

## pFusionRed-actinin vector

### Table of restriction sites

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AanI	TTA!TAA	2	4209; 4414
AarI	CACCTGCNNNN!	1	2654
AarI	!NNNNNNNNGCAGGTG	1	1743
AasI	GACNNNN!NNGTC	4	1359; 4497; 5453; 7242
AatI	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3796; 5247
AatII	GACGT!C	4	125; 178; 261; 447
AbsI	CC!TCGAGG	0	
AccI	GT!MKAC	2	3331; 3947
AccII	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4075; 4350; 4726; 4746; 4770; 4801; 5492; 5793; 6231; 6315; 6378; 6447; 6720; 7301
AccIII	T!CCGGA	2	770; 1793
Acc16I	TGC!GCA	1	5528
Acc36I	ACCTGCNNNN!	5	710; 2237; 2654; 5694; 6144
Acc36I	!NNNNNNNNGCAGGT	2	1743; 5313
Acc65I	G!GTACC	1	3336
AccB1I	G!GYRCC	11	465; 1536; 1595; 2398; 2466; 3336; 3421; 3481; 4579; 5425; 5460
AccB7I	CCANNNN!NTGG	2	3123; 3966
AccBSI	CCG!CTC	2	4850; 6039
AccBSI	GAG!CGG	4	2130; 4069; 4686; 6093
AceIII	CAGCTCNNNNNNN!	3	2647; 2725; 4382
AceIII	!NNNNNNNNNNNGAGCTG	5	552; 1189; 2011; 3163; 3367
AcI	C!CGC	45	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 1506; 1509; 1609; 1907; 2000; 3015; 3042; 3087; 3183; 3340; 3680; 3818; 3920; 4073; 4741; 4744; 4758; 4848; 5096; 5108; 5117; 5129; 5139; 5150; 5196; 5335; 5398; 5900; 5945; 6011; 6037; 6162; 6165; 6313; 6445; 6752; 6896; 7392
AcI	G!CGG	38	370; 403; 528; 778; 1224; 1399; 1671; 2130; 2184; 2395; 2457; 2649; 3222; 3342; 3515; 3827; 3869; 4069; 4686; 4713; 4801; 4911; 5492; 5556; 5657; 5660; 5940; 5995; 6093; 6231; 6378; 6518; 6761; 7006; 7127; 7146; 7273; 7301
AcII	AA!CGTT	0	
AcIWI	GGATCNNNN!	12	1510; 2578; 2608; 2924; 3359; 5294; 5605; 5851; 6243; 6602; 6700; 6786
AcIWI	!NNNNNGATCC	15	580; 1176; 1228; 1497; 1785; 2259; 2565; 2832; 3132; 3346; 3902; 5670; 6214; 6601; 6698
AcoI	Y!GGCCR	10	866; 1433; 1481; 2333; 4025; 4070; 5332; 5506; 5897; 5924
AcsI	R!AATY	5	3007; 3320; 4240; 4344; 4355
AcuI	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNN!	4	844; 3877; 5572; 6004
AcuI	!NNNNNNNNNNNNNCTTCAG	2	1052; 6802
AcvI	CAC!GTG	1	2454
AcyI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3944; 5426; 6128; 6207
AdeI	CACNNN!GTG	3	2047; 4017; 4542
AfaI	GT!AC	15	219; 244; 299; 332; 383; 540; 1279; 2167; 3211; 3295; 3338; 3412; 3562; 3814; 5732
AfeI	AGC!GCT	1	596
AfiI	CCNNNNN!NNGG	39	49; 708; 720; 770; 880; 1079; 1398; 1524; 1670; 1705; 1752; 1800; 1839; 2355; 2810; 2847; 3048; 3123; 3147; 3238; 3478; 3757; 3823; 3966; 4438; 4764; 5156; 5407; 5951; 6232; 6264; 6396; 6431; 6481; 6513; 6866; 7145; 7311; 7329
AfIII	C!TTAAG	1	4308
AfIII	A!CRYGT	3	1358; 3272; 7344
AgeI	A!CCGGT	1	3357
AgsI	TTS!AA	12	1650; 2199; 2298; 2901; 2949; 3135; 3444; 4837; 4881; 4891; 5304; 6880
AhdI	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
AhII	A!CTAGT	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
AjiI	CAC!GTC	1	2385
AjiI	GAC!GTG	1	1266
Ajnl	!CCWGG	43	88; 281; 707; 718; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2867; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3542; 3686; 3701; 3830; 4960; 5015; 5032; 5811; 6390; 6493; 7183; 7196; 7317
AjuI	GAANNNNNNNTTGGNNNNNNNNNN!	1	1333
AjuI	!NNNNNNCCAANNNNNNNTTC	0	
AjuI	CCAANNNNNNNTTCNNNNNNNNNN!	0	
AjuI	!NNNNNNNGAANNNNNNNTTGG	1	1301
AleI	CACN!NNGTG	2	2774; 3370
AlfI	GCANNNNNTGCNNNNNNNNNN!	2	5000; 5072
AlfI	!NNNNNNNNNGCANNNNNTGC	2	4966; 5038
AloI	GAACNNNNNTCCNNNNNNNNNN!	1	4508
AloI	!NNNNNNNGGANNNNNNGTTC	0	
AloI	GGANNNNNGTTCNNNNNNNNNN!	0	
AloI	!NNNNNNNGAACNNNNNTCC	1	4476
AluI	AG!CT	42	566; 618; 624; 828; 1151; 1203; 1221; 1367; 1458; 1479; 1572; 1635; 1668; 2016; 2025; 2122; 2163; 2463; 2485; 2637; 2697; 2715; 2793; 2966; 3177; 3189; 3315; 3381; 3408; 3554; 3861; 4205; 4372; 4629; 4924; 5212; 5532; 5990; 6787; 7044; 7090; 7180
AluBI	AG!CT	42	566; 618; 624; 828; 1151; 1203; 1221; 1367; 1458; 1479; 1572; 1635; 1668; 2016; 2025; 2122; 2163; 2463; 2485; 2637; 2697; 2715; 2793; 2966; 3177; 3189; 3315; 3381; 3408; 3554; 3861; 4205; 4372; 4629; 4924; 5212; 5532; 5990; 6787; 7044; 7090; 7180
AlwI	GGATCNNNN!	12	1510; 2578; 2608; 2924; 3359; 5294; 5605; 5851; 6243; 6602; 6700; 6786
AlwI	!NNNNNGATCC	15	580; 1176; 1228; 1497; 1785; 2259; 2565; 2832; 3132; 3346; 3902; 5670; 6214; 6601; 6698
Alw21I	GWGCW!C	10	620; 899; 2018; 2252; 2771; 3264; 3451; 5539; 5729; 7034
Alw26I	GTCTCN!	2	434; 1722
Alw26I	!NNNNNGAGAC	12	1057; 1396; 1897; 2143; 3085; 3799; 3889; 3988; 4850; 5268; 6287; 6415
Alw44I	G!TGCAC	4	895; 2248; 3447; 7030
AlwNI	CAGNNN!CTG	5	1572; 2274; 2841; 6527; 6935
Ama87I	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
Aor13HI	T!CCGGA	2	770; 1793
Aor51HI	AGC!GCT	1	596
ApaI	GGGCC!C	3	2100; 2567; 3348
ApaBI	GCANNNNN!TGC	6	1561; 2467; 3011; 4994; 5066; 6528
ApaLI	G!TGCAC	4	895; 2248; 3447; 7030
ApeKI	G!CWGC	36	675; 729; 834; 837; 1083; 1221; 1408; 1455; 1656; 1668; 1742; 1884; 1969; 2188; 2460; 2511; 2790; 2793; 3177; 3189; 3566; 3710; 4008; 4202; 4721; 5386; 5487; 5529; 5570; 5663; 6050; 6503; 6729; 6935; 6938; 7003
ApoI	R!AATTY	5	3007; 3320; 4240; 4344; 4355
ApyPI	ATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	5941
ApyPI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGAT	3	5735; 6388; 7226
AquII	GCCGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1534; 5825
AquII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTNCGGC	3	2436; 3275; 3542
AquIII	GAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	1796; 2285; 2519; 2612; 2966; 5254
AquIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTC	0	
AquIV	GRGGAAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
AquIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCYC	1	5996
ArsI	GACNNNNNTTYGNNNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNCRAANNNNNGTC	0	
ArsI	CRAANNNNNGTCNNNNNNNNNNNN!	0	
ArsI	!NNNNNNNGACNNNNNTTYG	0	
AscI	GG!CGGCC	0	
AseI	AT!TAAT	1	7

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Asi256I	G!ATC	42	586; 610; 789; 903; 1014; 1182; 1234; 1489; 1503; 1641; 1791; 1923; 2070; 2265; 2433; 2571; 2592; 2601; 2692; 2838; 2917; 3138; 3352; 3882; 3908; 4084; 5264; 5268; 5287; 5598; 5676; 5757; 5766; 5844; 6220; 6236; 6595; 6607; 6685; 6693; 6704; 6779
AsiGI	A!CCGGT	1	3357
AsiSI	GCGAT!CGC	0	
AspI	GACN!NNGTC	2	3118; 5544
Asp700I	GAANN!NNTTC	1	2884
Asp718I	G!GTACC	1	3336
AspA2I	C!CTAGG	2	5248; 6263
AspEI	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
AspLEI	GCG!C	30	597; 1034; 1598; 2330; 2730; 3182; 3222; 3291; 3841; 4048; 4692; 4700; 4726; 4748; 4757; 4770; 4801; 5420; 5428; 5492; 5529; 5795; 6055; 6231; 6317; 6720; 6829; 7003; 7103; 7170
AspS9I	G!GNCC	38	83; 276; 639; 693; 699; 711; 921; 1019; 1196; 1812; 1980; 2097; 2132; 2216; 2226; 2448; 2478; 2564; 2621; 2631; 2813; 2891; 2935; 3033; 3228; 3241; 3345; 3517; 3760; 3852; 3873; 3957; 4533; 5942; 6387; 6433; 6491; 6524
AssI	AGT!ACT	1	3211
AsuII	TT!CGAA	2	3318; 6108
AsuC2I	CC!SGG	15	697; 715; 814; 1534; 1585; 2848; 2890; 2914; 3349; 3593; 3941; 5430; 5590; 6203; 6967
AsuHPI	GGTGANNNNNNNN!	7	376; 868; 3384; 3753; 4063; 6497; 6613
AsuHPI	!NNNNNNNTCACC	5	2033; 2790; 3642; 4543; 5604
AsuNHI	G!CTAGC	1	591
AvaI	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
AvaII	G!GWCC	19	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 3957; 5942; 6387
AviII	TGC!GCA	1	5528
AvrII	C!CTAGG	2	5248; 6263
AxyI	CC!TNAGG	4	2426; 3626; 4906; 6538
BaeI	ACNNNGTAYCNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNGRTACNNNNGT	0	
BaeI	GRTACNNNGTNNNNNNNNNNNN!	0	
BaeI	!NNNNNNNNNNACNNNNGTAYC	0	
BaeGI	GKGC!C	13	899; 1541; 2100; 2252; 2401; 2567; 3348; 3424; 3451; 3484; 5372; 5465; 7034
BalI	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4027; 5508
BamHI	G!GATCC	3	1502; 2570; 3351
BanI	G!GYRCC	11	465; 1536; 1595; 2398; 2466; 3336; 3421; 3481; 4579; 5425; 5460
BanII	GRGCY!C	10	620; 1392; 2018; 2100; 2547; 2567; 3348; 4617; 5791; 6501
BanIII	AT!CGAT	1	5266
BarI	GAAGNNNNNTACNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGTANNNNNNCTTC	0	
BarI	GTANNNNNNCTTCNNNNNNNNNN!	0	
BarI	!NNNNNNNGAAGNNNNNNNTAC	0	
BasI	CCANNN!NTGG	2	3123; 3966
BauI	C!ACGAG	4	1852; 4012; 6144; 7171
BauI	C!TCGTG	2	3862; 6018
BbeI	GGCGC!C	2	1599; 5429
Bbr7I	GAAGACNNNNNN!	3	1321; 1477; 3673
Bbr7I	!NNNNNNNNNNNGTCTTC	0	
BbrPI	CAC!GTG	1	2454
BbsI	GAAGACNN!	3	1316; 1472; 3668
BbsI	!NNNNNNGTCTTC	0	
BbuI	GCATG!C	5	1558; 2503; 4996; 5068; 5831
BbvI	GCAGCNNNNNNNN!	15	687; 741; 1420; 1467; 2472; 2523; 2802; 3578; 4020; 4214; 5499; 5541; 6062; 6515; 7015
BbvI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	821; 1070; 1208; 1643; 1729; 1871; 1956; 2175; 2780; 3164; 3697; 4708; 5373; 5557; 5650; 6716; 6922
Bbv12I	GWGCW!C	10	620; 899; 2018; 2252; 2771; 3264; 3451; 5539; 5729; 7034
BbvCI	CC!TCAGC	0	
BbvCI	GC!TGAGG	0	
BccI	CCATCNNNN!	15	640; 970; 1030; 1048; 1354; 1855; 2011; 2344; 2425; 2812; 2824; 4556; 5120; 5646; 6148

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BccI	!NNNNNGATGG	11	811; 979; 1153; 1707; 2202; 2577; 3219; 4048; 4524; 5304; 5732
BceAI	ACGGCNNNNNNNNNN!	10	764; 1271; 1884; 3302; 3579; 3723; 3774; 3840; 5852; 6339
BceAI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	1420; 4567; 5385; 6844
BceFI	ACGGCNNNNNNNNNN!	10	764; 1271; 1884; 3302; 3579; 3723; 3774; 3840; 5852; 6339
BceFI	!NNNNNNNNNNNGCCGT	4	1421; 4568; 5386; 6845
BcgI	CGANNNNNNTGCNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNGCANNNNNNNTCG	0	
BcgI	GCANNNNNNTCGNNNNNNNNNN!	0	
BcgI	!NNNNNNNNNCCGANNNNNNNTGC	0	
BciVI	GTATCCNNNNNN!	3	4855; 5645; 7146
BciVI	!NNNNNGGATAC	0	
BclI	T!GATCA	1	2691
BcnI	CC!SGG	15	697; 715; 814; 1534; 1585; 2848; 2890; 2914; 3349; 3593; 3941; 5430; 5590; 6203; 6967
BcuI	A!CTAGT	0	
BdaI	TGANNNNNNTCANNNNNNNNNN!	2	2933; 7279
BdaI	!NNNNNNNNNTGANNNNNNTCA	2	2899; 7245
BfaI	C!TAG	9	592; 1364; 4081; 4275; 4693; 5249; 6264; 6598; 6851
BfiI	ACTGGGNNNNN!	3	699; 2941; 5375
BfiI	!NNNCCCAGT	3	289; 2039; 5127
BfmI	C!TRYAG	6	1657; 2230; 3325; 4761; 6888; 7079
BfoI	RGCGC!Y	10	598; 1599; 2331; 2731; 3292; 4049; 4693; 4701; 5429; 7104
BfrI	C!TTAAG	1	4308
BfuI	GTATCCNNNNNN!	3	4855; 5645; 7146
BfuI	!NNNNNGGATAC	0	
BfuAI	ACCTGCNNNN!	5	710; 2237; 2654; 5694; 6144
BfuAI	!NNNNNNNNNGCAGGT	2	1743; 5313
BfuCI	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
BglI	GCCNNNN!NGGC	7	90; 212; 283; 1396; 2185; 3836; 5201
BglII	A!GATCT	3	609; 902; 2069
BisI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3516; 3567; 3711; 3828; 4009; 4073; 4203; 4722; 4744; 4758; 5196; 5335; 5387; 5398; 5488; 5493; 5530; 5571; 5658; 5664; 5900; 5996; 6037; 6051; 6165; 6504; 6519; 6730; 6936; 6939; 7004; 7147; 7302
BlnI	C!CTAGG	2	5248; 6263
BlpI	GC!TNAGC	2	1675; 2638
BlsI	GCN!GC	59	677; 731; 836; 839; 1085; 1223; 1410; 1457; 1510; 1610; 1658; 1670; 1673; 1744; 1886; 1971; 2001; 2190; 2462; 2513; 2651; 2792; 2795; 3179; 3184; 3191; 3517; 3568; 3712; 3829; 4010; 4074; 4204; 4723; 4745; 4759; 5197; 5336; 5388; 5399; 5489; 5494; 5531; 5572; 5659; 5665; 5901; 5997; 6038; 6052; 6166; 6505; 6520; 6731; 6937; 6940; 7005; 7148; 7303
BmcAI	AGT!ACT	1	3211
Bme18I	G!GWCC	19	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 3957; 5942; 6387
Bme1390I	CC!NGG	58	90; 283; 697; 709; 715; 720; 814; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1534; 1585; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2848; 2869; 2890; 2914; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3349; 3544; 3593; 3688; 3703; 3832; 3941; 4962; 5017; 5034; 5430; 5590; 5813; 6203; 6392; 6495; 6967; 7185; 7198; 7319
BmeRI	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
BmeT110I	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
BmgBI	CAC!GTC	1	2385
BmgBI	GAC!GTG	1	1266
BmgT120I	GG!NCC	38	84; 277; 640; 694; 700; 712; 922; 1020; 1197; 1813; 1981; 2098; 2133; 2217; 2227; 2449; 2479; 2565; 2622; 2632; 2814; 2892; 2936; 3034; 3229; 3242; 3346; 3518; 3761; 3853; 3874; 3958; 4534; 5943; 6388; 6434; 6492; 6525

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BmiI	GGN!NCC	45	467; 694; 700; 713; 969; 1389; 1504; 1538; 1597; 2097; 2098; 2217; 2400; 2449; 2468; 2479; 2544; 2565; 2572; 2622; 2623; 2936; 2937; 3035; 3230; 3243; 3338; 3346; 3353; 3423; 3483; 3874; 4581; 4602; 4614; 4805; 4966; 5038; 5427; 5462; 6310; 6389; 6434; 7277; 7316
BmrI	ACTGGGNNNNN!	3	699; 2941; 5375
BmrI	!NNNNCCCACT	3	289; 2039; 5127
BmrFI	CC!NGG	58	90; 283; 697; 709; 715; 720; 814; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1534; 1585; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2848; 2869; 2890; 2914; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3349; 3544; 3593; 3688; 3703; 3832; 3941; 4962; 5017; 5034; 5430; 5590; 5813; 6203; 6392; 6495; 6967; 7185; 7198; 7319
BmsI	GCATCNNNNN!	13	1427; 2354; 2675; 2870; 3026; 3224; 3605; 4242; 5005; 5077; 5725; 5789; 6064
BmsI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 1286; 2304; 2603; 2841; 3758; 3926; 5384; 5639; 5855; 7247
BmtI	GCTAG!C	1	595
BmuI	ACTGGGNNNNN!	3	699; 2941; 5375
BmuI	!NNNNCCCACT	3	289; 2039; 5127
BoxI	GACNN!NNGTC	1	4000
BpiI	GAAGACNN!	3	1316; 1472; 3668
BpiI	!NNNNNNGTCTTC	0	
BpI	GAGNNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	3	867; 5215; 6114
BpI	!NNNNNNNNGAGNNNNNCTC	3	835; 5183; 6082
BpmI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	11	862; 1406; 1546; 1594; 1657; 1768; 1822; 2146; 2647; 2719; 6266
BpmI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	2	3685; 6209
Bpu10I	CC!TNAGC	0	
Bpu10I	GC!TNAGG	0	
Bpu14I	TT!CGAA	2	3318; 6108
Bpu1102I	GC!TNAGC	2	1675; 2638
BpuAI	GAAGACNN!	3	1316; 1472; 3668
BpuAI	!NNNNNNGTCTTC	0	
BpuEI	CTTGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	3913; 6720; 7259
BpuEI	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTCAAG	6	604; 1921; 3295; 3916; 5802; 6961
BpuMI	CC!SGG	15	697; 715; 814; 1534; 1585; 2848; 2890; 2914; 3349; 3593; 3941; 5430; 5590; 6203; 6967
BpvUI	CGAT!CG	0	
BsaI	GGTCTCN!	1	1722
BsaI	!NNNNNGAGACC	5	1897; 2143; 3889; 3988; 6415
Bsa29I	AT!CGAT	1	5266
BsaAI	YAC!GTR	5	340; 1359; 2454; 4542; 5730
BsaBI	GATNN!NNATC	2	4088; 5285
BsaHI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3944; 5426; 6128; 6207
BsaJI	C!CNNGG	42	360; 719; 923; 1005; 1055; 1073; 1164; 1519; 1613; 1736; 2219; 2268; 2340; 2470; 2546; 2566; 2624; 2762; 2846; 2855; 2939; 2994; 3045; 3167; 3284; 3340; 3347; 3368; 3455; 3686; 4960; 5032; 5155; 5190; 5199; 5248; 5589; 5858; 6263; 6391; 6494; 7184
BsaMI	GAATGCN!	1	4177
BsaMI	G!CATTC	1	4270
BsaWI	W!CCGGW	9	600; 770; 1332; 1793; 3357; 5457; 6301; 6991; 7138
BsaXI	ACNNNNNCTCCNNNNNNNNNN!	2	919; 4506
BsaXI	!NNNNNNNGGAGNNNNNGT	0	
BsaXI	GGAGNNNNNGTNNNNNNNNNNNN!	0	
BsaXI	!NNNNNNNNNACNNNNNCTCC	2	889; 4476
BsbI	CAACACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	1676
BsbI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTGTG	3	1409; 4427; 6334
Bsc4I	CCNNNNN!NNGG	39	49; 708; 720; 770; 880; 1079; 1398; 1524; 1670; 1705; 1752; 1800; 1839; 2355; 2810; 2847; 3048; 3123; 3147; 3238; 3478; 3757; 3823; 3966; 4438; 4764; 5156; 5407; 5951; 6232; 6264; 6396; 6431; 6481; 6513; 6866; 7145; 7311; 7329
BscAI	GCATCNNNN!	13	1426; 2353; 2674; 2869; 3025; 3223; 3604; 4241; 5004; 5076; 5724; 5788; 6063
BscAI	!NNNNNNGATGC	11	360; 1289; 2307; 2606; 2844; 3761; 3929; 5387; 5642; 5858; 7250

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BseI	ACTGGN!	10	694; 959; 1814; 2209; 2936; 3971; 4044; 5370; 5571; 6817
BseI	C!CAGT	8	295; 1484; 2045; 2079; 4455; 5133; 6929; 6942
Bse8I	GATNN!NNATC	2	4088; 5285
Bse2II	CC!TNAGG	4	2426; 3626; 4906; 6538
Bse118I	R!CCGGY	9	1193; 1592; 1682; 3238; 3357; 4643; 5745; 5926; 6209
BseAI	T!CCGGA	2	770; 1793
BseBI	CC!WGG	43	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3544; 3688; 3703; 3832; 4962; 5017; 5034; 5813; 6392; 6495; 7185; 7198; 7319
BseCI	AT!CGAT	1	5266
BseDI	C!CNNGG	42	360; 719; 923; 1005; 1055; 1073; 1164; 1519; 1613; 1736; 2219; 2268; 2340; 2470; 2546; 2566; 2624; 2762; 2846; 2855; 2939; 2994; 3045; 3167; 3284; 3340; 3347; 3368; 3455; 3686; 4960; 5032; 5155; 5190; 5199; 5248; 5589; 5858; 6263; 6391; 6494; 7184
Bse3DI	GCAATGNN!	1	5659
Bse3DI	!CATTGC	0	
BseGI	GGATGNN!	14	822; 990; 1164; 1236; 1308; 1341; 1718; 2213; 2856; 3230; 5286; 5743; 5768; 6222
BseGI	!CATCC	13	1025; 1040; 1130; 1286; 1847; 2336; 2345; 2717; 2771; 3451; 3539; 3596; 5112
BseJI	GATNN!NNATC	2	4088; 5285
BseLI	CCNNNNN!NNGG	39	49; 708; 720; 770; 880; 1079; 1398; 1524; 1670; 1705; 1752; 1800; 1839; 2355; 2810; 2847; 3048; 3123; 3147; 3238; 3478; 3757; 3823; 3966; 4438; 4764; 5156; 5407; 5951; 6232; 6264; 6396; 6431; 6481; 6513; 6866; 7145; 7311; 7329
BseMI	GCAATGNN!	1	5659
BseMI	!CATTGC	0	
BseMII	CTCAGNNNNNNNNN!	8	620; 667; 866; 1689; 2119; 2440; 2652; 6552
BseMII	!NNNNNNNNCTGAG	8	1694; 3197; 3617; 4897; 5199; 6080; 6652; 7061
BseNI	ACTGGN!	10	694; 959; 1814; 2209; 2936; 3971; 4044; 5370; 5571; 6817
BseNI	C!CAGT	8	295; 1484; 2045; 2079; 4455; 5133; 6929; 6942
BsePI	G!CGCGC	0	
BseRI	GAGGAGNNNNNNNNN!	6	1786; 2275; 2509; 2602; 2956; 5244
BseRI	!NNNNNNNNCTCCTC	0	
BseSI	GKGCMI C	13	899; 1541; 2100; 2252; 2401; 2567; 3348; 3424; 3451; 3484; 5372; 5465; 7034
BseXI	GCAGNNNNNNNN!	15	687; 741; 1420; 1467; 2472; 2523; 2802; 3578; 4020; 4214; 5499; 5541; 6062; 6515; 7015
BseXI	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	821; 1070; 1208; 1643; 1729; 1871; 1956; 2175; 2780; 3164; 3697; 4708; 5373; 5557; 5650; 6716; 6922
BseX3I	C!GGCCG	2	4070; 5332
BseYI	C!CCAGC	4	3750; 4969; 5041; 7040
BseYI	G!CTGGG	4	2783; 3145; 3788; 5930
BsgI	GTGCAGNNNNNNNNNNNNN!	1	1639
BsgI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGCAC	2	1585; 2174
Bsh1236I	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4075; 4350; 4726; 4746; 4770; 4801; 5492; 5793; 6231; 6315; 6378; 6447; 6720; 7301
Bsh1285I	CGRY!CG	5	1333; 3362; 4073; 5335; 7010
BshFI	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3518; 3761; 3796; 3830; 3853; 3875; 3985; 4027; 4072; 4392; 4534; 5189; 5195; 5204; 5247; 5334; 5508; 5899; 5926; 6435; 6492; 6525; 6870; 7304; 7322; 7333
BshNI	G!GYRCC	11	465; 1536; 1595; 2398; 2466; 3336; 3421; 3481; 4579; 5425; 5460
BshTI	A!CCGGT	1	3357
BshVI	AT!CGAT	1	5266
BsiEI	CGRY!CG	5	1333; 3362; 4073; 5335; 7010
BsiHKAI	GWGCW!C	10	620; 899; 2018; 2252; 2771; 3264; 3451; 5539; 5729; 7034
BsiHKCI	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
BsiSI	C!CGG	38	601; 696; 715; 771; 813; 1194; 1333; 1533; 1584; 1593; 1683; 1794; 1833; 2847; 2889; 2913; 2924; 3239; 3348; 3358; 3592; 3941; 4644; 5331; 5408; 5430; 5458; 5589; 5679; 5746; 5927; 6202; 6210; 6302; 6776; 6966; 6992; 7139

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BsiWI	C!GTACG	0	
BsII	CCNNNNN!NNGG	39	49; 708; 720; 770; 880; 1079; 1398; 1524; 1670; 1705; 1752; 1800; 1839; 2355; 2810; 2847; 3048; 3123; 3147; 3238; 3478; 3757; 3823; 3966; 4438; 4764; 5156; 5407; 5951; 6232; 6264; 6396; 6431; 6481; 6513; 6866; 7145; 7311; 7329
BsIFI	GGGACNNNNNNNNNN!	15	175; 326; 494; 706; 795; 1600; 2098; 2285; 2461; 2491; 2634; 3163; 5577; 6109; 6218
BsIFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	6	2921; 3069; 4942; 5014; 5078; 6373
BsmI	GAATGCN!	1	4177
BsmI	G!CATTC	1	4270
BsmAI	GTCTCN!	2	434; 1722
BsmAI	!NNNNNGAGAC	12	1057; 1396; 1897; 2143; 3085; 3799; 3889; 3988; 4850; 5268; 6287; 6415
BsmBI	CGTCTCN!	0	
BsmBI	!NNNNNGAGACG	1	3799
BsmFI	GGGACNNNNNNNNNN!	15	175; 326; 494; 706; 795; 1600; 2098; 2285; 2461; 2491; 2634; 3163; 5577; 6109; 6218
BsmFI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	6	2921; 3069; 4942; 5014; 5078; 6373
BsnI	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3518; 3761; 3796; 3830; 3853; 3875; 3985; 4027; 4072; 4392; 4534; 5189; 5195; 5204; 5247; 5334; 5508; 5899; 5926; 6435; 6492; 6525; 6870; 7304; 7322; 7333
Bso31I	GGTCTCN!	1	1722
Bso31I	!NNNNNGAGACC	5	1897; 2143; 3889; 3988; 6415
BsoBI	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
Bsp13I	T!CCGGA	2	770; 1793
Bsp19I	C!CATGG	7	360; 2219; 2762; 3167; 3368; 5155; 5858
Bsp24I	GACNNNNNNTGGNNNNNNNNNN!	3	289; 735; 6229
Bsp24I	!NNNNNNNCCANNNNNNGTC	2	6650; 6828
Bsp24I	CCANNNNNNGTCNNNNNNNNNN!	2	6682; 6860
Bsp24I	!NNNNNNNGACNNNNNNTGG	3	257; 703; 6197
Bsp68I	TCG!CGA	0	
Bsp119I	TT!CGAA	2	3318; 6108
Bsp120I	G!GGCCC	3	2096; 2563; 3344
Bsp143I	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
Bsp1286I	GDGCH!C	24	620; 899; 1392; 1541; 2018; 2100; 2252; 2401; 2547; 2567; 2771; 3264; 3348; 3424; 3451; 3484; 4617; 5372; 5465; 5539; 5729; 5791; 6501; 7034
Bsp1407I	T!GTACA	1	3410
Bsp1720I	GC!TNAGC	2	1675; 2638
BspACI	C!CGC	45	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 1506; 1509; 1609; 1907; 2000; 3015; 3042; 3087; 3183; 3340; 3680; 3818; 3920; 4073; 4741; 4744; 4758; 4848; 5096; 5108; 5117; 5129; 5139; 5150; 5196; 5335; 5398; 5900; 5945; 6011; 6037; 6162; 6165; 6313; 6445; 6752; 6896; 7392
BspACI	G!CGG	38	370; 403; 528; 778; 1224; 1399; 1671; 2130; 2184; 2395; 2457; 2649; 3222; 3342; 3515; 3827; 3869; 4069; 4686; 4713; 4801; 4911; 5492; 5556; 5657; 5660; 5940; 5995; 6093; 6231; 6378; 6518; 6761; 7006; 7127; 7146; 7273; 7301
BspCNI	CTCAGNNNNNNNN!	8	619; 666; 865; 1688; 2118; 2439; 2651; 6551
BspCNI	!NNNNNNNCTGAG	8	1695; 3198; 3618; 4898; 5200; 6081; 6653; 7062
BspDI	AT!CGAT	1	5266
BspD6I	GACTCNNNN!	8	418; 612; 2046; 3255; 4085; 4499; 6105; 6982
BspD6I	!NNNNNGAGTC	3	3640; 4462; 4894
BspEI	T!CCGGA	2	770; 1793
BspFNI	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4075; 4350; 4726; 4746; 4770; 4801; 5492; 5793; 6231; 6315; 6378; 6447; 6720; 7301
BspHI	T!CATGA	4	1349; 3020; 4852; 6624

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
BspLI	GGN!NCC	45	467; 694; 700; 713; 969; 1389; 1504; 1538; 1597; 2097; 2098; 2217; 2400; 2449; 2468; 2479; 2544; 2565; 2572; 2622; 2623; 2936; 2937; 3035; 3230; 3243; 3338; 3346; 3353; 3423; 3483; 3874; 4581; 4602; 4614; 4805; 4966; 5038; 5427; 5462; 6310; 6389; 6434; 7277; 7316
BspMI	ACCTGCNNNN!	5	710; 2237; 2654; 5694; 6144
BspMI	!NNNNNNNNGCAGGT	2	1743; 5313
BspOI	GCTAG!C	1	595
BspPI	GGATCNNNN!	12	1510; 2578; 2608; 2924; 3359; 5294; 5605; 5851; 6243; 6602; 6700; 6786
BspPI	!NNNNNGATCC	15	580; 1176; 1228; 1497; 1785; 2259; 2565; 2832; 3132; 3346; 3902; 5670; 6214; 6601; 6698
BspQI	GCTCTCN!	0	
BspQI	!NNNNGAAGAGC	3	2656; 5770; 5980
BspTI	C!TTAAG	1	4308
BspT104I	TT!CGAA	2	3318; 6108
BspT107I	G!GYRCC	11	465; 1536; 1595; 2398; 2466; 3336; 3421; 3481; 4579; 5425; 5460
BspTNI	GGTCTCN!	1	1722
BspTNI	!NNNNNGAGACC	5	1897; 2143; 3889; 3988; 6415
BsrI	ACTGGN!	10	694; 959; 1814; 2209; 2936; 3971; 4044; 5370; 5571; 6817
BsrI	C!CAGT	8	295; 1484; 2045; 2079; 4455; 5133; 6929; 6942
BsrBI	CCG!CTC	2	4850; 6039
BsrBI	GAG!CGG	4	2130; 4069; 4686; 6093
BsrDI	GCAATGNN!	1	5659
BsrDI	!CATTGC	0	
BsrFI	R!CCGGY	9	1193; 1592; 1682; 3238; 3357; 4643; 5745; 5926; 6209
BsrGI	T!GTACA	1	3410
BsrSI	ACTGGN!	10	694; 959; 1814; 2209; 2936; 3971; 4044; 5370; 5571; 6817
BsrSI	C!CAGT	8	295; 1484; 2045; 2079; 4455; 5133; 6929; 6942
BssAI	R!CCGGY	9	1193; 1592; 1682; 3238; 3357; 4643; 5745; 5926; 6209
BssECI	C!CNNGG	42	360; 719; 923; 1005; 1055; 1073; 1164; 1519; 1613; 1736; 2219; 2268; 2340; 2470; 2546; 2566; 2624; 2762; 2846; 2855; 2939; 2994; 3045; 3167; 3284; 3340; 3347; 3368; 3455; 3686; 4960; 5032; 5155; 5190; 5199; 5248; 5589; 5858; 6263; 6391; 6494; 7184
BssHII	G!CGCGC	0	
BssKI	!CCNGG	58	88; 281; 695; 707; 713; 718; 812; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1532; 1583; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2846; 2867; 2888; 2912; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3347; 3542; 3591; 3686; 3701; 3830; 3939; 4960; 5015; 5032; 5428; 5588; 5811; 6201; 6390; 6493; 6965; 7183; 7196; 7317
BssMI	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
BssNI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3944; 5426; 6128; 6207
BssNAI	GTA!TAC	0	
BssSI	C!ACGAG	4	1852; 4012; 6144; 7171
BssSI	C!TCGTG	2	3862; 6018
BssTII	C!CWGGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5155; 5248; 5858; 6263
Bst6I	CTCTCN!	0	
Bst6I	!NNNNGAAGAG	7	677; 797; 1055; 2656; 4893; 5770; 5980
Bst98I	C!TTAAG	1	4308
Bst1107I	GTA!TAC	0	
BstACI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3944; 5426; 6128; 6207
BstAFI	C!TTAAG	1	4308
BstAPI	GCANNNN!NTGC	6	1560; 2466; 3010; 4993; 5065; 6527
BstAUI	T!GTACA	1	3410
BstBI	TT!CGAA	2	3318; 6108
Bst2BI	C!ACGAG	4	1852; 4012; 6144; 7171
Bst2BI	C!TCGTG	2	3862; 6018
BstBAI	YAC!GTR	5	340; 1359; 2454; 4542; 5730



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Bst4CI	ACN!GT	16	76; 198; 269; 543; 581; 1984; 3336; 3426; 4517; 5806; 5922; 6030; 6353; 6844; 7314; 7385
BstC8I	GCN!NGC	44	86; 279; 593; 939; 1481; 1556; 1600; 1633; 1688; 2186; 2397; 2501; 2533; 2955; 3015; 3187; 3344; 3379; 3469; 3673; 4645; 4688; 4702; 4975; 4994; 5047; 5066; 5320; 5506; 5725; 5791; 5797; 5829; 5870; 5874; 5928; 6211; 6398; 6445; 6501; 6523; 6734; 7294; 7331
BstDEI	C!TNAG	16	606; 653; 852; 1675; 1703; 2105; 2426; 2638; 3206; 3626; 4906; 5208; 6089; 6538; 6661; 7070
BstDSI	C!CRYGG	11	360; 1055; 1519; 2219; 2762; 3167; 3284; 3340; 3368; 5155; 5858
BstEII	G!GTNACC	0	
BstENI	CCTNN!NNNAGG	2	772; 1750
BstF5I	GGATGNN!	14	822; 990; 1164; 1236; 1308; 1341; 1718; 2213; 2856; 3230; 5286; 5743; 5768; 6222
BstF5I	!CATCC	13	1025; 1040; 1130; 1286; 1847; 2336; 2345; 2717; 2771; 3451; 3539; 3596; 5112
BstFNI	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4075; 4350; 4726; 4746; 4770; 4801; 5492; 5793; 6231; 6315; 6378; 6447; 6720; 7301
BstH2I	RGCGC!Y	10	598; 1599; 2331; 2731; 3292; 4049; 4693; 4701; 5429; 7104
BstHHI	GCG!C	30	597; 1034; 1598; 2330; 2730; 3182; 3222; 3291; 3841; 4048; 4692; 4700; 4726; 4748; 4757; 4770; 4801; 5420; 5428; 5492; 5529; 5795; 6055; 6231; 6317; 6720; 6829; 7003; 7103; 7170
BstKTI	GAT!C	42	588; 612; 791; 905; 1016; 1184; 1236; 1491; 1505; 1643; 1793; 1925; 2072; 2267; 2435; 2573; 2594; 2603; 2694; 2840; 2919; 3140; 3354; 3884; 3910; 4086; 5266; 5270; 5289; 5600; 5678; 5759; 5768; 5846; 6222; 6238; 6597; 6609; 6687; 6695; 6706; 6781
BstMAI	GTCTCN!	2	434; 1722
BstMAI	!NNNNNGAGAC	12	1057; 1396; 1897; 2143; 3085; 3799; 3889; 3988; 4850; 5268; 6287; 6415
BstMBI	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
BstMCI	CGRY!CG	5	1333; 3362; 4073; 5335; 7010
BstMWI	GCNNNNN!NNGC	43	90; 212; 244; 283; 376; 400; 834; 1396; 1560; 1608; 1665; 1941; 2005; 2022; 2185; 2466; 2532; 2963; 3010; 3023; 3186; 3226; 3405; 3836; 4653; 4683; 4710; 4752; 4993; 5065; 5116; 5195; 5417; 5501; 5524; 5663; 5786; 5869; 6136; 6323; 6527; 6726; 7298
BstNI	CC!WGG	43	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3544; 3688; 3703; 3832; 4962; 5017; 5034; 5813; 6392; 6495; 7185; 7198; 7319
BstNSI	RCATG!Y	10	675; 1558; 2503; 3276; 3399; 3845; 4996; 5068; 5831; 7348
BstOI	CC!WGG	43	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3544; 3688; 3703; 3832; 4962; 5017; 5034; 5813; 6392; 6495; 7185; 7198; 7319
BstPI	G!GTNACC	0	
BstPAI	GACNN!NNGTC	1	4000
BstSCI	!CCNGG	58	88; 281; 695; 707; 713; 718; 812; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1532; 1583; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2846; 2867; 2888; 2912; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3347; 3542; 3591; 3686; 3701; 3830; 3939; 4960; 5015; 5032; 5428; 5588; 5811; 6201; 6390; 6493; 6965; 7183; 7196; 7317
BstSFI	C!TRYAG	6	1657; 2230; 3325; 4761; 6888; 7079
BstSLI	GKGC!C	13	899; 1541; 2100; 2252; 2401; 2567; 3348; 3424; 3451; 3484; 5372; 5465; 7034
BstSNI	TAC!GTA	1	340
BstUI	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4075; 4350; 4726; 4746; 4770; 4801; 5492; 5793; 6231; 6315; 6378; 6447; 6720; 7301

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Bst2UI	CC!WGG	43	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3544; 3688; 3703; 3832; 4962; 5017; 5034; 5813; 6392; 6495; 7185; 7198; 7319
BstVII	GCAGCNNNNNNNN!	15	687; 741; 1420; 1467; 2472; 2523; 2802; 3578; 4020; 4214; 5499; 5541; 6062; 6515; 7015
BstV1I	!NNNNNNNNNNNGCTGC	17	821; 1070; 1208; 1643; 1729; 1871; 1956; 2175; 2780; 3164; 3697; 4708; 5373; 5557; 5650; 6716; 6922
BstV2I	GAAGACNN!	3	1316; 1472; 3668
BstV2I	!NNNNNNNGTCTTC	0	
BstXI	CCANNNNN!NTGG	2	1299; 3045
BstX2I	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3907; 5597; 5843; 6235; 6594; 6606; 6692; 6703
BstYI	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3907; 5597; 5843; 6235; 6594; 6606; 6692; 6703
BstZI	C!GGCCG	2	4070; 5332
BstZ17I	GTA!TAC	0	
BsuI	GTATCCNNNNNN!	3	4855; 5645; 7146
BsuI	!NNNNNGGATAC	0	
Bsu15I	AT!CGAT	1	5266
Bsu36I	CC!TNAGG	4	2426; 3626; 4906; 6538
BsuRI	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3518; 3761; 3796; 3830; 3853; 3875; 3985; 4027; 4072; 4392; 4534; 5189; 5195; 5204; 5247; 5334; 5508; 5899; 5926; 6435; 6492; 6525; 6870; 7304; 7322; 7333
BsuTUI	AT!CGAT	1	5266
BtgI	C!CRYGG	11	360; 1055; 1519; 2219; 2762; 3167; 3284; 3340; 3368; 5155; 5858
BtgZI	GCGATGNNNNNNNNNN!	2	4543; 5878
BtgZI	!NNNNNNNNNNNNNNCATCGC	6	334; 1989; 2790; 3201; 5697; 6041
BthCI	GCNG!C	59	678; 732; 837; 840; 1086; 1224; 1411; 1458; 1511; 1611; 1659; 1671; 1674; 1745; 1887; 1972; 2002; 2191; 2463; 2514; 2652; 2793; 2796; 3180; 3185; 3192; 3518; 3569; 3713; 3830; 4011; 4075; 4205; 4724; 4746; 4760; 5198; 5337; 5389; 5400; 5490; 5495; 5532; 5573; 5660; 5666; 5902; 5998; 6039; 6053; 6167; 6506; 6521; 6732; 6938; 6941; 7006; 7149; 7304
BtrI	CAC!GTC	1	2385
BtrI	GAC!GTG	1	1266
BtsI	GCAGTGNN!	0	
BtsI	!CACTGC	1	4265
BtsCI	GGATGNN!	14	822; 990; 1164; 1236; 1308; 1341; 1718; 2213; 2856; 3230; 5286; 5743; 5768; 6222
BtsCI	!CATCC	13	1025; 1040; 1130; 1286; 1847; 2336; 2345; 2717; 2771; 3451; 3539; 3596; 5112
BtuMI	TCG!CGA	0	
BveI	ACCTGCNNNN!	5	710; 2237; 2654; 5694; 6144
BveI	!NNNNNNNNNGCAGGT	2	1743; 5313
Cac8I	GCN!NGC	44	86; 279; 593; 939; 1481; 1556; 1600; 1633; 1688; 2186; 2397; 2501; 2533; 2955; 3015; 3187; 3344; 3379; 3469; 3673; 4645; 4688; 4702; 4975; 4994; 5047; 5066; 5320; 5506; 5725; 5791; 5797; 5829; 5870; 5874; 5928; 6211; 6398; 6445; 6501; 6523; 6734; 7294; 7331
CaiI	CAGNNN!CTG	5	1572; 2274; 2841; 6527; 6935
CciI	T!CATGA	4	1349; 3020; 4852; 6624
CciNI	GC!GGCCGC	1	4070
CdiI	CATC!G	13	352; 801; 966; 1317; 2007; 2562; 2670; 2808; 3219; 5715; 5720; 5918; 6059
CdiI	C!GATG	4	3809; 3990; 4529; 5864
CdpI	GCGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1424; 7298
CdpI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCGC	3	486; 5087; 5129
CelII	GC!TNAGC	2	1675; 2638
CfoI	GCG!C	30	597; 1034; 1598; 2330; 2730; 3182; 3222; 3291; 3841; 4048; 4692; 4700; 4726; 4748; 4757; 4770; 4801; 5420; 5428; 5492; 5529; 5795; 6055; 6231; 6317; 6720; 6829; 7003; 7103; 7170
CfrI	Y!GGCCR	10	866; 1433; 1481; 2333; 4025; 4070; 5332; 5506; 5897; 5924

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Cfr9I	C!CCGGG	2	2846; 3347
Cfr10I	R!CCGGY	9	1193; 1592; 1682; 3238; 3357; 4643; 5745; 5926; 6209
Cfr13I	G!GNCC	38	83; 276; 639; 693; 699; 711; 921; 1019; 1196; 1812; 1980; 2097; 2132; 2216; 2226; 2448; 2478; 2564; 2621; 2631; 2813; 2891; 2935; 3033; 3228; 3241; 3345; 3517; 3760; 3852; 3873; 3957; 4533; 5942; 6387; 6433; 6491; 6524
Cfr42I	CCGC!GG	1	3343
ChaI	GATC!	42	589; 613; 792; 906; 1017; 1185; 1237; 1492; 1506; 1644; 1794; 1926; 2073; 2268; 2436; 2574; 2595; 2604; 2695; 2841; 2920; 3141; 3355; 3885; 3911; 4087; 5267; 5271; 5290; 5601; 5679; 5760; 5769; 5847; 6223; 6239; 6598; 6610; 6688; 6696; 6707; 6782
CjeI	CCANNNNNNGTNNNNNNNNNNNNNN!	7	2311; 3226; 3463; 5243; 6683; 6783; 6861
CjeI	!NNNNNNNNNACNNNNNTGG	12	64; 257; 703; 1135; 1556; 1720; 1843; 4910; 5005; 6197; 6747; 7302
CjeI	ACNNNNNTGGNNNNNNNNNNNNNN!	12	98; 291; 737; 1169; 1590; 1754; 1877; 4944; 5039; 6231; 6781; 7336
CjeI	!NNNNNNNNCCANNNNNNGT	7	2277; 3192; 3429; 5209; 6649; 6749; 6827
CjePI	CCANNNNNNTCNNNNNNNNNNNNNN!	6	667; 1069; 1399; 2442; 6683; 6861
CjePI	!NNNNNNNGANNNNNNNTGG	6	257; 673; 703; 3129; 6197; 6796
CjePI	GANNNNNNNTGGNNNNNNNNNNNN!	6	290; 706; 736; 3162; 6230; 6829
CjePI	!NNNNNNCCANNNNNNTC	6	634; 1036; 1366; 2409; 6650; 6828
Clal	AT!CGAT	1	5266
CpoI	CG!GWCCG	2	2132; 5942
CseI	GACGCNNNNN!	3	526; 6136; 6215
CseI	!NNNNNNNNNGCGTC	5	936; 3933; 4759; 6654; 7232
CsiI	A!CCWGGT	1	5015
Cspi	CG!GWCCG	2	2132; 5942
Csp6I	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 1278; 2166; 3210; 3294; 3337; 3411; 3561; 3813; 5731
Csp45I	TT!CGAA	2	3318; 6108
CspAI	A!CCGGT	1	3357
CspCI	CAANNNNGTGGNNNNNNNNNNNN!	1	411
CspCI	!NNNNNNNNNCCACNNNNNTTG	0	
CspCI	CCACNNNNNTGNNNNNNNNNNNN!	0	
CspCI	!NNNNNNNNNNCAANNNNGTGG	1	376
CstMI	AAGGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	2348; 3413; 4004; 4706; 6315
CstMI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCTT	1	2876
CviAII	C!ATG	46	301; 361; 636; 672; 752; 831; 1011; 1350; 1551; 1555; 1560; 1695; 1881; 1945; 2220; 2287; 2500; 2617; 2763; 3021; 3081; 3123; 3168; 3273; 3369; 3396; 3402; 3414; 3492; 3558; 3638; 3842; 3849; 4853; 4993; 5065; 5156; 5297; 5642; 5828; 5859; 5885; 6241; 6625; 7345; 7396
CviJI	RG!CY	175	42; 84; 93; 277; 566; 618; 624; 678; 718; 821; 828; 868; 873; 922; 937; 970; 1072; 1083; 1111; 1151; 1163; 1169; 1197; 1203; 1221; 1258; 1345; 1367; 1390; 1411; 1435; 1458; 1479; 1483; 1524; 1572; 1608; 1635; 1668; 1674; 1686; 1742; 1766; 1800; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 1969; 2016; 2025; 2098; 2122; 2163; 2188; 2218; 2284; 2302; 2335; 2463; 2485; 2526; 2545; 2551; 2565; 2637; 2642; 2682; 2697; 2715; 2783; 2793; 2867; 2893; 2953; 2966; 3067; 3097; 3127; 3145; 3177; 3189; 3205; 3229; 3242; 3315; 3346; 3381; 3408; 3471; 3518; 3547; 3554; 3632; 3698; 3710; 3754; 3761; 3788; 3796; 3830; 3853; 3861; 3875; 3985; 4021; 4027; 4072; 4095; 4205; 4372; 4392; 4534; 4615; 4629; 4643; 4924; 4965; 5037; 5160; 5189; 5195; 5204; 5212; 5235; 5247; 5253; 5334; 5351; 5359; 5386; 5411; 5495; 5504; 5508; 5532; 5570; 5646; 5663; 5682; 5745; 5789; 5799; 5816; 5899; 5926; 5930; 5967; 5990; 6006; 6186; 6213; 6274; 6396; 6435; 6492; 6499; 6506; 6525; 6536; 6787; 6816; 6859; 6870; 6935; 7014; 7039; 7044; 7090; 7180; 7278; 7304; 7322; 7333

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
CviKI-1	RG!CY	175	42; 84; 93; 277; 566; 618; 624; 678; 718; 821; 828; 868; 873; 922; 937; 970; 1072; 1083; 1111; 1151; 1163; 1169; 1197; 1203; 1221; 1258; 1345; 1367; 1390; 1411; 1435; 1458; 1479; 1483; 1524; 1572; 1608; 1635; 1668; 1674; 1686; 1742; 1766; 1800; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 1969; 2016; 2025; 2098; 2122; 2163; 2188; 2218; 2284; 2302; 2335; 2463; 2485; 2526; 2545; 2551; 2565; 2637; 2642; 2682; 2697; 2715; 2783; 2793; 2867; 2893; 2953; 2966; 3067; 3097; 3127; 3145; 3177; 3189; 3205; 3229; 3242; 3315; 3346; 3381; 3408; 3471; 3518; 3547; 3554; 3632; 3698; 3710; 3754; 3761; 3788; 3796; 3830; 3853; 3861; 3875; 3985; 4021; 4027; 4072; 4095; 4205; 4372; 4392; 4534; 4615; 4629; 4643; 4924; 4965; 5037; 5160; 5189; 5195; 5204; 5212; 5235; 5247; 5253; 5334; 5351; 5359; 5386; 5411; 5495; 5504; 5508; 5532; 5570; 5646; 5663; 5682; 5745; 5789; 5799; 5816; 5899; 5926; 5930; 5967; 5990; 6006; 6186; 6213; 6274; 6396; 6435; 6492; 6499; 6506; 6525; 6536; 6787; 6816; 6859; 6870; 6935; 7014; 7039; 7044; 7090; 7180; 7278; 7304; 7322; 7333
CviQI	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 1278; 2166; 3210; 3294; 3337; 3411; 3561; 3813; 5731
DdeI	C!TNAG	16	606; 653; 852; 1675; 1703; 2105; 2426; 2638; 3206; 3626; 4906; 5208; 6089; 6538; 6661; 7070
DinI	GGC!GCC	2	1597; 5427
DpnI	GA!TC	42	587; 611; 790; 904; 1015; 1183; 1235; 1490; 1504; 1642; 1792; 1924; 2071; 2266; 2434; 2572; 2593; 2602; 2693; 2839; 2918; 3139; 3353; 3883; 3909; 4085; 5265; 5269; 5288; 5599; 5677; 5758; 5767; 5845; 6221; 6237; 6596; 6608; 6686; 6694; 6705; 6780
DpnII	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
DraI	TTT!AAA	3	4128; 6570; 6589
DraII	RG!GNCCY	9	699; 921; 2096; 2097; 2226; 2564; 2621; 2935; 6524
DraIII	CACNNN!GTG	3	2047; 4017; 4542
DraRI	CAAGNACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	266; 2771; 3179; 3608; 6906
DraRI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCTTG	1	2147
DrdI	GACNNN!NNGTC	4	1359; 4497; 5453; 7242
DrdIV	TACGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
DrdIV	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGTA	1	476
DriI	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
DseDI	GACNNN!NNGTC	4	1359; 4497; 5453; 7242
EaeI	Y!GGCCR	10	866; 1433; 1481; 2333; 4025; 4070; 5332; 5506; 5897; 5924
EagI	C!GGCCG	2	4070; 5332
Eam1104I	CTCTCN!	0	
Eam1104I	!NNNNGAAGAG	7	677; 797; 1055; 2656; 4893; 5770; 5980
Eam1105I	GACNNN!NNGTC	2	3081; 3273
EarI	CTCTCN!	0	
EarI	!NNNNGAAGAG	7	677; 797; 1055; 2656; 4893; 5770; 5980
EciI	GGCGGANNNNNNNNNNNN!	5	1414; 4926; 5955; 7142; 7288
EciI	!NNNNNNNNNTCCGCC	5	496; 1495; 5097; 5118; 5139
Ecl136II	GAG!CTC	2	618; 2016
EclXI	C!GGCCG	2	4070; 5332
Eco24I	GRGCY!C	10	620; 1392; 2018; 2100; 2547; 2567; 3348; 4617; 5791; 6501
Eco31I	GGTCTCN!	1	1722
Eco31I	!NNNNNGAGACC	5	1897; 2143; 3889; 3988; 6415
Eco32I	GAT!ATC	0	
Eco47I	G!GWCC	19	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 3957; 5942; 6387
Eco47III	AGC!GCT	1	596
Eco52I	C!GGCCG	2	4070; 5332
Eco57I	CTGAAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	844; 3877; 5572; 6004
Eco57I	!NNNNNNNNNNNNNNNNCTTCAG	2	1052; 6802
Eco72I	CAC!GTG	1	2454
Eco81I	CC!TNAGG	4	2426; 3626; 4906; 6538
Eco88I	C!YCGRG	6	613; 1198; 1540; 2846; 2938; 3347
Eco91I	G!GTNACC	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Eco105I	TAC!GTA	1	340
Eco130I	C!CWGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5155; 5248; 5858; 6263
Eco147I	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3796; 5247
EcoHI	!CCSGG	15	695; 713; 812; 1532; 1583; 2846; 2888; 2912; 3347; 3591; 3939; 5428; 5588; 6201; 6965
EcoICRI	GAG!CTC	2	618; 2016
Eco57MI	CTGRAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	14	844; 1406; 1546; 1594; 1657; 1768; 1822; 2146; 2647; 2719; 3877; 5572; 6004; 6266
Eco57MI	!NNNNNNNNNNNNNNCTYCAG	4	1052; 3685; 6209; 6802
EcoNI	CCTNN!NNNAGG	2	772; 1750
Eco065I	G!GTNACC	0	
Eco0109I	RG!GNCCY	9	699; 921; 2096; 2097; 2226; 2564; 2621; 2935; 6524
EcoRI	G!AATTC	1	3320
EcoRII	!CCWGG	43	88; 281; 707; 718; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2867; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3542; 3686; 3701; 3830; 4960; 5015; 5032; 5811; 6390; 6493; 7183; 7196; 7317
EcoRV	GAT!ATC	0	
EcoT14I	C!CWGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5155; 5248; 5858; 6263
EcoT22I	ATGCA!T	5	1556; 2618; 4998; 5070; 7401
EcoT38I	GRGCY!C	10	620; 1392; 2018; 2100; 2547; 2567; 3348; 4617; 5791; 6501
Eco53kI	GAG!CTC	2	618; 2016
EgeI	GGC!GCC	2	1597; 5427
EheI	GGC!GCC	2	1597; 5427
ErhI	C!CWGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5155; 5248; 5858; 6263
EsaBC3I	TC!GA	21	615; 792; 801; 1956; 2739; 3319; 3332; 3510; 3537; 4005; 4576; 5267; 5540; 5696; 5720; 5756; 5918; 6109; 6154; 6409; 7247
Esp3I	CGTCTCN!	0	
Esp3I	!NNNNNGAGACG	1	3799
FaeI	CATG!	46	304; 364; 639; 675; 755; 834; 1014; 1353; 1554; 1558; 1563; 1698; 1884; 1948; 2223; 2290; 2503; 2620; 2766; 3024; 3084; 3126; 3171; 3276; 3372; 3399; 3405; 3417; 3495; 3561; 3641; 3845; 3852; 4856; 4996; 5068; 5159; 5300; 5645; 5831; 5862; 5888; 6244; 6628; 7348; 7399
FaiI	YA!TR	95	39; 46; 50; 67; 138; 146; 234; 236; 291; 302; 310; 362; 555; 557; 637; 647; 673; 753; 832; 934; 1012; 1147; 1351; 1462; 1552; 1556; 1561; 1696; 1769; 1882; 1901; 1946; 2036; 2177; 2221; 2288; 2392; 2501; 2618; 2657; 2764; 2975; 3022; 3082; 3124; 3169; 3274; 3370; 3397; 3403; 3415; 3493; 3559; 3639; 3657; 3843; 3850; 3903; 4088; 4098; 4164; 4209; 4414; 4842; 4854; 4985; 4994; 5057; 5066; 5090; 5157; 5181; 5298; 5362; 5643; 5668; 5829; 5860; 5886; 5958; 6174; 6242; 6320; 6372; 6533; 6550; 6552; 6554; 6626; 6904; 7093; 7209; 7282; 7346; 7397
FalI	AAGNNNNCTTNNNNNNNNNNNN!	2	3636; 5766
FalI	!NNNNNNNNAAGNNNNCTT	2	3604; 5734
FaqI	GGGACNNNNNNNNNN!	15	175; 326; 494; 706; 795; 1600; 2098; 2285; 2461; 2491; 2634; 3163; 5577; 6109; 6218
FaqI	!NNNNNNNNNNNNNGTCCC	6	2921; 3069; 4942; 5014; 5078; 6373
FatI	!CATG	46	300; 360; 635; 671; 751; 830; 1010; 1349; 1550; 1554; 1559; 1694; 1880; 1944; 2219; 2286; 2499; 2616; 2762; 3020; 3080; 3122; 3167; 3272; 3368; 3395; 3401; 3413; 3491; 3557; 3637; 3841; 3848; 4852; 4992; 5064; 5155; 5296; 5641; 5827; 5858; 5884; 6240; 6624; 7344; 7395
FauI	CCCGCNNNN!	12	93; 119; 286; 3022; 3094; 3825; 3927; 4748; 5103; 5124; 6320; 6452
FauI	!NNNNNNNGCGGG	10	771; 2177; 2388; 3335; 3862; 4679; 5549; 6086; 6224; 6371
FauNDI	CA!TATG	1	234
FbaI	T!GATCA	1	2691
FbII	GT!MKAC	2	3331; 3947
FmuI	GGNC!C	38	86; 279; 642; 696; 702; 714; 924; 1022; 1199; 1815; 1983; 2100; 2135; 2219; 2229; 2451; 2481; 2567; 2624; 2634; 2816; 2894; 2938; 3036; 3231; 3244; 3348; 3520; 3763; 3855; 3876; 3960; 4536; 5945; 6390; 6436; 6494; 6527

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Fnu4HI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3516; 3567; 3711; 3828; 4009; 4073; 4203; 4722; 4744; 4758; 5196; 5335; 5387; 5398; 5488; 5493; 5530; 5571; 5658; 5664; 5900; 5996; 6037; 6051; 6165; 6504; 6519; 6730; 6936; 6939; 7004; 7147; 7302
FokI	GGATGNNNNNNNNN!	14	829; 997; 1171; 1243; 1315; 1348; 1725; 2220; 2863; 3237; 5293; 5750; 5775; 6229
FokI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	11	1012; 1117; 1273; 1834; 2323; 2704; 2758; 3438; 3526; 3583; 5099
FriOI	GRGCY!C	10	620; 1392; 2018; 2100; 2547; 2567; 3348; 4617; 5791; 6501
FseI	GGCCGG!CC	0	
FspI	TGC!GCA	1	5528
FspAI	RTGC!GCAY	0	
FspBI	C!TAG	9	592; 1364; 4081; 4275; 4693; 5249; 6264; 6598; 6851
FspEI	CCNNNNNNNNNNNN!	265	56; 71; 98; 114; 128; 129; 156; 182; 220; 252; 291; 307; 333; 373; 450; 451; 482; 501; 520; 593; 614; 645; 675; 692; 709; 727; 777; 826; 882; 921; 936; 951; 975; 1017; 1035; 1053; 1068; 1086; 1102; 1125; 1147; 1177; 1198; 1212; 1250; 1294; 1320; 1341; 1359; 1387; 1404; 1425; 1449; 1497; 1519; 1546; 1563; 1597; 1612; 1626; 1645; 1677; 1696; 1712; 1749; 1807; 1828; 1846; 1860; 1893; 1920; 1944; 1965; 1986; 2013; 2057; 2071; 2092; 2112; 2148; 2166; 2193; 2207; 2232; 2253; 2268; 2292; 2316; 2331; 2349; 2376; 2391; 2415; 2430; 2464; 2483; 2517; 2559; 2579; 2619; 2637; 2656; 2696; 2722; 2766; 2788; 2814; 2829; 2848; 2868; 2902; 2917; 2937; 2951; 2967; 3004; 3027; 3049; 3076; 3099; 3130; 3144; 3180; 3196; 3210; 3243; 3257; 3291; 3322; 3353; 3368; 3413; 3438; 3468; 3485; 3499; 3532; 3546; 3564; 3588; 3602; 3633; 3666; 3693; 3708; 3727; 3763; 3810; 3829; 3844; 3867; 3889; 3904; 3924; 3943; 3973; 3999; 4041; 4086; 4109; 4148; 4162; 4303; 4398; 4422; 4445; 4468; 4486; 4508; 4529; 4548; 4567; 4596; 4617; 4631; 4657; 4745; 4771; 4820; 4861; 4879; 4918; 4934; 4972; 5029; 5044; 5101; 5121; 5135; 5152; 5166; 5203; 5218; 5261; 5344; 5411; 5442; 5462; 5477; 5522; 5536; 5602; 5616; 5635; 5651; 5692; 5712; 5759; 5809; 5825; 5845; 5870; 5890; 5913; 5940; 5958; 5984; 6024; 6050; 6074; 6130; 6144; 6172; 6215; 6236; 6271; 6315; 6403; 6427; 6449; 6469; 6485; 6506; 6520; 6539; 6623; 6643; 6671; 6686; 6720; 6762; 6789; 6804; 6849; 6873; 6887; 6909; 6935; 6955; 6979; 7005; 7053; 7072; 7091; 7117; 7152; 7197; 7227; 7241; 7292; 7306; 7331; 7347; 7368; 7397
FspEI	!NNNNNNNNNNNNNNNGG	219	8; 35; 59; 144; 166; 197; 252; 295; 347; 375; 400; 435; 463; 509; 529; 552; 586; 622; 670; 694; 733; 756; 790; 826; 850; 904; 929; 950; 971; 991; 1030; 1060; 1137; 1179; 1199; 1240; 1267; 1285; 1304; 1370; 1411; 1429; 1447; 1465; 1485; 1506; 1558; 1578; 1600; 1621; 1656; 1690; 1722; 1741; 1761; 1779; 1804; 1825; 1845; 1879; 1903; 1933; 1951; 1972; 1996; 2067; 2100; 2131; 2155; 2190; 2209; 2245; 2284; 2308; 2326; 2377; 2413; 2431; 2449; 2476; 2508; 2533; 2553; 2572; 2603; 2634; 2683; 2707; 2749; 2769; 2796; 2832; 2854; 2874; 2898; 2917; 2953; 2980; 3016; 3034; 3109; 3127; 3154; 3187; 3207; 3242; 3271; 3319; 3343; 3373; 3400; 3442; 3463; 3487; 3529; 3548; 3577; 3613; 3650; 3673; 3692; 3715; 3743; 3770; 3809; 3835; 3854; 3926; 3952; 4000; 4025; 4043; 4097; 4197; 4266; 4296; 4374; 4423; 4445; 4473; 4509; 4554; 4583; 4619; 4638; 4666; 4686; 4749; 4772; 4880; 4912; 4930; 4959; 5002; 5031; 5142; 5171; 5214; 5235; 5263; 5296; 5316; 5341; 5368; 5393; 5415; 5443; 5469; 5490; 5541; 5562; 5580; 5628; 5664; 5720; 5745; 5769; 5798; 5821; 5845; 5871; 5893; 5912; 5937; 5977; 6013; 6078; 6163; 6187; 6216; 6250; 6271; 6291; 6336; 6363; 6382; 6415; 6467; 6498; 6525; 6577; 6675; 6746; 6791; 6852; 6917; 6951; 6977; 6995; 7031; 7101; 7124; 7146; 7170; 7203; 7251; 7286; 7304; 7361
Fsp4HI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3516; 3567; 3711; 3828; 4009; 4073; 4203; 4722; 4744; 4758; 5196; 5335; 5387; 5398; 5488; 5493; 5530; 5571; 5658; 5664; 5900; 5996; 6037; 6051; 6165; 6504; 6519; 6730; 6936; 6939; 7004; 7147; 7302
GdiII	C!GGCCR	2	4070; 5332
GdiII	Y!GGCCG	5	1433; 4070; 5332; 5897; 5924

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
GlaI	GC!GC	30	596; 1033; 1597; 2329; 2729; 3181; 3221; 3290; 3840; 4047; 4691; 4699; 4725; 4747; 4756; 4769; 4800; 5419; 5427; 5491; 5528; 5794; 6054; 6230; 6316; 6719; 6828; 7002; 7102; 7169
GluI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3516; 3567; 3711; 3828; 4009; 4073; 4203; 4722; 4744; 4758; 5196; 5335; 5387; 5398; 5488; 5493; 5530; 5571; 5658; 5664; 5900; 5996; 6037; 6051; 6165; 6504; 6519; 6730; 6936; 6939; 7004; 7147; 7302
GsaI	CCCAG!C	4	3754; 4973; 5045; 7044
GsaI	GCTGG!G	4	2787; 3149; 3792; 5934
GsuI	CTGGAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	11	862; 1406; 1546; 1594; 1657; 1768; 1822; 2146; 2647; 2719; 6266
GsuI	!NNNNNNNNNNNNNNCTCCAG	2	3685; 6209
HaeI	WGG!CCW	20	821; 868; 1163; 1483; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2302; 2335; 2551; 3067; 3796; 4027; 5247; 5508; 6870; 7322; 7333
HaeII	RGCGC!Y	10	598; 1599; 2331; 2731; 3292; 4049; 4693; 4701; 5429; 7104
HaeIII	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3518; 3761; 3796; 3830; 3853; 3875; 3985; 4027; 4072; 4392; 4534; 5189; 5195; 5204; 5247; 5334; 5508; 5899; 5926; 6435; 6492; 6525; 6870; 7304; 7322; 7333
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	4	3100; 3292; 4101; 5622
HaeIV	!NNNNNNNNNGAYNNNNNRTC	4	3066; 3258; 4067; 5588
HaeIV	GAYNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	4	3099; 3291; 4100; 5621
HaeIV	!NNNNNNNGAYNNNNNRTC	4	3068; 3260; 4069; 5590
HapII	C!CGG	38	601; 696; 715; 771; 813; 1194; 1333; 1533; 1584; 1593; 1683; 1794; 1833; 2847; 2889; 2913; 2924; 3239; 3348; 3358; 3592; 3941; 4644; 5331; 5408; 5430; 5458; 5589; 5679; 5746; 5927; 6202; 6210; 6302; 6776; 6966; 6992; 7139
HgaI	GACGCNNNNN!	3	526; 6136; 6215
HgaI	!NNNNNNNNNNNGCGTC	5	936; 3933; 4759; 6654; 7232
HhaI	GCG!C	30	597; 1034; 1598; 2330; 2730; 3182; 3222; 3291; 3841; 4048; 4692; 4700; 4726; 4748; 4757; 4770; 4801; 5420; 5428; 5492; 5529; 5795; 6055; 6231; 6317; 6720; 6829; 7003; 7103; 7170
HinI	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3944; 5426; 6128; 6207
Hin1II	CATG!	46	304; 364; 639; 675; 755; 834; 1014; 1353; 1554; 1558; 1563; 1698; 1884; 1948; 2223; 2290; 2503; 2620; 2766; 3024; 3084; 3126; 3171; 3276; 3372; 3399; 3405; 3417; 3495; 3561; 3641; 3845; 3852; 4856; 4996; 5068; 5159; 5300; 5645; 5831; 5862; 5888; 6244; 6628; 7348; 7399
Hin4I	GAYNNNNNVTCNNNNNNNNNNNN!	4	3099; 3291; 4100; 5621
Hin4I	!NNNNNNNNNGABNNNNNRTC	5	3067; 3259; 4068; 5589; 5619
Hin4I	GABNNNNNRTCNNNNNNNNNNNN!	5	3099; 3291; 4100; 5621; 5651
Hin4I	!NNNNNNNNNGAYNNNNNVTC	4	3067; 3259; 4068; 5589
Hin6I	G!CGC	30	595; 1032; 1596; 2328; 2728; 3180; 3220; 3289; 3839; 4046; 4690; 4698; 4724; 4746; 4755; 4768; 4799; 5418; 5426; 5490; 5527; 5793; 6053; 6229; 6315; 6718; 6827; 7001; 7101; 7168
HinP1I	G!CGC	30	595; 1032; 1596; 2328; 2728; 3180; 3220; 3289; 3839; 4046; 4690; 4698; 4724; 4746; 4755; 4768; 4799; 5418; 5426; 5490; 5527; 5793; 6053; 6229; 6315; 6718; 6827; 7001; 7101; 7168
HincII	GTY!RAC	7	915; 1128; 1440; 2052; 2673; 3332; 4189
HindII	GTY!RAC	7	915; 1128; 1440; 2052; 2673; 3332; 4189
HindIII	A!AGCTT	2	622; 3313
HinfI	G!ANTC	19	410; 604; 649; 2038; 3247; 3497; 3647; 3974; 4077; 4469; 4491; 4901; 5911; 6045; 6097; 6155; 6192; 6974; 7370
HpaI	GTT!AAC	1	4189
HpaII	C!CGG	38	601; 696; 715; 771; 813; 1194; 1333; 1533; 1584; 1593; 1683; 1794; 1833; 2847; 2889; 2913; 2924; 3239; 3348; 3358; 3592; 3941; 4644; 5331; 5408; 5430; 5458; 5589; 5679; 5746; 5927; 6202; 6210; 6302; 6776; 6966; 6992; 7139
HphI	GGTGANNNNNNNN!	7	376; 868; 3384; 3753; 4063; 6497; 6613
HphI	!NNNNNNNTCACC	5	2033; 2790; 3642; 4543; 5604
Hpy8I	GTN!NAC	23	201; 539; 577; 859; 897; 915; 1128; 1440; 2052; 2250; 2673; 3033; 3332; 3429; 3449; 3744; 3948; 3957; 4189; 4473; 4490; 4545; 7032
Hpy99I	CGWCG!	11	3336; 3511; 3991; 4006; 5516; 5544; 5838; 5853; 6130; 6515; 7248



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
Hpy166II	GTN!NAC	23	201; 539; 577; 859; 897; 915; 1128; 1440; 2052; 2250; 2673; 3033; 3332; 3429; 3449; 3744; 3948; 3957; 4189; 4473; 4490; 4545; 7032
Hpy188I	TCN!GA	22	585; 609; 967; 1100; 1250; 1704; 1722; 1920; 2108; 2474; 2489; 3456; 4600; 5209; 5393; 5737; 6090; 6191; 6670; 6804; 7157; 7235
Hpy188III	TC!NNGA	41	613; 771; 792; 1017; 1134; 1350; 1385; 1794; 1938; 1956; 2125; 2373; 2428; 2574; 2595; 2841; 2938; 3021; 3135; 3265; 3933; 4081; 4853; 4905; 5218; 5271; 5444; 5760; 5769; 5852; 5908; 5952; 6042; 6075; 6144; 6625; 6699; 6782; 6880; 6978; 7112
HpyAV	CCTTCNNNNNN!	15	1389; 1701; 1962; 2205; 2250; 2907; 3078; 3141; 3288; 3537; 3585; 3630; 6071; 6178; 6857
HpyAV	!NNNNNGAAGG	18	768; 1072; 1149; 1221; 1389; 1755; 1833; 1887; 2108; 3457; 3829; 4659; 5554; 6283; 6299; 6482; 6799; 7109
HpyCH4III	ACN!GT	16	76; 198; 269; 543; 581; 1984; 3336; 3426; 4517; 5806; 5922; 6030; 6353; 6844; 7314; 7385
HpyCH4IV	A!CGT	22	122; 134; 175; 258; 339; 444; 911; 1265; 1358; 2384; 2453; 3725; 3953; 4001; 4486; 4498; 4541; 4651; 5542; 5729; 6510; 6643
HpyCH4V	TG!CA	33	675; 897; 1424; 1554; 1563; 1602; 1620; 1659; 2191; 2232; 2250; 2616; 3215; 3327; 3449; 3771; 3887; 4175; 4202; 4270; 4987; 4996; 5059; 5068; 5183; 5259; 5318; 5477; 5652; 5666; 6736; 7032; 7399
HpyF3I	C!TNAG	16	606; 653; 852; 1675; 1703; 2105; 2426; 2638; 3206; 3626; 4906; 5208; 6089; 6538; 6661; 7070
HpyF10VI	GCNNNNN!NNGC	43	90; 212; 244; 283; 376; 400; 834; 1396; 1560; 1608; 1665; 1941; 2005; 2022; 2185; 2466; 2532; 2963; 3010; 3023; 3186; 3226; 3405; 3836; 4653; 4683; 4710; 4752; 4993; 5065; 5116; 5195; 5417; 5501; 5524; 5663; 5786; 5869; 6136; 6323; 6527; 6726; 7298
Hsp92I	GR!CGYC	10	122; 175; 258; 444; 947; 1596; 3944; 5426; 6128; 6207
Hsp92II	CATG!	46	304; 364; 639; 675; 755; 834; 1014; 1353; 1554; 1558; 1563; 1698; 1884; 1948; 2223; 2290; 2503; 2620; 2766; 3024; 3084; 3126; 3171; 3276; 3372; 3399; 3405; 3417; 3495; 3561; 3641; 3845; 3852; 4856; 4996; 5068; 5159; 5300; 5645; 5831; 5862; 5888; 6244; 6628; 7348; 7399
HspAI	G!CGC	30	595; 1032; 1596; 2328; 2728; 3180; 3220; 3289; 3839; 4046; 4690; 4698; 4724; 4746; 4755; 4768; 4799; 5418; 5426; 5490; 5527; 5793; 6053; 6229; 6315; 6718; 6827; 7001; 7101; 7168
KasI	G!GCGCC	2	1595; 5425
KfII	GG!GWCCC	2	2621; 2935
KpnI	GGTAC!C	1	3340
Kpn2I	T!CCGGA	2	770; 1793
KspI	CCGC!GG	1	3343
Ksp22I	T!GATCA	1	2691
KspAI	GTT!AAC	1	4189
Kzo9I	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
LguI	GCTCTTCN!	0	
LguI	!NNNNGAAGAGC	3	2656; 5770; 5980
LpnI	RGCI!GCY	10	596; 1597; 2329; 2729; 3290; 4047; 4691; 4699; 5427; 7102
LpnPI	CCDGNNNNNNNNN!	116	102; 295; 614; 692; 709; 728; 784; 826; 887; 937; 951; 1018; 1042; 1057; 1102; 1147; 1207; 1294; 1346; 1405; 1456; 1497; 1546; 1597; 1612; 1645; 1696; 1749; 1807; 1831; 1846; 1872; 1978; 2058; 2092; 2173; 2242; 2281; 2324; 2344; 2386; 2560; 2580; 2638; 2659; 2725; 2823; 2848; 2881; 2902; 2926; 2967; 3007; 3058; 3076; 3154; 3214; 3252; 3269; 3361; 3499; 3556; 3605; 3638; 3700; 3715; 3764; 3844; 3868; 3892; 3954; 4041; 4163; 4468; 4657; 4880; 4918; 4934; 4974; 5029; 5046; 5146; 5231; 5344; 5421; 5443; 5466; 5602; 5616; 5635; 5692; 5759; 5809; 5825; 5882; 5940; 6149; 6215; 6239; 6315; 6404; 6507; 6540; 6771; 6789; 6935; 6955; 6979; 7005; 7054; 7152; 7197; 7227; 7306; 7331; 7368



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
LpnPI	!NNNNNNNNNNNNNNCHGG	111	75; 268; 552; 586; 675; 694; 756; 798; 826; 910; 940; 991; 1030; 1137; 1179; 1267; 1285; 1318; 1370; 1429; 1465; 1510; 1558; 1578; 1606; 1668; 1695; 1722; 1779; 1804; 1845; 1951; 1996; 2077; 2110; 2131; 2190; 2218; 2254; 2317; 2413; 2449; 2533; 2553; 2611; 2683; 2707; 2769; 2796; 2832; 2854; 2874; 2898; 2917; 2980; 3031; 3049; 3127; 3187; 3224; 3242; 3333; 3529; 3577; 3673; 3774; 3817; 3926; 3952; 4025; 4509; 4629; 4686; 4749; 4947; 4959; 5019; 5031; 5263; 5308; 5351; 5393; 5415; 5443; 5490; 5552; 5574; 5664; 5731; 5754; 5798; 5893; 5912; 5937; 6086; 6187; 6230; 6287; 6377; 6480; 6507; 6525; 6761; 6798; 6951; 6977; 7117; 7135; 7170; 7251; 7304
Lsp1109I	GCAGCNNNNNNNN!	15	687; 741; 1420; 1467; 2472; 2523; 2802; 3578; 4020; 4214; 5499; 5541; 6062; 6515; 7015
Lsp1109I	!NNNNNNNNNNNNNGCTGC	17	821; 1070; 1208; 1643; 1729; 1871; 1956; 2175; 2780; 3164; 3697; 4708; 5373; 5557; 5650; 6716; 6922
LweI	GCATCNNNNN!	13	1427; 2354; 2675; 2870; 3026; 3224; 3605; 4242; 5005; 5077; 5725; 5789; 6064
LweI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 1286; 2304; 2603; 2841; 3758; 3926; 5384; 5639; 5855; 7247
MabI	A!CCWGGT	1	5015
MaeI	C!TAG	9	592; 1364; 4081; 4275; 4693; 5249; 6264; 6598; 6851
MaeII	A!CGT	22	122; 134; 175; 258; 339; 444; 911; 1265; 1358; 2384; 2453; 3725; 3953; 4001; 4486; 4498; 4541; 4651; 5542; 5729; 6510; 6643
MaeIII	!GTNAC	19	61; 148; 497; 757; 1960; 2074; 3054; 3304; 3648; 3844; 4214; 4715; 4727; 5546; 5852; 6542; 6808; 6924; 6987
MalI	GA!TC	42	587; 611; 790; 904; 1015; 1183; 1235; 1490; 1504; 1642; 1792; 1924; 2071; 2266; 2434; 2572; 2593; 2602; 2693; 2839; 2918; 3139; 3353; 3883; 3909; 4085; 5265; 5269; 5288; 5599; 5677; 5758; 5767; 5845; 6221; 6237; 6596; 6608; 6686; 6694; 6705; 6780
MaqI	CRTTGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	6	144; 197; 466; 540; 2181; 3099
MaqI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCAAYG	4	157; 240; 426; 2030
MauBI	CG!CGCGCG	0	
MbiI	CCG!CTC	2	4850; 6039
MbiI	GAG!CGG	4	2130; 4069; 4686; 6093
MboI	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
MboII	GAAGANNNNNNNN!	15	694; 814; 985; 1008; 1072; 1321; 1477; 2673; 3673; 3786; 4682; 4910; 5787; 5997; 6616
MboII	!NNNNNNNTCTTC	5	2727; 6077; 6244; 6444; 6687
McaTI	GCGC!GC	0	
MfeI	C!AATTG	1	4176
MfII	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3907; 5597; 5843; 6235; 6594; 6606; 6692; 6703
MhII	GDGCH!C	24	620; 899; 1392; 1541; 2018; 2100; 2252; 2401; 2547; 2567; 2771; 3264; 3348; 3424; 3451; 3484; 4617; 5372; 5465; 5539; 5729; 5791; 6501; 7034
MIsI	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4027; 5508
MluI	A!CGCGT	0	
MluNI	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4027; 5508
MlyI	GAGTCNNNNN!	3	3656; 4478; 4910
MlyI	!NNNNNGACTC	8	404; 598; 2032; 3241; 4071; 4485; 6091; 6968
Mly113I	GG!CGCC	2	1596; 5426
MmeI	TCCRACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	932; 4519
MmeI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTYGGA	4	1299; 1475; 6951; 7135
MnII	CCTCNNNNNNN!	24	778; 1174; 1710; 1854; 1924; 2317; 2435; 2480; 2904; 2968; 3319; 3530; 3599; 3709; 3724; 3807; 3940; 4145; 5209; 6027; 6233; 6547; 6917; 7241
MnII	!NNNNNNGAGG	48	541; 678; 798; 837; 874; 1569; 1698; 1764; 1790; 1848; 1869; 1941; 2205; 2217; 2253; 2349; 2468; 2487; 2516; 2580; 2591; 2622; 2694; 2718; 2817; 2934; 3411; 3450; 3471; 3504; 3621; 3730; 3786; 3975; 4008; 4051; 4105; 4570; 4901; 5179; 5222; 5237; 5277; 5341; 5477; 5834; 6264; 7167
Mph1103I	ATGCA!T	5	1556; 2618; 4998; 5070; 7401
MreI	CG!CCGGCG	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MroI	T!CCGGA	2	770; 1793
MroNI	G!CCGGC	3	4643; 5926; 6209
MroXI	GAANN!NNTTC	1	2884
MscI	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4027; 5508
MseI	T!TAA	17	7; 3386; 3611; 4127; 4188; 4309; 4330; 4341; 4353; 4364; 4381; 4479; 4750; 6569; 6583; 6588; 6640
MslI	CAYNN!NNRTG	9	365; 634; 1054; 2611; 2774; 3166; 3370; 3400; 5863
MspI	C!CGG	38	601; 696; 715; 771; 813; 1194; 1333; 1533; 1584; 1593; 1683; 1794; 1833; 2847; 2889; 2913; 2924; 3239; 3348; 3358; 3592; 3941; 4644; 5331; 5408; 5430; 5458; 5589; 5679; 5746; 5927; 6202; 6210; 6302; 6776; 6966; 6992; 7139
Msp20I	TGG!CCA	5	868; 1483; 2335; 4027; 5508
MspA1I	CMG!CKG	11	1635; 2163; 2463; 2697; 2793; 3342; 3820; 4924; 5532; 6761; 7006
MspCI	C!TTAAG	1	4308
MspJI	CNNRNNNNNNNN!	386	36; 50; 71; 97; 113; 127; 147; 167; 219; 236; 251; 290; 306; 319; 332; 352; 373; 407; 424; 449; 481; 500; 523; 548; 574; 596; 613; 627; 640; 665; 684; 702; 720; 745; 759; 776; 791; 804; 825; 841; 864; 881; 897; 910; 930; 945; 963; 978; 993; 1017; 1041; 1056; 1085; 1101; 1127; 1146; 1164; 1177; 1200; 1216; 1237; 1252; 1278; 1293; 1312; 1340; 1362; 1376; 1397; 1412; 1429; 1455; 1471; 1485; 1522; 1537; 1552; 1567; 1585; 1605; 1624; 1644; 1665; 1687; 1707; 1722; 1748; 1765; 1795; 1813; 1830; 1845; 1864; 1877; 1893; 1929; 1944; 1957; 1977; 1990; 2005; 2019; 2038; 2052; 2069; 2091; 2104; 2117; 2137; 2158; 2172; 2192; 2217; 2232; 2245; 2263; 2280; 2297; 2310; 2323; 2343; 2362; 2375; 2390; 2408; 2424; 2438; 2454; 2476; 2493; 2512; 2527; 2542; 2558; 2574; 2587; 2607; 2629; 2646; 2691; 2710; 2724; 2743; 2757; 2775; 2788; 2809; 2822; 2847; 2860; 2880; 2901; 2925; 2940; 2961; 2979; 3005; 3026; 3049; 3075; 3093; 3110; 3125; 3147; 3165; 3180; 3196; 3209; 3231; 3245; 3264; 3277; 3297; 3312; 3331; 3353; 3370; 3390; 3408; 3426; 3456; 3474; 3489; 3504; 3522; 3555; 3570; 3594; 3613; 3637; 3650; 3666; 3684; 3698; 3714; 3727; 3741; 3762; 3775; 3796; 3815; 3829; 3843; 3861; 3874; 3891; 3904; 3918; 3931; 3945; 3966; 3979; 3998; 4017; 4040; 4061; 4086; 4099; 4114; 4133; 4150; 4163; 4204; 4218; 4231; 4249; 4287; 4302; 4320; 4361; 4385; 4405; 4423; 4444; 4467; 4499; 4514; 4536; 4554; 4567; 4588; 4605; 4618; 4631; 4647; 4660; 4690; 4705; 4730; 4748; 4761; 4776; 4800; 4814; 4838; 4863; 4879; 4917; 4933; 4972; 4986; 5000; 5028; 5044; 5058; 5072; 5101; 5114; 5135; 5144; 5166; 5196; 5212; 5230; 5260; 5283; 5307; 5331; 5350; 5378; 5404; 5420; 5433; 5456; 5470; 5490; 5503; 5517; 5536; 5550; 5563; 5579; 5594; 5607; 5623; 5638; 5654; 5679; 5698; 5714; 5727; 5740; 5758; 5772; 5786; 5802; 5824; 5840; 5859; 5881; 5897; 5920; 5939; 5953; 5969; 5983; 6003; 6019; 6032; 6054; 6087; 6101; 6121; 6134; 6148; 6202; 6215; 6238; 6251; 6270; 6287; 6314; 6350; 6383; 6402; 6427; 6448; 6475; 6488; 6505; 6519; 6534; 6550; 6610; 6635; 6651; 6673; 6686; 6700; 6731; 6745; 6770; 6788; 6803; 6816; 6835; 6848; 6863; 6892; 6911; 6929; 6954; 6969; 6988; 7004; 7023; 7041; 7057; 7071; 7090; 7117; 7140; 7162; 7181; 7196; 7209; 7226; 7246; 7273; 7286; 7305; 7330; 7353; 7367; 7380; 7397

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
MspJI	!NNNNNNNNNNNNNYNG	320	8; 35; 59; 76; 97; 123; 145; 168; 197; 221; 269; 281; 310; 330; 347; 377; 400; 437; 465; 492; 511; 531; 553; 574; 593; 612; 632; 658; 676; 694; 733; 756; 778; 798; 817; 839; 856; 876; 904; 924; 941; 967; 991; 1015; 1040; 1060; 1077; 1120; 1138; 1158; 1180; 1199; 1234; 1252; 1279; 1305; 1324; 1343; 1361; 1378; 1407; 1429; 1447; 1466; 1491; 1511; 1528; 1546; 1569; 1591; 1618; 1639; 1656; 1673; 1690; 1722; 1739; 1756; 1774; 1796; 1818; 1838; 1867; 1886; 1903; 1924; 1942; 1963; 1997; 2021; 2043; 2060; 2077; 2110; 2132; 2155; 2191; 2215; 2233; 2254; 2273; 2297; 2317; 2341; 2359; 2377; 2407; 2432; 2450; 2468; 2486; 2506; 2525; 2547; 2566; 2596; 2620; 2642; 2665; 2684; 2707; 2731; 2749; 2766; 2796; 2821; 2842; 2869; 2894; 2918; 2940; 2960; 2980; 3000; 3031; 3049; 3067; 3104; 3121; 3139; 3160; 3182; 3205; 3225; 3242; 3259; 3281; 3298; 3327; 3344; 3364; 3382; 3400; 3430; 3454; 3472; 3496; 3515; 3537; 3568; 3587; 3611; 3644; 3673; 3715; 3737; 3770; 3790; 3817; 3835; 3852; 3870; 3898; 3919; 3940; 3964; 3986; 4009; 4026; 4052; 4078; 4107; 4136; 4178; 4261; 4296; 4323; 4346; 4375; 4419; 4441; 4473; 4509; 4526; 4547; 4584; 4604; 4621; 4638; 4673; 4691; 4709; 4726; 4750; 4772; 4799; 4827; 4853; 4891; 4912; 4929; 4947; 4970; 4991; 5019; 5042; 5063; 5081; 5102; 5119; 5142; 5166; 5186; 5204; 5226; 5257; 5279; 5305; 5324; 5341; 5369; 5388; 5407; 5425; 5443; 5464; 5486; 5510; 5543; 5563; 5581; 5602; 5628; 5655; 5672; 5689; 5706; 5732; 5754; 5776; 5794; 5814; 5833; 5855; 5893; 5913; 5937; 5957; 5977; 6004; 6028; 6061; 6080; 6108; 6130; 6159; 6187; 6212; 6231; 6250; 6271; 6288; 6305; 6336; 6363; 6383; 6406; 6426; 6463; 6480; 6499; 6525; 6545; 6584; 6611; 6630; 6648; 6685; 6703; 6744; 6762; 6788; 6805; 6837; 6866; 6894; 6915; 6938; 6957; 6978; 6996; 7013; 7031; 7057; 7078; 7098; 7118; 7136; 7157; 7183; 7200; 7219; 7238; 7267; 7286; 7304; 7323; 7341; 7359; 7382
MspR9I	CC!NGG	58	90; 283; 697; 709; 715; 720; 814; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1534; 1585; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2848; 2869; 2890; 2914; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3349; 3544; 3593; 3688; 3703; 3832; 3941; 4962; 5017; 5034; 5430; 5590; 5813; 6203; 6392; 6495; 6967; 7185; 7198; 7319
MssI	GTTT!AAC	0	
MunI	C!AATTG	1	4176
MvaI	CC!WGG	43	90; 283; 709; 720; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2869; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3544; 3688; 3703; 3832; 4962; 5017; 5034; 5813; 6392; 6495; 7185; 7198; 7319
Mva1269I	GAATGCN!	1	4177
Mva1269I	G!CATTC	1	4270
MvnI	CG!CG	20	60; 3089; 3185; 3220; 3222; 3342; 4075; 4350; 4726; 4746; 4770; 4801; 5492; 5793; 6231; 6315; 6378; 6447; 6720; 7301
MvrI	CGAT!CG	0	
MwoI	GCNNNNN!NNGC	43	90; 212; 244; 283; 376; 400; 834; 1396; 1560; 1608; 1665; 1941; 2005; 2022; 2185; 2466; 2532; 2963; 3010; 3023; 3186; 3226; 3405; 3836; 4653; 4683; 4710; 4752; 4993; 5065; 5116; 5195; 5417; 5501; 5524; 5663; 5786; 5869; 6136; 6323; 6527; 6726; 7298
NaeI	GCC!GGC	3	4645; 5928; 6211
NarI	GG!CGCC	2	1596; 5426
NciI	CC!SGG	15	697; 715; 814; 1534; 1585; 2848; 2890; 2914; 3349; 3593; 3941; 5430; 5590; 6203; 6967
NcoI	C!CATGG	7	360; 2219; 2762; 3167; 3368; 5155; 5858
NdeI	CA!TATG	1	234
NdeII	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
NgoAVIII	GACNNNNNTGANNNNNNNNNNNN!	4	280; 663; 2052; 3222
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNTCANNNNNGTC	1	3488
NgoAVIII	TCANNNNNGTCNNNNNNNNNNNNNN!	1	3524
NgoAVIII	!NNNNNNNNNNNGACNNNNNTGA	4	244; 627; 2016; 3186
NgoMIV	G!CCGGC	3	4643; 5926; 6209

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
NheI	G!CTAGC	1	591
NlaIII	CATG!	46	304; 364; 639; 675; 755; 834; 1014; 1353; 1554; 1558; 1563; 1698; 1884; 1948; 2223; 2290; 2503; 2620; 2766; 3024; 3084; 3126; 3171; 3276; 3372; 3399; 3405; 3417; 3495; 3561; 3641; 3845; 3852; 4856; 4996; 5068; 5159; 5300; 5645; 5831; 5862; 5888; 6244; 6628; 7348; 7399
NlaIV	GGN!NCC	45	467; 694; 700; 713; 969; 1389; 1504; 1538; 1597; 2097; 2098; 2217; 2400; 2449; 2468; 2479; 2544; 2565; 2572; 2622; 2623; 2936; 2937; 3035; 3230; 3243; 3338; 3346; 3353; 3423; 3483; 3874; 4581; 4602; 4614; 4805; 4966; 5038; 5427; 5462; 6310; 6389; 6434; 7277; 7316
NlaCI	CATCACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	2442; 4258; 4573; 6165
NlaCI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTGATG	4	347; 3748; 4034; 7237
Nli3877I	CYCGR!G	6	617; 1202; 1544; 2850; 2942; 3351
NmeAIII	GCCGAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	5215; 5651
NmeAIII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCGGC	3	1145; 3764; 5180
NmeDI	RCCGGYNNNNNNNN!	9	1205; 1604; 1694; 3250; 3369; 4655; 5757; 5938; 6221
NmeDI	!NNNNNNNNNNNNRCCGGY	9	1180; 1579; 1669; 3225; 3344; 4630; 5732; 5913; 6196
NmuCI	!GTSAC	9	1960; 2074; 3054; 3304; 3648; 3844; 4715; 5546; 5852
NotI	GC!GGCCGC	1	4070
NruI	TCG!CGA	0	
NsbI	TGC!GCA	1	5528
NsiI	ATGCA!T	5	1556; 2618; 4998; 5070; 7401
NspI	RCATG!Y	10	675; 1558; 2503; 3276; 3399; 3845; 4996; 5068; 5831; 7348
NspV	TT!CGAA	2	3318; 6108
OliI	CACNN!NNGTG	2	2774; 3370
PabI	GTA!C	15	220; 245; 300; 333; 384; 541; 1280; 2168; 3212; 3296; 3339; 3413; 3563; 3815; 5733
PacI	TTAAT!TAA	0	
PaeI	GCATG!C	5	1558; 2503; 4996; 5068; 5831
PaeR7I	C!TCGAG	1	613
PagI	T!CATGA	4	1349; 3020; 4852; 6624
PalAI	GG!CGCGCC	0	
PasI	CC!CWGGG	4	1005; 2994; 6391; 6494
PauI	G!CGCGC	0	
PceI	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3796; 5247
PciI	A!CATGT	2	3272; 7344
PciSI	GCTCTCN!	0	
PciSI	!NNNNGAAGAGC	3	2656; 5770; 5980
PcsI	WCGNNNN!NNNCGW	8	797; 4010; 5720; 5797; 6040; 6114; 6507; 7025
PctI	GAATGCN!	1	4177
PctI	G!CATTG	1	4270
PdiI	GCC!GGC	3	4645; 5928; 6211
PdmI	GAANN!NNTTC	1	2884
PfeI	G!AWTC	8	649; 3497; 3974; 5911; 6045; 6155; 6192; 7370
Pfl23II	C!GTACG	0	
PfIFI	GACN!NNGTC	2	3118; 5544
PfIMI	CCANNN!NTGG	2	3123; 3966
PfoI	T!CCNGGA	7	707; 812; 1043; 1583; 2720; 3701; 6201
PhoI	GG!CC	53	84; 277; 718; 821; 868; 922; 1163; 1197; 1435; 1483; 1686; 1843; 1858; 1879; 1930; 1951; 2098; 2218; 2302; 2335; 2551; 2565; 2893; 3067; 3229; 3242; 3346; 3518; 3761; 3796; 3830; 3853; 3875; 3985; 4027; 4072; 4392; 4534; 5189; 5195; 5204; 5247; 5334; 5508; 5899; 5926; 6435; 6492; 6525; 6870; 7304; 7322; 7333
PinAI	A!CCGGT	1	3357
PlaDI	CATCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	2888; 2987; 5807
PlaDI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGATG	3	2292; 5372; 5627
PleI	GAGTCNNNN!	3	3655; 4477; 4909
PleI	!NNNNNGACTC	8	404; 598; 2032; 3241; 4071; 4485; 6091; 6968
Ple19I	CGAT!CG	0	
PmaCI	CAC!GTG	1	2454
PmeI	GTTT!AAAC	0	
PmlI	CAC!GTG	1	2454
PpiI	GAACNNNNNNCTCNNNNNNNNNNNN!	1	4508
PpiI	!NNNNNNNNNGAGNNNNNGTTC	1	6638

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
PpiI	GAGNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	1	6670
PpiI	!NNNNNNNGAACNNNNNNCTC	1	4476
PpsI	GAGTCNNNN!	3	3655; 4477; 4909
PpsI	!NNNNNGACTC	8	404; 598; 2032; 3241; 4071; 4485; 6091; 6968
Ppu10I	A!TGCAT	5	1552; 2614; 4994; 5066; 7397
Ppu21I	YAC!GTR	5	340; 1359; 2454; 4542; 5730
PpuMI	RG!GWCCY	4	699; 2226; 2621; 2935
PscI	A!CATGT	2	3272; 7344
PshAI	GACNN!NNGTC	1	4000
PshBI	AT!TAAT	1	7
PsiI	TTA!TAA	2	4209; 4414
Psp03I	GGWC!C	19	642; 696; 702; 714; 1022; 1815; 1983; 2135; 2229; 2451; 2481; 2624; 2634; 2816; 2938; 3036; 3960; 5945; 6390
Psp51I	RG!GWCCY	4	699; 2226; 2621; 2935
Psp6I	!CCWGG	43	88; 281; 707; 718; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2867; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3542; 3686; 3701; 3830; 4960; 5015; 5032; 5811; 6390; 6493; 7183; 7196; 7317
Psp1406I	AA!CGTT	0	
Psp124BI	GAGCT!C	2	620; 2018
PspCI	CAC!GTG	1	2454
PspEI	G!GTNACC	0	
PspGI	!CCWGG	43	88; 281; 707; 718; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2867; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3542; 3686; 3701; 3830; 4960; 5015; 5032; 5811; 6390; 6493; 7183; 7196; 7317
PspLI	C!GTACG	0	
PspN4I	GGN!NCC	45	467; 694; 700; 713; 969; 1389; 1504; 1538; 1597; 2097; 2098; 2217; 2400; 2449; 2468; 2479; 2544; 2565; 2572; 2622; 2623; 2936; 2937; 3035; 3230; 3243; 3338; 3346; 3353; 3423; 3483; 3874; 4581; 4602; 4614; 4805; 4966; 5038; 5427; 5462; 6310; 6389; 6434; 7277; 7316
PspOMI	G!GGCCC	3	2096; 2563; 3344
PspOMII	CGCCCARNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	4	125; 1636; 5156; 6155
PspOMII	!NNNNNNNNNNNNNNNNNYTGGGCG	1	5558
PspPI	G!GNCC	38	83; 276; 639; 693; 699; 711; 921; 1019; 1196; 1812; 1980; 2097; 2132; 2216; 2226; 2448; 2478; 2564; 2621; 2631; 2813; 2891; 2935; 3033; 3228; 3241; 3345; 3517; 3760; 3852; 3873; 3957; 4533; 5942; 6387; 6433; 6491; 6524
PspPPI	RG!GWCCY	4	699; 2226; 2621; 2935
PspPRI	CCYAGNNNNNNNNNNNNNNNN!	5	2445; 3012; 4979; 5051; 6557
PspPRI	!NNNNNNNNNNNNNNCTGRGG	8	1689; 1723; 2078; 3032; 3132; 3612; 4892; 6087
PspXI	VC!TCGAGB	0	
PsrI	GAACNNNNNNNTACNNNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGTANNNNNNGTTC	0	
PsrI	GTANNNNNNGTTCNNNNNNNNNNNN!	0	
PsrI	!NNNNNNNGAACNNNNNNNTAC	0	
PssI	RGGNC!CY	9	702; 924; 2099; 2100; 2229; 2567; 2624; 2938; 6527
PstI	CTGCA!G	3	1661; 2234; 3329
PstNI	CAGNNN!CTG	5	1572; 2274; 2841; 6527; 6935
PsuI	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3907; 5597; 5843; 6235; 6594; 6606; 6692; 6703
PsyI	GACN!NNGTC	2	3118; 5544
PteI	G!CGCGC	0	
PvuI	CGAT!CG	0	
PvuII	CAG!CTG	7	1635; 2163; 2463; 2697; 2793; 4924; 5532
RcaI	T!CATGA	4	1349; 3020; 4852; 6624
RceI	CATCGACNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	5941
RceI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCGATG	0	
RgaI	GCGAT!CGC	0	
RigI	GGCCGG!CC	0	
RleAI	CCCACANNNNNNNNNNNNNN!	1	4155
RleAI	!NNNNNNNNNTGTGGG	1	2768
RpaBI	CCCGCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
RpaBI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGCGGG	0	

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
RpaB5I	CGRGGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	1	805
RpaB5I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNGTCCYCG	0	
RruI	TCG!CGA	0	
RsaI	GT!AC	15	219; 244; 299; 332; 383; 540; 1279; 2167; 3211; 3295; 3338; 3412; 3562; 3814; 5732
RsaNI	G!TAC	15	218; 243; 298; 331; 382; 539; 1278; 2166; 3210; 3294; 3337; 3411; 3561; 3813; 5731
RseI	CAYNN!NNRTG	9	365; 634; 1054; 2611; 2774; 3166; 3370; 3400; 5863
RsrII	CG!GWCCG	2	2132; 5942
Rsr2I	CG!GWCCG	2	2132; 5942
SacI	GAGCT!C	2	620; 2018
SacII	CCG!GG	1	3343
SaI	G!TCGAC	1	3330
SapI	GCTCTTCN!	0	
SapI	!NNNNGAAGAGC	3	2656; 5770; 5980
SaqAI	T!TAA	17	7; 3386; 3611; 4127; 4188; 4309; 4330; 4341; 4353; 4364; 4381; 4479; 4750; 6569; 6583; 6588; 6640
SatI	GC!NGC	59	676; 730; 835; 838; 1084; 1222; 1409; 1456; 1509; 1609; 1657; 1669; 1672; 1743; 1885; 1970; 2000; 2189; 2461; 2512; 2650; 2791; 2794; 3178; 3183; 3190; 3516; 3567; 3711; 3828; 4009; 4073; 4203; 4722; 4744; 4758; 5196; 5335; 5387; 5398; 5488; 5493; 5530; 5571; 5658; 5664; 5900; 5996; 6037; 6051; 6165; 6504; 6519; 6730; 6936; 6939; 7004; 7147; 7302
Sau96I	G!GNCC	38	83; 276; 639; 693; 699; 711; 921; 1019; 1196; 1812; 1980; 2097; 2132; 2216; 2226; 2448; 2478; 2564; 2621; 2631; 2813; 2891; 2935; 3033; 3228; 3241; 3345; 3517; 3760; 3852; 3873; 3957; 4533; 5942; 6387; 6433; 6491; 6524
Sau3AI	!GATC	42	585; 609; 788; 902; 1013; 1181; 1233; 1488; 1502; 1640; 1790; 1922; 2069; 2264; 2432; 2570; 2591; 2600; 2691; 2837; 2916; 3137; 3351; 3881; 3907; 4083; 5263; 5267; 5286; 5597; 5675; 5756; 5765; 5843; 6219; 6235; 6594; 6606; 6684; 6692; 6703; 6778
Sbfi	CCTGCA!GG	1	2234
ScaI	AGT!ACT	1	3211
SchI	GAGTCNNNNN!	3	3656; 4478; 4910
SchI	!NNNNNGACTC	8	404; 598; 2032; 3241; 4071; 4485; 6091; 6968
SciI	CTC!GAG	1	615
ScrFI	CC!NGG	58	90; 283; 697; 709; 715; 720; 814; 925; 1006; 1045; 1282; 1444; 1534; 1585; 1737; 1747; 1819; 1860; 1966; 1978; 2269; 2332; 2341; 2548; 2568; 2626; 2722; 2811; 2848; 2869; 2890; 2914; 2995; 3046; 3064; 3142; 3202; 3257; 3349; 3544; 3593; 3688; 3703; 3832; 3941; 4962; 5017; 5034; 5430; 5590; 5813; 6203; 6392; 6495; 6967; 7185; 7198; 7319
SdaI	CCTGCA!GG	1	2234
SdeAI	CAGRAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	17	706; 1419; 1470; 1593; 1647; 1863; 1917; 2037; 2133; 2454; 2748; 2895; 3798; 5004; 5076; 5245; 7187
SdeAI	!NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTYCTG	5	686; 1067; 1150; 5581; 6066
SdeOSI	GACNNNNRTGANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	3	279; 662; 2051
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNTCAYNNNNNGTC	0	
SdeOSI	TCAYNNNNNGTCNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	0	
SdeOSI	!NNNNNNNNNNNGACNNNNRTGA	3	245; 628; 2017
SduI	GDGCH!C	24	620; 899; 1392; 1541; 2018; 2100; 2252; 2401; 2547; 2567; 2771; 3264; 3348; 3424; 3451; 3484; 4617; 5372; 5465; 5539; 5729; 5791; 6501; 7034
SelI	!CGCG	20	58; 3087; 3183; 3218; 3220; 3340; 4073; 4348; 4724; 4744; 4768; 4799; 5490; 5791; 6229; 6313; 6376; 6445; 6718; 7299
SetI	ASST!	114	125; 137; 178; 261; 308; 342; 447; 552; 568; 620; 626; 704; 770; 830; 848; 858; 914; 1153; 1205; 1223; 1268; 1283; 1361; 1369; 1430; 1460; 1481; 1574; 1619; 1637; 1670; 1757; 1820; 1967; 2018; 2027; 2124; 2165; 2231; 2242; 2360; 2380; 2387; 2456; 2465; 2487; 2639; 2648; 2699; 2717; 2795; 2828; 2968; 3179; 3191; 3261; 3311; 3317; 3383; 3410; 3506; 3556; 3577; 3728; 3734; 3863; 3881; 3893; 3932; 3956; 4000; 4004; 4019; 4062; 4116; 4137; 4146; 4158; 4207; 4374; 4489; 4501; 4544; 4581; 4631; 4654; 4778; 4926; 5021; 5214; 5327; 5455; 5534; 5545; 5617; 5688; 5732; 5992; 6138; 6182; 6513; 6544; 6603; 6646; 6789; 6810; 6909; 7046; 7061; 7080; 7092; 7136; 7182; 7233
SexAI	A!CCWGGT	1	5015

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SfaAI	GCGAT!CGC	0	
SfaNI	GCATCNNNNN!	13	1427; 2354; 2675; 2870; 3026; 3224; 3605; 4242; 5005; 5077; 5725; 5789; 6064
SfaNI	!NNNNNNNNNGATGC	11	357; 1286; 2304; 2603; 2841; 3758; 3926; 5384; 5639; 5855; 7247
SfcI	C!TRYAG	6	1657; 2230; 3325; 4761; 6888; 7079
SfiI	GGCCNNNN!NGGCC	1	5201
SfoI	GGC!GCC	2	1597; 5427
Sfr274I	C!TCGAG	1	613
Sfr303I	CCGC!GG	1	3343
SfuI	TT!CGAA	2	3318; 6108
SgeI	CNNGNNNNNNNNN!	309	6; 36; 71; 97; 123; 223; 236; 252; 290; 307; 336; 373; 407; 426; 491; 548; 579; 604; 625; 648; 684; 702; 720; 759; 783; 804; 825; 843; 866; 882; 897; 912; 930; 950; 967; 993; 1017; 1041; 1056; 1086; 1101; 1146; 1164; 1177; 1206; 1227; 1278; 1293; 1312; 1340; 1362; 1376; 1397; 1437; 1455; 1485; 1530; 1545; 1563; 1585; 1605; 1626; 1644; 1665; 1695; 1722; 1748; 1765; 1806; 1822; 1845; 1864; 1893; 1929; 1944; 1957; 1977; 1990; 2023; 2038; 2057; 2091; 2104; 2137; 2158; 2172; 2193; 2217; 2232; 2245; 2280; 2299; 2323; 2343; 2376; 2395; 2408; 2433; 2464; 2483; 2512; 2544; 2559; 2574; 2592; 2607; 2629; 2646; 2691; 2710; 2724; 2757; 2775; 2788; 2822; 2847; 2860; 2880; 2901; 2925; 2944; 2966; 2979; 3006; 3026; 3057; 3075; 3093; 3130; 3147; 3165; 3180; 3196; 3213; 3231; 3251; 3264; 3277; 3297; 3312; 3353; 3370; 3390; 3408; 3426; 3456; 3480; 3498; 3513; 3555; 3570; 3594; 3613; 3637; 3650; 3678; 3699; 3714; 3741; 3763; 3796; 3816; 3829; 3843; 3861; 3874; 3891; 3904; 3924; 3945; 3966; 3979; 4017; 4040; 4061; 4086; 4133; 4162; 4204; 4287; 4361; 4445; 4467; 4499; 4536; 4554; 4573; 4588; 4630; 4647; 4664; 4699; 4713; 4730; 4752; 4776; 4800; 4865; 4879; 4917; 4933; 4973; 4986; 5005; 5028; 5045; 5058; 5077; 5107; 5128; 5145; 5168; 5203; 5230; 5261; 5283; 5309; 5331; 5350; 5378; 5414; 5433; 5456; 5470; 5490; 5503; 5517; 5536; 5550; 5569; 5601; 5615; 5628; 5654; 5685; 5698; 5715; 5732; 5746; 5763; 5781; 5796; 5824; 5840; 5859; 5881; 5897; 5920; 5939; 5964; 5983; 6003; 6030; 6054; 6087; 6106; 6134; 6148; 6214; 6238; 6253; 6276; 6297; 6314; 6362; 6389; 6403; 6432; 6456; 6489; 6506; 6526; 6539; 6552; 6610; 6637; 6656; 6686; 6711; 6731; 6745; 6770; 6788; 6825; 6863; 6892; 6920; 6934; 6954; 6969; 6990; 7004; 7023; 7041; 7057; 7097; 7117; 7144; 7162; 7183; 7196; 7209; 7226; 7250; 7273; 7305; 7330; 7357; 7379
SgeI	!NNNNNNNNNNNNNCNNG	268	10; 45; 71; 97; 197; 226; 264; 281; 310; 347; 381; 400; 465; 522; 553; 578; 599; 622; 658; 676; 694; 733; 757; 778; 799; 817; 840; 860; 886; 904; 924; 941; 967; 991; 1015; 1042; 1060; 1120; 1138; 1180; 1201; 1252; 1279; 1314; 1336; 1361; 1378; 1411; 1429; 1459; 1504; 1526; 1546; 1570; 1591; 1618; 1639; 1669; 1696; 1722; 1739; 1780; 1804; 1838; 1867; 1903; 1924; 1942; 1963; 1997; 2031; 2065; 2111; 2132; 2155; 2191; 2215; 2254; 2273; 2297; 2317; 2350; 2369; 2407; 2438; 2457; 2486; 2518; 2548; 2566; 2603; 2620; 2665; 2684; 2707; 2731; 2749; 2770; 2796; 2821; 2842; 2875; 2899; 2918; 2940; 2980; 3000; 3031; 3049; 3067; 3104; 3121; 3139; 3160; 3182; 3205; 3225; 3242; 3259; 3286; 3327; 3344; 3364; 3382; 3400; 3430; 3454; 3472; 3496; 3529; 3568; 3587; 3611; 3652; 3673; 3715; 3737; 3770; 3790; 3817; 3835; 3856; 3878; 3898; 3919; 3940; 3964; 3991; 4014; 4035; 4060; 4107; 4136; 4178; 4261; 4335; 4419; 4441; 4473; 4510; 4528; 4547; 4604; 4621; 4638; 4673; 4691; 4711; 4731; 4750; 4774; 4839; 4891; 4947; 4979; 5002; 5019; 5051; 5081; 5102; 5119; 5142; 5177; 5204; 5235; 5257; 5283; 5305; 5324; 5352; 5388; 5407; 5430; 5451; 5469; 5486; 5510; 5543; 5575; 5602; 5628; 5659; 5689; 5706; 5732; 5755; 5776; 5798; 5818; 5838; 5855; 5894; 5913; 5938; 5957; 5977; 6004; 6028; 6061; 6080; 6108; 6130; 6188; 6212; 6231; 6250; 6271; 6288; 6336; 6363; 6383; 6406; 6430; 6463; 6480; 6500; 6526; 6584; 6611; 6630; 6660; 6685; 6705; 6744; 6762; 6799; 6837; 6866; 6894; 6915; 6943; 6964; 6997; 7015; 7071; 7091; 7118; 7136; 7157; 7183; 7200; 7224; 7247; 7279; 7304; 7331; 7353; 7382
Sgfl	GCGAT!CGC	0	
SgrAI	CR!CCGGYG	0	
SgrBI	CCGC!GG	1	3343

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
SgrDI	CG!TCGACG	0	
SgsI	GG!CGCGCC	0	
SimI	GG!GTC	5	27; 2935; 4573; 6360; 7153
SimI	!GACCC	10	106; 711; 1001; 2621; 2843; 2988; 3033; 5854; 6422; 6670
SinI	G!GWCC	19	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 3957; 5942; 6387
SlaI	C!TCGAG	1	613
SmaI	CCC!GGG	2	2848; 3349
SmiI	ATTT!AAAT	0	
SmiMI	CAYNN!NNRTG	9	365; 634; 1054; 2611; 2774; 3166; 3370; 3400; 5863
SmlI	C!TYRAG	11	613; 619; 1936; 3310; 3892; 3931; 4308; 5817; 6699; 6976; 7238
SmoI	C!TYRAG	11	613; 619; 1936; 3310; 3892; 3931; 4308; 5817; 6699; 6976; 7238
SmuI	CCCGCNNNN!	12	93; 119; 286; 3022; 3094; 3825; 3927; 4748; 5103; 5124; 6320; 6452
SmuI	!NNNNNNGCGGG	10	771; 2177; 2388; 3335; 3862; 4679; 5549; 6086; 6224; 6371
SnaBI	TAC!GTA	1	340
SpeI	A!CTAGT	0	
SphI	GCATG!C	5	1558; 2503; 4996; 5068; 5831
SrfI	GCCC!GGGC	0	
Sse9I	!AATT	12	18; 3007; 3320; 4176; 4240; 4318; 4344; 4355; 5002; 5074; 5166; 6584
Sse8387I	CCTGCA!GG	1	2234
Sse8647I	AG!GWCCCT	1	2226
SseBI	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3796; 5247
SsiI	C!CGC	45	58; 86; 98; 112; 279; 507; 589; 1506; 1509; 1609; 1907; 2000; 3015; 3042; 3087; 3183; 3340; 3680; 3818; 3920; 4073; 4741; 4744; 4758; 4848; 5096; 5108; 5117; 5129; 5139; 5150; 5196; 5335; 5398; 5900; 5945; 6011; 6037; 6162; 6165; 6313; 6445; 6752; 6896; 7392
SsiI	G!CGG	38	370; 403; 528; 778; 1224; 1399; 1671; 2130; 2184; 2395; 2457; 2649; 3222; 3342; 3515; 3827; 3869; 4069; 4686; 4713; 4801; 4911; 5492; 5556; 5657; 5660; 5940; 5995; 6093; 6231; 6378; 6518; 6761; 7006; 7127; 7146; 7273; 7301
SspI	AAT!ATT	2	4334; 4887
SspDI	G!GCGCC	2	1595; 5425
SspD5I	GGTGANNNNNNNN!	7	376; 868; 3384; 3753; 4063; 6497; 6613
SspD5I	!NNNNNNNNNTCACC	5	2032; 2789; 3641; 4542; 5603
SstI	GAGCT!C	2	620; 2018
SstII	CCGC!GG	1	3343
SstE37I	CGAAGACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN!	2	1334; 3686
SstE37I	!NNNNNNNNNNNNNNNNNGTCTTCG	0	
Sth132I	CCCGNNNN!	33	92; 118; 285; 721; 1205; 1335; 1525; 1547; 2064; 2511; 2853; 2945; 3021; 3093; 3203; 3251; 3354; 3608; 3824; 3926; 3947; 4625; 4747; 5102; 5123; 5436; 5839; 5978; 6049; 6319; 6451; 6681; 7119
Sth132I	!NNNNNNNNCGGG	35	15; 407; 470; 688; 770; 805; 1206; 1525; 1576; 2176; 2387; 2553; 2586; 2839; 2881; 2905; 3334; 3584; 3657; 3861; 4626; 4678; 4779; 5506; 5548; 5581; 6085; 6194; 6223; 6370; 6474; 6505; 6958; 7002; 7210
Sth302II	CC!GG	38	602; 697; 716; 772; 814; 1195; 1334; 1534; 1585; 1594; 1684; 1795; 1834; 2848; 2890; 2914; 2925; 3240; 3349; 3359; 3593; 3942; 4645; 5332; 5409; 5431; 5459; 5590; 5680; 5747; 5928; 6203; 6211; 6303; 6777; 6967; 6993; 7140
StrI	C!TCGAG	1	613
StsI	GGATGNNNNNNNNNN!	14	830; 998; 1172; 1244; 1316; 1349; 1726; 2221; 2864; 3238; 5294; 5751; 5776; 6230
StsI	!NNNNNNNNNNNNNCATCC	11	1011; 1116; 1272; 1833; 2322; 2703; 2757; 3437; 3525; 3582; 5098
StuI	AGG!CCT	7	1843; 1858; 1930; 1951; 3067; 3796; 5247
StyI	C!CWGGG	12	360; 1073; 1613; 2219; 2762; 2855; 3167; 3368; 5155; 5248; 5858; 6263



Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
StyD4I	!CCNGG	58	88; 281; 695; 707; 713; 718; 812; 923; 1004; 1043; 1280; 1442; 1532; 1583; 1735; 1745; 1817; 1858; 1964; 1976; 2267; 2330; 2339; 2546; 2566; 2624; 2720; 2809; 2846; 2867; 2888; 2912; 2993; 3044; 3062; 3140; 3200; 3255; 3347; 3542; 3591; 3686; 3701; 3830; 3939; 4960; 5015; 5032; 5428; 5588; 5811; 6201; 6390; 6493; 6965; 7183; 7196; 7317
SwaI	ATT!AAAT	0	
TaaI	ACN!GT	16	76; 198; 269; 543; 581; 1984; 3336; 3426; 4517; 5806; 5922; 6030; 6353; 6844; 7314; 7385
TaiI	ACGT!	22	125; 137; 178; 261; 342; 447; 914; 1268; 1361; 2387; 2456; 3728; 3956; 4004; 4489; 4501; 4544; 4654; 5545; 5732; 6513; 6646
TaqI	T!CGA	21	614; 791; 800; 1955; 2738; 3318; 3331; 3509; 3536; 4004; 4575; 5266; 5539; 5695; 5719; 5755; 5917; 6108; 6153; 6408; 7246
TaqII	GACCGANNNNNNNNNNN!	4	2149; 4446; 5463; 6131
TaqII	!NNNNNNNNNTCGGTC	1	6375
TaqII	CACCCANNNNNNNNNNN!	2	2058; 3499
TaqII	!NNNNNNNNNTGGGTG	3	172; 5330; 5922
TasI	!AATT	12	18; 3007; 3320; 4176; 4240; 4318; 4344; 4355; 5002; 5074; 5166; 6584
TatI	W!GTACW	7	217; 297; 330; 381; 2165; 3209; 3410
TauI	GCSG!C	25	1511; 1611; 1674; 2002; 2460; 2652; 3185; 3518; 3830; 4075; 4746; 4760; 5198; 5337; 5400; 5495; 5660; 5663; 5902; 5998; 6039; 6167; 6521; 7149; 7304
TfiI	G!AWTC	8	649; 3497; 3974; 5911; 6045; 6155; 6192; 7370
TliI	C!TCGAG	1	613
TruII	T!TAA	17	7; 3386; 3611; 4127; 4188; 4309; 4330; 4341; 4353; 4364; 4381; 4479; 4750; 6569; 6583; 6588; 6640
Tru9I	T!TAA	17	7; 3386; 3611; 4127; 4188; 4309; 4330; 4341; 4353; 4364; 4381; 4479; 4750; 6569; 6583; 6588; 6640
TscAI	CASTGNN!	9	1491; 2052; 2086; 2936; 4272; 5555; 6665; 6936; 6949
TseI	G!CWGC	36	675; 729; 834; 837; 1083; 1221; 1408; 1455; 1656; 1668; 1742; 1884; 1969; 2188; 2460; 2511; 2790; 2793; 3177; 3189; 3566; 3710; 4008; 4202; 4721; 5386; 5487; 5529; 5570; 5663; 6050; 6503; 6729; 6935; 6938; 7003
TsoI	TARCCANNNNNNNNNNN!	3	951; 4398; 4745
TsoI	!NNNNNNNNNTGGYTA	3	3535; 4203; 5955
Tsp45I	!GTSAC	9	1960; 2074; 3054; 3304; 3648; 3844; 4715; 5546; 5852
Tsp509I	!AATT	12	18; 3007; 3320; 4176; 4240; 4318; 4344; 4355; 5002; 5074; 5166; 6584
TspDTI	ATGAANNNNNNNNNNN!	5	2893; 3418; 4184; 5485; 6189
TspDTI	!NNNNNNNNNTTCAT	10	26; 921; 1683; 2232; 3060; 3546; 3567; 5903; 6359; 6566
TspEI	!AATT	12	18; 3007; 3320; 4176; 4240; 4318; 4344; 4355; 5002; 5074; 5166; 6584
TspGWI	ACGGANNNNNNNNNNN!	2	2506; 6301
TspGWI	!NNNNNNNNNTCCGT	3	1044; 2764; 3240
TspMI	C!CCGGG	2	2846; 3347
TspRI	CASTGNN!	9	1491; 2052; 2086; 2936; 4272; 5555; 6665; 6936; 6949
TstI	CACNNNNNNNTCCNNNNNNNNNNNN!	2	921; 2951
TstI	!NNNNNNNGGANNNNNNNGTG	0	
TstI	GGANNNNNNGTGNNNNNNNNNNNN!	0	
TstI	!NNNNNNNNNCACNNNNNNNTCC	2	889; 2919
Tth111I	GACN!NNGTC	2	3118; 5544
Tth111II	CAARCANNNNNNNNNNN!	4	2548; 2761; 3598; 6753
Tth111II	!NNNNNNNNNTGYTTG	3	5861; 6721; 6760
UnbI	!GGNCC	38	82; 275; 638; 692; 698; 710; 920; 1018; 1195; 1811; 1979; 2096; 2131; 2215; 2225; 2447; 2477; 2563; 2620; 2630; 2812; 2890; 2934; 3032; 3227; 3240; 3344; 3516; 3759; 3851; 3872; 3956; 4532; 5941; 6386; 6432; 6490; 6523
Van9II	CCANNNN!NTGG	2	3123; 3966
Vha464I	C!TTAAG	1	4308
VneI	G!TGCAC	4	895; 2248; 3447; 7030
VpaK11AI	!GGWCC	19	638; 692; 698; 710; 1018; 1811; 1979; 2131; 2225; 2447; 2477; 2620; 2630; 2812; 2934; 3032; 3956; 5941; 6386
VpaK11BI	G!GWCC	19	639; 693; 699; 711; 1019; 1812; 1980; 2132; 2226; 2448; 2478; 2621; 2631; 2813; 2935; 3033; 3957; 5942; 6387
VspI	AT!TAAT	1	7

Enzyme name	Sequence	Count	Cutting Position (the base to the left of the cut site)
XagI	CCTNN!NNNAGG	2	772; 1750
XapI	R!AATTY	5	3007; 3320; 4240; 4344; 4355
XbaI	T!CTAGA	1	4080
XceI	RCATG!Y	10	675; 1558; 2503; 3276; 3399; 3845; 4996; 5068; 5831; 7348
XcmI	CCANNNNN!NNNNTGG	4	686; 1381; 1491; 2760
XhoI	C!TCGAG	1	613
XhoII	R!GATCY	20	585; 609; 902; 1502; 1790; 2069; 2264; 2570; 2600; 2837; 3137; 3351; 3907; 5597; 5843; 6235; 6594; 6606; 6692; 6703
XmaI	C!CCGGG	2	2846; 3347
XmaJI	C!CTAGG	2	5248; 6263
XmiI	GT!MKAC	2	3331; 3947
XmnI	GAANN!NNTTC	1	2884
XspI	C!TAG	9	592; 1364; 4081; 4275; 4693; 5249; 6264; 6598; 6851
ZraI	GAC!GTC	4	123; 176; 259; 445
ZrmI	AGT!ACT	1	3211
Zsp2I	ATGCA!T	5	1556; 2618; 4998; 5070; 7401