGCCG	8	736; 751; 2173; 2533; 4567; 5829; 6394; 6421
GlaI	GC!GC	28	624; 730; 2449; 2461; 3378; 3774; 4337; 4544; 5188; 5196; 5222; 5244; 5253; 5266; 5297; 5916; 5924; 5988; 6025; 6291; 6551; 6727; 6813; 7216; 7325; 7499; 7599; 7666
GluI	GC!NGC	56	739; 751; 877; 1209; 1714; 1774; 2071; 2155; 2281; 2440; 2494; 2545; 2548; 2638; 2674; 2959; 3135; 3307; 3367; 3370; 3733; 3812; 4013; 4064; 4208; 4325; 4506; 4570; 4700; 5219; 5241; 5255; 5693; 5832; 5884; 5895; 5985; 5990; 6027; 6068; 6155; 6158; 6161; 6397; 6493; 6534; 6548; 6662; 7001; 7016; 7227; 7433; 7436; 7501; 7644; 7799
GsaI	CCCAG!C	6	2267; 3587; 4251; 5470; 5542; 7541
GsaI	GCTGG!G	5	2860; 3624; 3779; 4289; 6431
GsuI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNN!	2	663; 6763
GsuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	3	1957; 4182; 6706
HaeI	WGG!CCW	24	1119; 1416; 1443; 1497; 1650; 1992; 2004; 2049; 2373; 2592; 2829; 3090; 3227; 3474; 3498; 3612; 3660; 4293; 4524; 5744; 6005; 7367; 7819; 7830
HaeII	RGCGC!Y	6	2451; 4546; 5190; 5198; 5926; 7601
HaeIII	GG!CC	59	84; 277; 738; 753; 1100; 1119; 1380; 1416; 1443; 1497; 1650; 1992; 2004; 2010; 2049; 2064; 2175; 2210; 2373; 2535; 2592; 2607; 2829; 2883; 3090; 3227; 3273; 3474; 3498; 3612; 3625; 3660; 3843; 4015; 4258; 4293; 4327; 4350; 4372; 4482; 4524; 4569; 4889; 5031; 5686; 5692; 5701; 5744; 5831; 6005; 6396; 6423; 6932; 6989; 7022; 7367; 7801; 7819; 7830
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	7	1619; 2138; 2781; 3091; 3666; 4598; 6119
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNNRTC	7	1585; 2104; 2747; 3057; 3632; 4564; 6085
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	7	1618; 2137; 2780; 3090; 3665; 4597; 6118
HaeIV	!NNNNNNNGAYNNNNNNRTC	7	1587; 2106; 2749; 3059; 3634; 4566; 6087
HapII	C!CGG	31	648; 770; 1644; 1809; 2039; 2061; 2162; 2888; 3274; 3626; 3805; 3845; 3855; 4089; 4438; 5141; 5828; 5905; 5927; 5955; 6086; 6176; 6243; 6424; 6699; 6707; 6799; 7273; 7463; 7489; 7636
HgaI	GACGCNNNNN!	3	526; 6633; 6712
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	4	4430; 5256; 7151; 7729
HhaI	GCG!C	28	625; 731; 2450; 2462; 3379; 3775; 4338; 4545; 5189; 5197; 5223; 5245; 5254; 5267; 5298; 5917; 5925; 5989; 6026; 6292; 6552; 6728; 6814; 7217; 7326; 7500; 7600; 7667
HinI	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 2448; 4441; 5923; 6625; 6704

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Hin1III	CATG!	34	304; 364; 608; 1403; 1655; 1736; 2378; 2699; 3324; 3383; 3620; 3698; 3869; 3896; 3902; 3914; 3992; 4058; 4138; 4342; 4349; 5353; 5493; 5565; 5656; 5797; 6142; 6328; 6359; 6385; 6741; 7125; 7845; 7896
Hin4I	GAYNNNNVTCNNNNNNNNNNNN!	8	920; 1618; 2137; 2780; 3090; 3665; 4597; 6118
Hin4I	!NNNNNNNGABNNNNNNRTC	8	1586; 2105; 2748; 3058; 3633; 4565; 6086; 6116
Hin4I	GABNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	8	1618; 2137; 2780; 3090; 3665; 4597; 6118; 6148
Hin4I	!NNNNNNNGAYNNNNNVTC	8	888; 1586; 2105; 2748; 3058; 3633; 4565; 6086
Hin6I	G!CGC	28	623; 729; 2448; 2460; 3377; 3773; 4336; 4543; 5187; 5195; 5221; 5243; 5252; 5265; 5296; 5915; 5923; 5987; 6024; 6290; 6550; 6726; 6812; 7215; 7324; 7498; 7598; 7665
HinP1I	G!CGC	28	623; 729; 2448; 2460; 3377; 3773; 4336; 4543; 5187; 5195; 5221; 5243; 5252; 5265; 5296; 5915; 5923; 5987; 6024; 6290; 6550; 6726; 6812; 7215; 7324; 7498; 7598; 7665
HincII	GTY!RAC	2	3829; 4686
HindII	GTY!RAC	2	3829; 4686
HindIII	A!AGCTT	3	864; 1279; 2520
HinfI	G!ANTC	29	410; 1091; 1425; 1565; 1826; 1968; 2143; 2300; 2337; 2378; 3060; 3488; 3565; 3648; 3788; 3994; 4144; 4471; 4574; 4966; 4988; 5398; 6408; 6542; 6594; 6652; 6689; 7471; 7867
HpaI	GTT!AAC	1	4686
HpaII	C!CGG	31	648; 770; 1644; 1809; 2039; 2061; 2162; 2888; 3274; 3626; 3805; 3845; 3855; 4089; 4438; 5141; 5828; 5905; 5927; 5955; 6086; 6176; 6243; 6424; 6699; 6707; 6799; 7273; 7463; 7489; 7636
HphI	GGTGANNNNNNNN!	14	376; 686; 1190; 1500; 1545; 3008; 3219; 3293; 3497; 3881; 4250; 4560; 6994; 7110
HphI	!NNNNNNNTCACC	7	716; 1146; 1346; 1633; 4139; 5040; 6101
Hpy8I	GTN!NAC	24	201; 539; 577; 701; 1181; 1536; 1806; 2078; 2249; 2744; 3520; 3601; 3677; 3829; 3926; 3946; 4241; 4445; 4454; 4686; 4970; 4987; 5042; 7529
Hpy99I	CGWCG!	12	2881; 3833; 4008; 4488; 4503; 6013; 6041; 6335; 6350; 6627; 7012; 7745
Hpy166II	GTN!NAC	24	201; 539; 577; 701; 1181; 1536; 1806; 2078; 2249; 2744; 3520; 3601; 3677; 3829; 3926; 3946; 4241; 4445; 4454; 4686; 4970; 4987; 5042; 7529
Hpy188I	TCN!GA	32	585; 808; 883; 896; 965; 1503; 1780; 1852; 1927; 2362; 2393; 2783; 2845; 2927; 2966; 3032; 3073; 3099; 3162; 3479; 3653; 3953; 5097; 5706; 5890; 6234; 6587; 6688; 7167; 7301; 7654; 7732
Hpy188III	TC!NNGA	33	632; 717; 918; 955; 1305; 1683; 1974; 2382; 2454; 2515; 3064; 3117; 4430; 4578; 5350; 5402; 5715; 5768; 5941; 6257; 6266; 6349; 6405; 6449; 6539; 6572; 6641; 7122; 7196; 7279; 7377; 7475; 7609
HpyAV	CCTTCNNNNNN!	8	989; 3116; 4034; 4082; 4127; 6568; 6675; 7354
HpyAV	!NNNNNGAAGG	18	1806; 2172; 2286; 2534; 2574; 3198; 3263; 3602; 3701; 3954; 4326; 5156; 6051; 6780; 6796; 6979; 7296; 7606
HpyCH4III	ACN!GT	23	76; 198; 269; 543; 581; 788; 1043; 1196; 2129; 2139; 2576; 3605; 3716; 3833; 3923; 5014; 6303; 6419; 6527; 6850; 7341; 7811; 7882
HpyCH4IV	A!CGT	18	122; 134; 175; 258; 339; 444; 1901; 4222; 4450; 4498; 4983; 4995; 5038; 5148; 6039; 6226; 7007; 7140
HpyCH4V	TG!CA	40	683; 746; 859; 1018; 1545; 1579; 1655; 1713; 1758; 1791; 2015; 2024; 2322; 2366; 2815; 3006; 3044; 3366; 3520; 3698; 3824; 3946; 4268; 4384; 4672; 4699; 4767; 5484; 5493; 5556; 5565; 5680; 5756; 5815; 5974; 6149; 6163; 7233; 7529; 7896
HpyF3I	C!TNAG	29	799; 880; 905; 991; 1111; 1511; 1663; 1675; 1777; 2305; 2326; 2380; 2594; 2652; 2842; 2905; 3062; 3115; 3262; 3397; 3476; 3652; 4123; 5403; 5705; 6586; 7035; 7158; 7567
HpyF10VI	GCNNNNN!NNGC	42	90; 212; 244; 283; 376; 400; 597; 735; 747; 1555; 2021; 2070; 2105; 2216; 2268; 2439; 2541; 2846; 2880; 2955; 3732; 3902; 4333; 5150; 5180; 5207; 5249; 5490; 5562; 5613; 5692; 5914; 5998; 6021; 6160; 6283; 6366; 6633; 6820; 7024; 7223; 7795
Hsp92I	GR!CGYC	9	122; 175; 258; 444; 2448; 4441; 5923; 6625; 6704
Hsp92II	CATG!	34	304; 364; 608; 1403; 1655; 1736; 2378; 2699; 3324; 3383; 3620; 3698; 3869; 3896; 3902; 3914; 3992; 4058; 4138; 4342; 4349; 5353; 5493; 5565; 5656; 5797; 6142; 6328; 6359; 6385; 6741; 7125; 7845; 7896

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
HspAI	G!CGC	28	623; 729; 2448; 2460; 3377; 3773; 4336; 4543; 5187; 5195; 5221; 5243; 5252; 5265; 5296; 5915; 5923; 5987; 6024; 6290; 6550; 6726; 6812; 7215; 7324; 7498; 7598; 7665
KasI	G!GCGCC	2	2447; 5922
KfII	GG!GWCCC	0	
KpnI	GGTAC!C	3	3433; 3800; 3837
Kpn2I	T!CCGGA	0	
KspI	CCGC!GG	1	3840
Ksp22I	T!GATCA	1	1601
KspAI	GTT!AAC	1	4686
Kzo9I	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
LguI	GCTCTTCN!	0	
LguI	!NNNNGAAGAGC	3	1813; 6267; 6477
LpnI	RGC!GCG	6	2449; 4544; 5188; 5196; 5924; 7599
LpnPI	CCDGNNNNNNNNNN!	106	102; 295; 622; 654; 684; 730; 783; 844; 885; 925; 981; 1114; 1170; 1225; 1388; 1452; 1489; 1637; 1657; 1822; 1987; 2025; 2052; 2074; 2175; 2265; 2289; 2467; 2637; 2674; 2718; 2817; 2879; 2901; 3049; 3069; 3090; 3136; 3157; 3214; 3250; 3274; 3303; 3323; 3356; 3597; 3639; 3699; 3806; 3858; 3996; 4053; 4102; 4135; 4197; 4212; 4261; 4341; 4365; 4389; 4451; 4538; 4660; 4965; 5154; 5377; 5415; 5431; 5471; 5526; 5543; 5643; 5728; 5841; 5918; 5940; 5963; 6099; 6113; 6132; 6189; 6256; 6306; 6322; 6379; 6437; 6646; 6712; 6736; 6812; 6901; 7004; 7037; 7268; 7286; 7432; 7452; 7476; 7502; 7551; 7649; 7694; 7724; 7803; 7828; 7865
LpnPI	!NNNNNNNNNNNNNNCHGG	102	75; 268; 552; 627; 657; 732; 755; 858; 940; 1087; 1128; 1361; 1425; 1462; 1507; 1531; 1554; 1629; 1653; 1710; 1769; 1794; 1941; 1983; 2024; 2046; 2136; 2175; 2253; 2292; 2352; 2453; 2500; 2574; 2610; 2647; 2719; 2790; 2835; 2873; 3004; 3022; 3042; 3063; 3102; 3259; 3396; 3537; 3606; 3642; 3745; 3779; 3830; 4026; 4074; 4170; 4271; 4314; 4423; 4449; 4522; 5006; 5126; 5183; 5246; 5444; 5456; 5516; 5528; 5760; 5805; 5848; 5890; 5912; 5940; 5987; 6049; 6071; 6161; 6228; 6251; 6295; 6390; 6409; 6434; 6583; 6684; 6727; 6784; 6874; 6977; 7004; 7022; 7258; 7295; 7448; 7474; 7614; 7632; 7667; 7748; 7801
Lsp1109I	GCAGCNNNNNNNN!	15	888; 1725; 2082; 2451; 2505; 3378; 3823; 4075; 4517; 4711; 5996; 6038; 6559; 7012; 7512
Lsp1109I	!NNNNNNNNNNNNNGCTGC	17	1195; 1760; 2141; 2267; 2534; 2624; 2660; 2945; 3293; 3719; 4194; 5205; 5870; 6054; 6147; 7213; 7419
LweI	GCATCNNNNN!	11	646; 955; 2192; 2331; 4102; 4739; 5502; 5574; 6222; 6286; 6561
LweI	!NNNNNNNNNGATGC	18	357; 874; 1361; 1472; 1760; 2353; 2447; 2765; 2836; 2993; 3658; 3746; 4255; 4423; 5881; 6136; 6352; 7744
MabI	A!CCWGGT	2	670; 5512
MaeI	C!TAG	12	592; 1305; 1465; 1587; 3223; 4578; 4772; 5190; 5746; 6761; 7095; 7348
MaeII	A!CGT	18	122; 134; 175; 258; 339; 444; 1901; 4222; 4450; 4498; 4983; 4995; 5038; 5148; 6039; 6226; 7007; 7140
MaeIII	!GTNAC	20	61; 148; 497; 1076; 1241; 1345; 1458; 2238; 3485; 4145; 4341; 4711; 5212; 5224; 6043; 6349; 7039; 7305; 7421; 7484
MalI	GA!TC	37	587; 630; 663; 805; 1509; 1603; 1637; 1767; 1795; 1876; 1945; 2224; 2350; 2712; 2892; 2932; 3075; 3850; 4380; 4406; 4582; 5762; 5766; 5785; 6096; 6174; 6255; 6264; 6342; 6718; 6734; 7093; 7105; 7183; 7191; 7202; 7277
MaqI	CRTTGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	144; 197; 466; 540
MaqI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCAAYG	3	157; 240; 426
MauBI	CG!CGCGCG	0	
MbiI	CCG!CTC	2	5347; 6536
MbiI	GAG!CGG	3	4566; 5183; 6590
MboI	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
MboII	GAAGANNNNNNNN!	20	827; 1080; 1244; 1380; 1415; 1775; 1830; 1963; 2484; 2612; 2711; 2796; 3264; 4170; 4283; 5179; 5407; 6284; 6494; 7113
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	2217; 6574; 6741; 6941; 7184



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
McaTI	GCGC!GC	0	
MfeI	C!AATTG	1	4673
MfII	R!GATCY	20	585; 661; 1507; 1635; 1793; 1943; 2222; 2348; 2890; 2930; 3073; 3848; 4404; 6094; 6340; 6732; 7091; 7103; 7189; 7200
MhII	GDGCH!C	18	1150; 1165; 1693; 2318; 3443; 3522; 3845; 3921; 3948; 3981; 5114; 5869; 5962; 6036; 6226; 6288; 6998; 7531
MIsI	TGG!CCA	10	1119; 1650; 1992; 2004; 2049; 2829; 3090; 3498; 4524; 6005
MluI	A!CGCGT	0	
MluNI	TGG!CCA	10	1119; 1650; 1992; 2004; 2049; 2829; 3090; 3498; 4524; 6005
MlyI	GAGTCNNNNN!	6	2152; 2309; 3657; 4153; 4975; 5407
MlyI	!NNNNNGACTC	11	404; 1419; 2331; 2372; 3054; 3482; 3782; 4568; 4982; 6588; 7465
Mly113I	GG!CGCC	2	2448; 5923
MmeI	TCCRACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	3055; 3134; 3185; 5016
MmeI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTYGGA	4	755; 2752; 7448; 7632
MnII	CCTCNNNNNN!	35	732; 774; 960; 1367; 1427; 1481; 1626; 1649; 2314; 2461; 2603; 2851; 2972; 3124; 3148; 3193; 3205; 3226; 3238; 3485; 3555; 3702; 4027; 4096; 4206; 4221; 4304; 4437; 4642; 5706; 6524; 6730; 7044; 7414; 7738
MnII	!NNNNNNGAGG	46	541; 680; 794; 980; 1043; 1268; 1620; 1824; 1970; 2078; 2280; 2363; 2468; 2482; 2902; 2921; 2939; 3203; 3233; 3272; 3411; 3476; 3497; 3638; 3908; 3947; 3968; 4001; 4118; 4227; 4283; 4472; 4505; 4548; 4602; 5067; 5398; 5676; 5719; 5734; 5774; 5838; 5974; 6331; 6761; 7664
Mph1103I	ATGCA!T	3	5495; 5567; 7898
MreI	CG!CCGGCG	0	
MroI	T!CCGGA	0	
MroNI	G!CCGGC	3	5140; 6423; 6706
MroXI	GAANN!NNTTC	2	2584; 3026
MscI	TGG!CCA	10	1119; 1650; 1992; 2004; 2049; 2829; 3090; 3498; 4524; 6005
MseI	T!TAA	23	7; 841; 1284; 1327; 2343; 2794; 3286; 3883; 4108; 4624; 4685; 4806; 4827; 4838; 4850; 4861; 4878; 4976; 5247; 7066; 7080; 7085; 7137
MslI	CAYNN!NNRTG	7	365; 609; 2108; 3666; 3867; 3897; 6360
MspI	C!CGG	31	648; 770; 1644; 1809; 2039; 2061; 2162; 2888; 3274; 3626; 3805; 3845; 3855; 4089; 4438; 5141; 5828; 5905; 5927; 5955; 6086; 6176; 6243; 6424; 6699; 6707; 6799; 7273; 7463; 7489; 7636
Msp20I	TGG!CCA	10	1119; 1650; 1992; 2004; 2049; 2829; 3090; 3498; 4524; 6005
MspA1I	CMG!CKG	11	2073; 2108; 2255; 2267; 3814; 3839; 4317; 5421; 6029; 7258; 7503
MspCI	C!TTAAG	1	4805

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspJI	CNNRNNNNNNNNNN!	407	36; 50; 71; 97; 113; 127; 147; 167; 219; 236; 251; 290; 306; 319; 332; 352; 373; 407; 424; 449; 481; 500; 523; 548; 574; 596; 617; 630; 644; 660; 679; 696; 719; 735; 755; 777; 804; 819; 843; 868; 884; 907; 924; 939; 952; 967; 980; 1003; 1031; 1050; 1093; 1107; 1123; 1145; 1161; 1178; 1196; 1224; 1261; 1277; 1305; 1333; 1353; 1372; 1387; 1405; 1433; 1446; 1470; 1487; 1506; 1523; 1558; 1571; 1588; 1605; 1624; 1637; 1652; 1668; 1687; 1704; 1729; 1745; 1761; 1789; 1804; 1821; 1836; 1855; 1873; 1890; 1920; 1938; 1954; 1968; 1986; 2000; 2018; 2033; 2047; 2062; 2077; 2094; 2112; 2136; 2151; 2174; 2188; 2202; 2224; 2241; 2255; 2268; 2284; 2297; 2317; 2331; 2345; 2364; 2379; 2392; 2423; 2456; 2475; 2509; 2527; 2548; 2575; 2601; 2620; 2635; 2653; 2673; 2689; 2708; 2746; 2759; 2773; 2794; 2816; 2842; 2856; 2869; 2887; 2900; 2917; 2938; 2955; 2977; 2990; 3003; 3019; 3043; 3057; 3074; 3089; 3103; 3122; 3135; 3156; 3173; 3189; 3213; 3234; 3249; 3273; 3286; 3302; 3322; 3343; 3359; 3385; 3402; 3418; 3445; 3469; 3482; 3502; 3523; 3543; 3560; 3576; 3595; 3608; 3629; 3643; 3664; 3684; 3697; 3732; 3755; 3772; 3788; 3805; 3827; 3850; 3867; 3887; 3905; 3923; 3953; 3971; 3986; 4001; 4019; 4052; 4067; 4091; 4110; 4134; 4147; 4163; 4181; 4195; 4211; 4224; 4238; 4259; 4272; 4293; 4312; 4326; 4340; 4358; 4371; 4388; 4401; 4415; 4428; 4442; 4463; 4476; 4495; 4514; 4537; 4558; 4583; 4596; 4611; 4630; 4647; 4660; 4701; 4715; 4728; 4746; 4784; 4799; 4817; 4858; 4882; 4902; 4920; 4941; 4964; 4996; 5011; 5033; 5051; 5064; 5085; 5102; 5115; 5128; 5144; 5157; 5187; 5202; 5227; 5245; 5258; 5273; 5297; 5311; 5335; 5360; 5376; 5414; 5430; 5469; 5483; 5497; 5525; 5541; 5555; 5569; 5598; 5611; 5632; 5641; 5663; 5693; 5709; 5727; 5757; 5780; 5804; 5828; 5847; 5875; 5901; 5917; 5930; 5953; 5967; 5987; 6000; 6014; 6033; 6047; 6060; 6076; 6091; 6104; 6120; 6135; 6151; 6176; 6195; 6211; 6224; 6237; 6255; 6269; 6283; 6299; 6321; 6337; 6356; 6378; 6394; 6417; 6436; 6450; 6466; 6480; 6500; 6516; 6529; 6551; 6584; 6598; 6618; 6631; 6645; 6699; 6712; 6735; 6748; 6767; 6784; 6811; 6847; 6880; 6899; 6924; 6945; 6972; 6985; 7002; 7016; 7031; 7047; 7107; 7132; 7148; 7170; 7183; 7197; 7228; 7242; 7267; 7285; 7300; 7313; 7332; 7345; 7360; 7389; 7408; 7426; 7451; 7466; 7485; 7501; 7520; 7538; 7554; 7568; 7587; 7614; 7637; 7659; 7678; 7693; 7706; 7723; 7743; 7770; 7783; 7802; 7827; 7850; 7864; 7877; 7894
MspJI	!NNNNNNNNNNNNYNG	333	8; 35; 59; 76; 97; 123; 145; 168; 197; 221; 269; 281; 310; 330; 347; 377; 400; 437; 465; 492; 511; 531; 553; 574; 591; 608; 627; 657; 681; 703; 720; 743; 761; 786; 810; 828; 849; 867; 892; 921; 940; 967; 995; 1014; 1050; 1081; 1098; 1119; 1143; 1162; 1182; 1210; 1252; 1291; 1317; 1346; 1363; 1386; 1425; 1442; 1462; 1480; 1498; 1517; 1545; 1562; 1591; 1610; 1630; 1650; 1668; 1703; 1764; 1795; 1814; 1835; 1853; 1886; 1906; 1924; 1942; 1960; 1984; 2007; 2025; 2047; 2068; 2086; 2125; 2147; 2175; 2192; 2215; 2238; 2262; 2292; 2313; 2345; 2367; 2387; 2409; 2430; 2454; 2472; 2500; 2517; 2535; 2574; 2594; 2611; 2639; 2656; 2674; 2691; 2720; 2754; 2790; 2811; 2829; 2852; 2874; 2892; 2911; 2929; 2950; 2976; 3000; 3022; 3042; 3063; 3083; 3102; 3130; 3159; 3183; 3209; 3247; 3276; 3296; 3317; 3360; 3384; 3401; 3420; 3439; 3456; 3476; 3498; 3521; 3538; 3563; 3582; 3603; 3623; 3643; 3672; 3690; 3734; 3758; 3779; 3807; 3824; 3841; 3861; 3879; 3897; 3927; 3951; 3969; 3993; 4012; 4034; 4065; 4084; 4108; 4141; 4170; 4212; 4234; 4267; 4287; 4314; 4332; 4349; 4367; 4395; 4416; 4437; 4461; 4483; 4506; 4523; 4549; 4575; 4604; 4633; 4675; 4758; 4793; 4820; 4843; 4872; 4916; 4938; 4970; 5006; 5023; 5044; 5081; 5101; 5118; 5135; 5170; 5188; 5206; 5223; 5247; 5269; 5296; 5324; 5350; 5388; 5409; 5426; 5444; 5467; 5488; 5516; 5539; 5560; 5578; 5599; 5616; 5639; 5663; 5683; 5701; 5723; 5754; 5776; 5802; 5821; 5838; 5866; 5885; 5904; 5922; 5940; 5961; 5983; 6007; 6040; 6060; 6078; 6099; 6125; 6152; 6169; 6186; 6203; 6229; 6251; 6273; 6291; 6311; 6330; 6352; 6390; 6410; 6434; 6454; 6474; 6501; 6525; 6558; 6577; 6605; 6627; 6656; 6684; 6709; 6728; 6747; 6768; 6785; 6802; 6833; 6860; 6880; 6903; 6923; 6960; 6977; 6996; 7022; 7042; 7081; 7108; 7127; 7145; 7182; 7200; 7241; 7259; 7285; 7302; 7334; 7363; 7391; 7412; 7435; 7454; 7475; 7493; 7510; 7528; 7554; 7575; 7595; 7615; 7633; 7654; 7680; 7697; 7716; 7735; 7764; 7783; 7801; 7820; 7838; 7856; 7879

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspR9I	CC!NGG	42	90; 283; 642; 672; 771; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2040; 2163; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3275; 3794; 3846; 4041; 4090; 4185; 4200; 4329; 4438; 5459; 5514; 5531; 5927; 6087; 6310; 6700; 6889; 6992; 7464; 7682; 7695; 7816
MssI	GTTT!AAAC	0	
MunI	C!AATTG	1	4673
MvaI	CC!WGG	31	90; 283; 642; 672; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3794; 4041; 4185; 4200; 4329; 5459; 5514; 5531; 6310; 6889; 6992; 7682; 7695; 7816
Mva1269I	GAATGCN!	2	857; 4674
Mva1269I	G!CATTC	2	2584; 4767
MvnI	CG!CG	18	60; 623; 729; 3839; 4572; 4847; 5223; 5243; 5267; 5298; 5989; 6290; 6728; 6812; 6875; 6944; 7217; 7798
MvrI	CGAT!CG	1	631
MwoI	GCNNNNN!NNGC	42	90; 212; 244; 283; 376; 400; 597; 735; 747; 1555; 2021; 2070; 2105; 2216; 2268; 2439; 2541; 2846; 2880; 2955; 3732; 3902; 4333; 5150; 5180; 5207; 5249; 5490; 5562; 5613; 5692; 5914; 5998; 6021; 6160; 6283; 6366; 6633; 6820; 7024; 7223; 7795
NaeI	GCC!GGC	3	5142; 6425; 6708
NarI	GG!CGCC	2	2448; 5923
NciI	CC!SGG	11	771; 2040; 2163; 3275; 3846; 4090; 4438; 5927; 6087; 6700; 7464
NcoI	C!CATGG	4	360; 3865; 5652; 6355
NdeI	CA!TATG	1	234
NdeII	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
NgoAVIII	GACNNNNNTGANNNNNNNNNNNN!	1	280
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNTCANNNNNGTC	1	3985
NgoAVIII	TCANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	1	4021
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNGACNNNNNTGA	1	244
NgoMIV	G!CCGGC	3	5140; 6423; 6706
NheI	G!CTAGC	1	591
NlaII	CATG!	34	304; 364; 608; 1403; 1655; 1736; 2378; 2699; 3324; 3383; 3620; 3698; 3869; 3896; 3902; 3914; 3992; 4058; 4138; 4342; 4349; 5353; 5493; 5565; 5656; 5797; 6142; 6328; 6359; 6385; 6741; 7125; 7845; 7896
NlaIV	GGN!NCC	33	467; 646; 1455; 1637; 2209; 2449; 2658; 2892; 2932; 3075; 3121; 3214; 3431; 3798; 3835; 3843; 3850; 3920; 3980; 4371; 5078; 5099; 5111; 5302; 5463; 5535; 5924; 5959; 6807; 6886; 6931; 7774; 7813
NlaCI	CATCACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	4755; 5070; 6662
NlaCI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGATG	8	347; 1152; 1852; 2979; 3622; 4245; 4531; 7734
Nli3877I	CYCGR!G	4	920; 1985; 2612; 3848
NmeAIII	GCCGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	2561; 5712; 6148
NmeAIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCGGC	4	2613; 3386; 4261; 5677
NmeDI	RCCGGYNNNNNNNN!	8	659; 1655; 2072; 3866; 5152; 6254; 6435; 6718
NmeDI	!NNNNNNNNNNNNRCCGGY	8	634; 1630; 2047; 3841; 5127; 6229; 6410; 6693
NmuCI	!GTSAC	9	1076; 1458; 2238; 3485; 4145; 4341; 5212; 6043; 6349
NotI	GC!GGCCGC	1	4567
NruI	TCG!CGA	0	
NsbI	TGC!GCA	1	6025
NsiI	ATGCA!T	3	5495; 5567; 7898
NspI	RCATG!Y	6	3896; 4342; 5493; 5565; 6328; 7845
NspV	TT!CGAA	2	3749; 6605
OliI	CACNN!NNGTG	2	2108; 3867
PabI	GTA!C	15	220; 245; 300; 333; 384; 541; 2078; 2559; 3432; 3799; 3836; 3910; 4060; 4312; 6230
PacI	TTAAT!TAA	0	
PaeI	GCATG!C	3	5493; 5565; 6328
PaeR7I	C!TCGAG	2	916; 1981
PagI	T!CATGA	2	5349; 7121
PalAI	GG!CGCGCC	0	
PasI	CC!CWGGG	3	1476; 6888; 6991
PauI	G!CGCGC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PceI	AGG!CCT	5	2592; 3227; 3474; 4293; 5744
PciI	A!CATGT	1	7841
PciSI	GCTCTCN!	0	
PciSI	!NNNNGAAGAGC	3	1813; 6267; 6477
PcsI	WCGNNNN!NNNCGW	8	691; 4507; 6217; 6294; 6537; 6611; 7004; 7522
PctI	GAATGCN!	2	857; 4674
PctI	G!CATTC	2	2584; 4767
PdiI	GCC!GGC	3	5142; 6425; 6708
PdmI	GAANN!NNTTC	2	2584; 3026
PfeI	G!AWTC	12	1091; 1565; 1826; 1968; 3565; 3994; 4471; 6408; 6542; 6652; 6689; 7867
Pfl23II	C!GTACG	0	
PfIFI	GACN!NNGTC	1	6041
PfIMI	CCANNNN!NTGG	3	1450; 1803; 4463
PfoI	T!CCNGGA	4	640; 3055; 4198; 6698
PhoI	GG!CC	59	84; 277; 738; 753; 1100; 1119; 1380; 1416; 1443; 1497; 1650; 1992; 2004; 2010; 2049; 2064; 2175; 2210; 2373; 2535; 2592; 2607; 2829; 2883; 3090; 3227; 3273; 3474; 3498; 3612; 3625; 3660; 3843; 4015; 4258; 4293; 4327; 4350; 4372; 4482; 4524; 4569; 4889; 5031; 5686; 5692; 5701; 5744; 5831; 6005; 6396; 6423; 6932; 6989; 7022; 7367; 7801; 7819; 7830
PinAI	A!CCGGT	2	1643; 3854
PlaDI	CATCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	987; 1525; 3661; 6304
PlaDI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGATG	5	2435; 2945; 3370; 5869; 6124
PleI	GAGTCNNNN!	6	2151; 2308; 3656; 4152; 4974; 5406
PleI	!NNNNNGACTC	11	404; 1419; 2331; 2372; 3054; 3482; 3782; 4568; 4982; 6588; 7465
Ple19I	CGAT!CG	1	631
PmaCI	CAC!GTG	0	
PmeI	GTTT!AAAC	0	
PmlI	CAC!GTG	0	
PpiI	GAACNNNNNCTCNNNNNNNNNNNNNN!	1	5005
PpiI	!NNNNNNNNGAGNNNNNGTTC	1	7135
PpiI	GAGNNNNGTTCNNNNNNNNNNNNNN!	1	7167
PpiI	!NNNNNNNGAACNNNNNCTC	1	4973
PpsI	GAGTCNNNN!	6	2151; 2308; 3656; 4152; 4974; 5406
PpsI	!NNNNNGACTC	11	404; 1419; 2331; 2372; 3054; 3482; 3782; 4568; 4982; 6588; 7465
Ppu10I	A!TGCAT	3	5491; 5563; 7894
Ppu21I	YAC!GTR	3	340; 5039; 6227
PpuMI	RG!GWCCY	1	3212
PscI	A!CATGT	1	7841
PshAI	GACNN!NNGTC	1	4497
PshBI	AT!TAAT	2	7; 1327
PsiI	TTA!TAA	2	4706; 4911
Psp03I	GGWC!C	9	998; 1809; 2252; 3215; 3343; 3631; 4457; 6442; 6887
Psp5II	RG!GWCCY	1	3212
Psp6I	!CCWGG	31	88; 281; 640; 670; 871; 1100; 1156; 1374; 1438; 1475; 2275; 2623; 2660; 2803; 3035; 3055; 3076; 3792; 4039; 4183; 4198; 4327; 5457; 5512; 5529; 6308; 6887; 6990; 7680; 7693; 7814
Psp1406I	AA!CGTT	0	
Psp124BI	GAGCT!C	1	1150
PspCI	CAC!GTG	0	
PspEI	G!GTNACC	0	
PspGI	!CCWGG	31	88; 281; 640; 670; 871; 1100; 1156; 1374; 1438; 1475; 2275; 2623; 2660; 2803; 3035; 3055; 3076; 3792; 4039; 4183; 4198; 4327; 5457; 5512; 5529; 6308; 6887; 6990; 7680; 7693; 7814
PspLI	C!GTACG	0	
PspN4I	GGN!NCC	33	467; 646; 1455; 1637; 2209; 2449; 2658; 2892; 2932; 3075; 3121; 3214; 3431; 3798; 3835; 3843; 3850; 3920; 3980; 4371; 5078; 5099; 5111; 5302; 5463; 5535; 5924; 5959; 6807; 6886; 6931; 7774; 7813
PspOMI	G!GGCCC	1	3841
PspOMII	CGCCARNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	125; 5653; 6652
PspOMII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNYTGGGCG	1	6055

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PspPI	G!GNCC	27	83; 276; 995; 1098; 1378; 1806; 2009; 2208; 2249; 2606; 2881; 3212; 3340; 3623; 3628; 3842; 4014; 4257; 4349; 4370; 4454; 5030; 6439; 6884; 6930; 6988; 7021
PspPPI	RG!GWCCY	1	3212
PspPRI	CCYCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	10	1494; 2324; 2613; 2642; 2861; 3134; 3495; 5476; 5548; 7054
PspPRI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGRGG	6	785; 977; 2843; 4109; 5389; 6584
PspXI	VC!TCGAGB	1	1981
PsrI	GAACNNNNNTACNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGTANNNNNNGTTC	0	
PsrI	GTANNNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGAACNNNNNNNTAC	0	
PssI	RGGNC!CY	3	2211; 3215; 7024
PstI	CTGCA!G	3	2017; 2026; 3826
PstNI	CAGNNN!CTG	7	912; 1682; 2021; 2849; 3759; 7024; 7432
PsuI	R!GATCY	20	585; 661; 1507; 1635; 1793; 1943; 2222; 2348; 2890; 2930; 3073; 3848; 4404; 6094; 6340; 6732; 7091; 7103; 7189; 7200
PsyI	GACN!NNGTC	1	6041
PteI	G!CGCGC	0	
PvuI	CGAT!CG	1	631
PvuII	CAG!CTG	5	2073; 2255; 2267; 5421; 6029
RcaI	T!CATGA	2	5349; 7121
RceI	CATCGACNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	6438
RceI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGATG	0	
RgaI	GCGAT!CGC	0	
RigI	GGCCGG!CC	0	
RleAI	CCCACANNNNNNNNNNNN!	2	2141; 4652
RleAI	!NNNNNNNNNTGTGGG	0	
RpaBI	CCCGCAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaBI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGCGGG	0	
RpaB5I	CGRGGACNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaB5I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCCYCG	0	
RruI	TCG!CGA	0	
RsaI	GT!AC	15	219; 244; 299; 332; 383; 540; 2077; 2558; 3431; 3798; 3835; 3909; 4059; 4311; 6229
RsaNI	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 2076; 2557; 3430; 3797; 3834; 3908; 4058; 4310; 6228
RseI	CAYNN!NNRTG	7	365; 609; 2108; 3666; 3867; 3897; 6360
RsrII	CG!GWCCG	1	6439
Rsr2I	CG!GWCCG	1	6439
SacI	GAGCT!C	1	1150
SacII	CCGC!GG	1	3840
SalI	G!TCGAC	1	3827
SapI	GCTCTCN!	0	
SapI	!NNNNGAAGAGC	3	1813; 6267; 6477
SaqAI	T!TAA	23	7; 841; 1284; 1327; 2343; 2794; 3286; 3883; 4108; 4624; 4685; 4806; 4827; 4838; 4850; 4861; 4878; 4976; 5247; 7066; 7080; 7085; 7137
SatI	GC!NGC	56	739; 751; 877; 1209; 1714; 1774; 2071; 2155; 2281; 2440; 2494; 2545; 2548; 2638; 2674; 2959; 3135; 3307; 3367; 3370; 3733; 3812; 4013; 4064; 4208; 4325; 4506; 4570; 4700; 5219; 5241; 5255; 5693; 5832; 5884; 5895; 5985; 5990; 6027; 6068; 6155; 6158; 6161; 6397; 6493; 6534; 6548; 6662; 7001; 7016; 7227; 7433; 7436; 7501; 7644; 7799
Sau96I	G!GNCC	27	83; 276; 995; 1098; 1378; 1806; 2009; 2208; 2249; 2606; 2881; 3212; 3340; 3623; 3628; 3842; 4014; 4257; 4349; 4370; 4454; 5030; 6439; 6884; 6930; 6988; 7021
Sau3AI	!GATC	37	585; 628; 661; 803; 1507; 1601; 1635; 1765; 1793; 1874; 1943; 2222; 2348; 2710; 2890; 2930; 3073; 3848; 4378; 4404; 4580; 5760; 5764; 5783; 6094; 6172; 6253; 6262; 6340; 6716; 6732; 7091; 7103; 7181; 7189; 7200; 7275
Sbfl	CCTGCA!GG	0	
ScaI	AGT!ACT	0	
SchI	GAGTCNNNNN!	6	2152; 2309; 3657; 4153; 4975; 5407
SchI	!NNNNNGACTC	11	404; 1419; 2331; 2372; 3054; 3482; 3782; 4568; 4982; 6588; 7465
SciI	CTC!GAG	2	918; 1983

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
ScrFI	CC!NGG	42	90; 283; 642; 672; 771; 873; 1102; 1158; 1376; 1440; 1477; 2040; 2163; 2277; 2625; 2662; 2805; 3037; 3057; 3078; 3275; 3794; 3846; 4041; 4090; 4185; 4200; 4329; 4438; 5459; 5514; 5531; 5927; 6087; 6310; 6700; 6889; 6992; 7464; 7682; 7695; 7816
SdaI	CCTGCA!GG	0	
SdeAI	CAGRAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	10	1169; 2393; 2808; 3143; 3293; 4295; 5501; 5573; 5742; 7684
SdeAI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTYCTG	3	2432; 6078; 6563
SdeOSI	GACNNNNRTGANNNNNNNNNNNNN!	1	279
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNTCAYNNNNNGTC	0	
SdeOSI	TCAYNNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	0	
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNGACNNNNRTGA	1	245
SduI	GDGCH!C	18	1150; 1165; 1693; 2318; 3443; 3522; 3845; 3921; 3948; 3981; 5114; 5869; 5962; 6036; 6226; 6288; 6998; 7531
SelI	!CGCG	18	58; 621; 727; 3837; 4570; 4845; 5221; 5241; 5265; 5296; 5987; 6288; 6726; 6810; 6873; 6942; 7215; 7796
SetI	ASST!	132	125; 137; 178; 261; 308; 342; 447; 552; 568; 673; 700; 724; 766; 847; 868; 881; 970; 981; 997; 1054; 1150; 1229; 1283; 1359; 1451; 1523; 1618; 1664; 1672; 1718; 1726; 1835; 1850; 1904; 2002; 2023; 2075; 2083; 2257; 2269; 2278; 2332; 2360; 2428; 2479; 2498; 2524; 2629; 2675; 2806; 2821; 2825; 2917; 2960; 3014; 3054; 3086; 3097; 3116; 3151; 3178; 3197; 3209; 3214; 3224; 3283; 3319; 3332; 3487; 3508; 3547; 3556; 3589; 3694; 3728; 3734; 3880; 3907; 4003; 4053; 4074; 4225; 4231; 4360; 4378; 4390; 4429; 4453; 4497; 4501; 4516; 4559; 4613; 4634; 4643; 4655; 4704; 4871; 4986; 4998; 5041; 5078; 5128; 5151; 5275; 5423; 5518; 5711; 5824; 5952; 6031; 6042; 6114; 6185; 6229; 6489; 6635; 6679; 7010; 7041; 7100; 7143; 7286; 7307; 7406; 7543; 7558; 7577; 7589; 7633; 7679; 7730
SexAI	A!CCWGGT	2	670; 5512
SfaAI	GCGAT!CGC	0	
SfaNI	GCATCNNNNN!	11	646; 955; 2192; 2331; 4102; 4739; 5502; 5574; 6222; 6286; 6561
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	18	357; 874; 1361; 1472; 1760; 2353; 2447; 2765; 2836; 2993; 3658; 3746; 4255; 4423; 5881; 6136; 6352; 7744
SfcI	C!TRYAG	6	2013; 2022; 3822; 5258; 7385; 7576
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	5698
SfoI	GGC!GCC	2	2449; 5924
Sfr274I	C!TCGAG	2	916; 1981
Sfr303I	CCGC!GG	1	3840
SfuI	TT!CGAA	2	3749; 6605

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SgeI	CNNGNNNNNNNNNN!	310	6; 36; 71; 97; 123; 223; 236; 252; 290; 307; 336; 373; 407; 426; 491; 548; 579; 604; 617; 634; 653; 683; 696; 729; 744; 759; 777; 843; 868; 884; 924; 952; 967; 980; 1107; 1133; 1155; 1169; 1196; 1224; 1278; 1317; 1353; 1372; 1387; 1412; 1451; 1470; 1488; 1506; 1534; 1558; 1571; 1588; 1617; 1632; 1656; 1680; 1695; 1729; 1745; 1796; 1821; 1842; 1861; 1920; 1968; 1986; 2000; 2018; 2033; 2051; 2073; 2094; 2112; 2151; 2174; 2202; 2232; 2246; 2264; 2280; 2296; 2319; 2346; 2371; 2387; 2435; 2456; 2480; 2527; 2549; 2601; 2620; 2636; 2653; 2673; 2708; 2746; 2816; 2862; 2878; 2892; 2906; 2939; 2955; 3002; 3031; 3048; 3068; 3089; 3104; 3129; 3143; 3156; 3189; 3213; 3235; 3249; 3273; 3286; 3302; 3322; 3343; 3359; 3386; 3418; 3446; 3470; 3502; 3524; 3564; 3596; 3629; 3669; 3684; 3698; 3732; 3772; 3788; 3805; 3850; 3867; 3887; 3905; 3923; 3953; 3977; 3995; 4010; 4052; 4067; 4091; 4110; 4134; 4147; 4175; 4196; 4211; 4238; 4260; 4293; 4313; 4326; 4340; 4358; 4371; 4388; 4401; 4421; 4442; 4463; 4476; 4514; 4537; 4558; 4583; 4630; 4659; 4701; 4784; 4858; 4942; 4964; 4996; 5033; 5051; 5070; 5085; 5127; 5144; 5161; 5196; 5210; 5227; 5249; 5273; 5297; 5362; 5376; 5414; 5430; 5470; 5483; 5502; 5525; 5542; 5555; 5574; 5604; 5625; 5642; 5665; 5700; 5727; 5758; 5780; 5806; 5828; 5847; 5875; 5911; 5930; 5953; 5967; 5987; 6000; 6014; 6033; 6047; 6066; 6098; 6112; 6125; 6151; 6182; 6195; 6212; 6229; 6243; 6260; 6278; 6293; 6321; 6337; 6356; 6378; 6394; 6417; 6436; 6461; 6480; 6500; 6527; 6551; 6584; 6603; 6631; 6645; 6711; 6735; 6750; 6773; 6794; 6811; 6859; 6886; 6900; 6929; 6953; 6986; 7003; 7023; 7036; 7049; 7107; 7134; 7153; 7183; 7208; 7228; 7242; 7267; 7285; 7322; 7360; 7389; 7417; 7431; 7451; 7466; 7487; 7501; 7520; 7538; 7554; 7594; 7614; 7641; 7659; 7680; 7693; 7706; 7723; 7747; 7770; 7802; 7827; 7854; 7876
SgeI	!NNNNNNNNNNNNCNG	271	10; 45; 71; 97; 197; 226; 264; 281; 310; 347; 381; 400; 465; 522; 553; 578; 595; 612; 634; 657; 681; 703; 720; 751; 817; 842; 859; 898; 926; 954; 1081; 1107; 1129; 1153; 1170; 1198; 1252; 1291; 1327; 1346; 1367; 1386; 1425; 1444; 1462; 1480; 1508; 1532; 1555; 1573; 1591; 1610; 1630; 1654; 1703; 1770; 1795; 1816; 1835; 1894; 1942; 1960; 1984; 2007; 2025; 2047; 2068; 2086; 2125; 2148; 2176; 2206; 2230; 2250; 2270; 2293; 2320; 2345; 2368; 2409; 2430; 2454; 2501; 2523; 2575; 2594; 2611; 2647; 2682; 2720; 2790; 2836; 2861; 2880; 2913; 2976; 3005; 3022; 3042; 3063; 3103; 3130; 3163; 3187; 3209; 3247; 3276; 3296; 3317; 3360; 3392; 3420; 3444; 3476; 3498; 3538; 3570; 3603; 3643; 3672; 3706; 3746; 3779; 3824; 3841; 3861; 3879; 3897; 3927; 3951; 3969; 3993; 4026; 4065; 4084; 4108; 4149; 4170; 4212; 4234; 4267; 4287; 4314; 4332; 4353; 4375; 4395; 4416; 4437; 4461; 4488; 4511; 4532; 4557; 4604; 4633; 4675; 4758; 4832; 4916; 4938; 4970; 5007; 5025; 5044; 5101; 5118; 5135; 5170; 5188; 5208; 5228; 5247; 5271; 5336; 5388; 5444; 5476; 5499; 5516; 5548; 5578; 5599; 5616; 5639; 5674; 5701; 5732; 5754; 5780; 5802; 5821; 5849; 5885; 5904; 5927; 5948; 5966; 5983; 6007; 6040; 6072; 6099; 6125; 6156; 6186; 6203; 6229; 6252; 6273; 6295; 6315; 6335; 6352; 6391; 6410; 6435; 6454; 6474; 6501; 6525; 6558; 6577; 6605; 6627; 6685; 6709; 6728; 6747; 6768; 6785; 6833; 6860; 6880; 6903; 6927; 6960; 6977; 6997; 7023; 7081; 7108; 7127; 7157; 7182; 7202; 7241; 7259; 7296; 7334; 7363; 7391; 7412; 7440; 7461; 7494; 7512; 7568; 7588; 7615; 7633; 7654; 7680; 7697; 7721; 7744; 7776; 7801; 7828; 7850; 7879
SgfI	GCGAT!CGC	0	
SgrAI	CR!CCGGYG	1	1643
SgrBI	CCGC!GG	1	3840
SgrDI	CG!TCGACG	0	
SgsI	GG!CGCGCC	0	
SimI	GG!GTC	6	27; 937; 1680; 5070; 6857; 7650
SimI	!GACCC	7	106; 896; 1460; 3032; 6351; 6919; 7167
SinI	G!GWCC	9	995; 1806; 2249; 3212; 3340; 3628; 4454; 6439; 6884
SlaI	C!TCGAG	2	916; 1981
SmaI	CCC!GGG	1	3846
SmiI	ATTT!AAAT	0	
SmiMI	CAYNN!NNRTG	7	365; 609; 2108; 3666; 3867; 3897; 6360
SmlI	C!TYRAG	10	916; 1981; 2082; 4389; 4428; 4805; 6314; 7196; 7473; 7735
SmoI	C!TYRAG	10	916; 1981; 2082; 4389; 4428; 4805; 6314; 7196; 7473; 7735

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SmuI	CCCGCNNNN!	11	93; 119; 286; 3139; 4322; 4424; 5245; 5600; 5621; 6817; 6949
SmuI	!NNNNNNGCGGG	9	3430; 3712; 3832; 4359; 5176; 6046; 6583; 6721; 6868
SnaBI	TAC!GTA	1	340
SpeI	A!CTAGT	0	
SphI	GCATG!C	3	5493; 5565; 6328
SrfI	GCCC!GGGC	0	
Sse9I	!AATT	23	18; 928; 1003; 1024; 1295; 1324; 1336; 1863; 1935; 2791; 2921; 2970; 3745; 3817; 4673; 4737; 4815; 4841; 4852; 5499; 5571; 5663; 7081
Sse8387I	CCTGCA!GG	0	
Sse8647I	AG!GWCCT	0	
SseBI	AGG!CCT	5	2592; 3227; 3474; 4293; 5744
SsiI	C!CGC	41	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 598; 727; 739; 3132; 3135; 3837; 4177; 4315; 4417; 4570; 5238; 5241; 5255; 5345; 5593; 5605; 5614; 5626; 5636; 5647; 5693; 5832; 5895; 6397; 6442; 6508; 6534; 6659; 6662; 6810; 6942; 7249; 7393; 7889
SsiI	G!CGG	35	370; 403; 528; 750; 2108; 2544; 2550; 3437; 3719; 3814; 3839; 4012; 4324; 4366; 4566; 5183; 5210; 5298; 5408; 5989; 6053; 6154; 6157; 6437; 6492; 6590; 6728; 6875; 7015; 7258; 7503; 7624; 7643; 7770; 7798
SspI	AAT!ATT	2	4831; 5384
SspDI	G!GCGCC	2	2447; 5922
SspD5I	GGTGANNNNNNNN!	14	376; 686; 1190; 1500; 1545; 3008; 3219; 3293; 3497; 3881; 4250; 4560; 6994; 7110
SspD5I	!NNNNNNNNTCACC	7	715; 1145; 1345; 1632; 4138; 5039; 6100
SstI	GAGCT!C	1	1150
SstII	CCGC!GG	1	3840
SstE37I	CGAAGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1976; 4183
SstE37I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCTTCG	0	
Sth132I	CCCGNNNN!	24	92; 118; 285; 739; 2615; 2997; 3138; 3851; 4105; 4321; 4423; 4444; 5122; 5244; 5599; 5620; 5933; 6336; 6475; 6546; 6816; 6948; 7178; 7616
Sth132I	!NNNNNNNNCGGG	29	15; 407; 470; 762; 2031; 2154; 2871; 3266; 3429; 3711; 3831; 4081; 4154; 4358; 5123; 5175; 5276; 6003; 6045; 6078; 6582; 6691; 6720; 6867; 6971; 7002; 7455; 7499; 7707
Sth302II	CC!GG	31	649; 771; 1645; 1810; 2040; 2062; 2163; 2889; 3275; 3627; 3806; 3846; 3856; 4090; 4439; 5142; 5829; 5906; 5928; 5956; 6087; 6177; 6244; 6425; 6700; 6708; 6800; 7274; 7464; 7490; 7637
StrI	C!TCGAG	2	916; 1981
StsI	GGATGNNNNNNNNNN!	12	1378; 1495; 1699; 2146; 2376; 2788; 3016; 3262; 5791; 6248; 6273; 6727
StsI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCATCC	7	623; 932; 2144; 3934; 4022; 4079; 5595
StuI	AGG!CCT	5	2592; 3227; 3474; 4293; 5744
StyI	C!CWWGG	14	360; 1265; 1907; 1987; 3091; 3222; 3457; 3469; 3499; 3865; 5652; 5745; 6355; 6760
StyD4I	!CCNGG	42	88; 281; 640; 670; 769; 871; 1100; 1156; 1374; 1438; 1475; 2038; 2161; 2275; 2623; 2660; 2803; 3035; 3055; 3076; 3273; 3792; 3844; 4039; 4088; 4183; 4198; 4327; 4436; 5457; 5512; 5529; 5925; 6085; 6308; 6698; 6887; 6990; 7462; 7680; 7693; 7814
SwaI	ATTT!AAAT	0	
TaaI	ACN!GT	23	76; 198; 269; 543; 581; 788; 1043; 1196; 2129; 2139; 2576; 3605; 3716; 3833; 3923; 5014; 6303; 6419; 6527; 6850; 7341; 7811; 7882
TaiI	ACGT!	18	125; 137; 178; 261; 342; 447; 1904; 4225; 4453; 4501; 4986; 4998; 5041; 5151; 6042; 6229; 7010; 7143
TaqI	T!CGA	24	631; 917; 982; 1185; 1768; 1829; 1982; 2713; 3749; 3828; 4006; 4033; 4501; 5072; 5763; 6036; 6192; 6216; 6252; 6414; 6605; 6650; 6905; 7743
TaqII	GACCGANNNNNNNNNN!	4	2257; 4943; 5960; 6628
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	2	2136; 6872
TaqII	CACCCANNNNNNNNNN!	2	3597; 3996
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	172; 5827; 6419
TasI	!AATT	23	18; 928; 1003; 1024; 1295; 1324; 1336; 1863; 1935; 2791; 2921; 2970; 3745; 3817; 4673; 4737; 4815; 4841; 4852; 5499; 5571; 5663; 7081
TatI	W!GTACW	6	217; 297; 330; 381; 2075; 3907



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
TauI	GCSG!C	22	741; 753; 2547; 3137; 4015; 4327; 4572; 5243; 5257; 5695; 5834; 5897; 5992; 6157; 6160; 6399; 6495; 6536; 6664; 7018; 7646; 7801
TfiI	G!AWTC	12	1091; 1565; 1826; 1968; 3565; 3994; 4471; 6408; 6542; 6652; 6689; 7867
TliI	C!TCGAG	2	916; 1981
Tru1I	T!TAA	23	7; 841; 1284; 1327; 2343; 2794; 3286; 3883; 4108; 4624; 4685; 4806; 4827; 4838; 4850; 4861; 4878; 4976; 5247; 7066; 7080; 7085; 7137
Tru9I	T!TAA	23	7; 841; 1284; 1327; 2343; 2794; 3286; 3883; 4108; 4624; 4685; 4806; 4827; 4838; 4850; 4861; 4878; 4976; 5247; 7066; 7080; 7085; 7137
TscAI	CASTGNN!	21	616; 803; 913; 1048; 1397; 2134; 2440; 2581; 2602; 2712; 3431; 3456; 3522; 3610; 3644; 3775; 4769; 6052; 7162; 7433; 7446
TseI	G!CWGC	34	876; 1208; 1713; 1773; 2070; 2154; 2280; 2439; 2493; 2547; 2637; 2673; 2958; 3306; 3366; 3369; 3732; 3811; 4063; 4207; 4505; 4699; 5218; 5883; 5984; 6026; 6067; 6160; 6547; 7000; 7226; 7432; 7435; 7500
TsoI	TARCCANNNNNNNNNNN!	3	3303; 4895; 5242
TsoI	!NNNNNNNNNTGGYTA	5	2181; 2892; 4032; 4700; 6452
Tsp45I	!GTSAC	9	1076; 1458; 2238; 3485; 4145; 4341; 5212; 6043; 6349
Tsp509I	!AATT	23	18; 928; 1003; 1024; 1295; 1324; 1336; 1863; 1935; 2791; 2921; 2970; 3745; 3817; 4673; 4737; 4815; 4841; 4852; 5499; 5571; 5663; 7081
TspDTI	ATGAANNNNNNNNNNN!	14	1203; 1245; 1381; 1416; 1531; 2695; 2712; 2983; 3265; 3340; 3915; 4681; 5982; 6686
TspDTI	!NNNNNNNNNTTCAT	7	26; 606; 4043; 4064; 6400; 6856; 7063
TspEI	!AATT	23	18; 928; 1003; 1024; 1295; 1324; 1336; 1863; 1935; 2791; 2921; 2970; 3745; 3817; 4673; 4737; 4815; 4841; 4852; 5499; 5571; 5663; 7081
TspGWI	ACGGANNNNNNNNNNN!	2	3545; 6798
TspGWI	!NNNNNNNNNTCCGT	4	987; 1446; 1608; 2931
TspMI	C!CCGGG	1	3844
TspRI	CASTGNN!	21	616; 803; 913; 1048; 1397; 2134; 2440; 2581; 2602; 2712; 3431; 3456; 3522; 3610; 3644; 3775; 4769; 6052; 7162; 7433; 7446
TstI	CACNNNNNNNTCCNNNNNNNNNNNN!	1	2467
TstI	!NNNNNNNGGANNNNNNGTG	0	
TstI	GGANNNNNNGTGNNNNNNNNNNNN!	0	
TstI	!NNNNNNNNCACNNNNNNNTCC	1	2435
Tth111I	GACN!NNGTC	1	6041
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	5	2010; 2116; 3528; 4095; 7250
Tth111III	!NNNNNNNNNTGYTTG	4	844; 6358; 7218; 7257
UnbI	!GGNCC	27	82; 275; 994; 1097; 1377; 1805; 2008; 2207; 2248; 2605; 2880; 3211; 3339; 3622; 3627; 3841; 4013; 4256; 4348; 4369; 4453; 5029; 6438; 6883; 6929; 6987; 7020
Van9II	CCANNNN!NTGG	3	1450; 1803; 4463
Vha464I	C!TTAAG	1	4805
VneI	G!TGCAC	3	3518; 3944; 7527
VpaK11AI	!GGWCC	9	994; 1805; 2248; 3211; 3339; 3627; 4453; 6438; 6883
VpaK11BI	G!GWCC	9	995; 1806; 2249; 3212; 3340; 3628; 4454; 6439; 6884
Vspl	AT!TAAT	2	7; 1327
XagI	CCTNN!NNNAGG	1	3549
XapI	R!AATTY	7	1024; 2921; 3745; 3817; 4737; 4841; 4852
XbaI	T!CTAGA	2	1304; 4577
XceI	RCATG!Y	6	3896; 4342; 5493; 5565; 6328; 7845
XcmI	CCANNNNN!NNNNTGG	5	2042; 2426; 2768; 2990; 3668
XhoI	C!TCGAG	2	916; 1981
XhoII	R!GATCY	20	585; 661; 1507; 1635; 1793; 1943; 2222; 2348; 2890; 2930; 3073; 3848; 4404; 6094; 6340; 6732; 7091; 7103; 7189; 7200
XmaI	C!CCGGG	1	3844
XmaJI	C!CTAGG	3	3222; 5745; 6760
XmiI	GT!MKAC	2	3828; 4444
XmnI	GAANN!NNTTC	2	2584; 3026
XspI	C!TAG	12	592; 1305; 1465; 1587; 3223; 4578; 4772; 5190; 5746; 6761; 7095; 7348
ZraI	GAC!GTC	4	123; 176; 259; 445

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
ZrmI	AGT!ACT	0	
Zsp2I	ATGCA!T	3	5495; 5567; 7898